

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11) 特許出願公開番号

特開2016-105712

(P2016-105712A)

(43) 公開日 平成28年6月16日(2016.6.16)

(51) Int.Cl.	F I	テーマコード (参考)
C 1 2 Q 1/02 (2006.01)	C 1 2 Q 1/02 Z N A	2 G 0 4 5
C 1 2 N 5/073 (2010.01)	C 1 2 N 5/073	4 B 0 2 4
C 1 2 N 15/09 (2006.01)	C 1 2 N 15/00 A	4 B 0 6 3
G 0 1 N 33/68 (2006.01)	G 0 1 N 33/68	4 B 0 6 5
G 0 1 N 33/53 (2006.01)	G 0 1 N 33/53 Y	
審査請求 有 請求項の数 14 O L (全 91 頁)		

(21) 出願番号	特願2015-252389 (P2015-252389)	(71) 出願人	503431792
(22) 出願日	平成27年12月24日 (2015.12.24)		ヴィアサイト、インコーポレイテッド
(62) 分割の表示	特願2014-81238 (P2014-81238)		アメリカ合衆国 カリフォルニア 921
原出願日	平成17年6月23日 (2005.6.23)		21 サン ディエゴ ルーム 503
(31) 優先権主張番号	60/586,566		ビルディング 2 ジェネラル アトミク
(32) 優先日	平成16年7月9日 (2004.7.9)	(74) 代理人	ス コート 3550
(33) 優先権主張国	米国 (US)		100100549
(31) 優先権主張番号	60/587,942		弁理士 川口 嘉之
(32) 優先日	平成16年7月14日 (2004.7.14)	(72) 発明者	ダムール、ケヴィン アレン
(33) 優先権主張国	米国 (US)		アメリカ合衆国 カリフォルニア 921
(31) 優先権主張番号	11/021,618		22 サン ディエゴ カミニト パント
(32) 優先日	平成16年12月23日 (2004.12.23)		ジャ 7235
(33) 優先権主張国	米国 (US)		

最終頁に続く

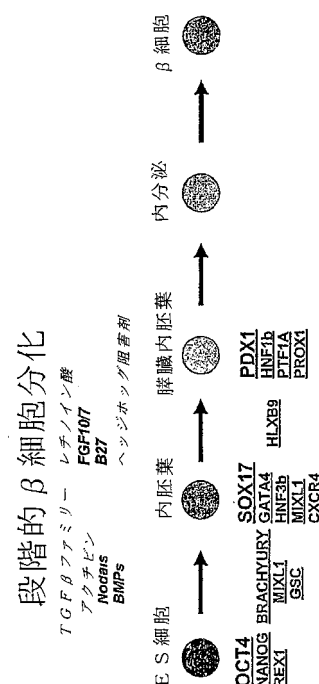
(54) 【発明の名称】 胚体内胚葉を分化させるための因子を同定する方法

(57) 【要約】 (修正有)

【課題】細胞療法用途で有用である細胞を生成するための出発材料としての h E S C の効率的な指示分化を誘導する方法の提供。

【解決手段】ヒト細胞を含む細胞集団におけるヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な分化因子を同定する方法であって、ヒト胚体内胚葉細胞を含む細胞集団を得る工程と、候補分化因子を前記細胞集団へ供給する工程と、第1の時点で前記細胞集団におけるマーカーの発現を測定する工程と、第2の時点で前記細胞集団における同一マーカーの発現を測定する工程と、前記第2の時点での前記細胞集団における前記マーカーの発現が、前記第1の時点での該細胞集団における該マーカーの発現と比較して増大又は減少されているかを判定する工程とを含み、該細胞集団における該マーカーの発現の増大又は減少は、前記候補分化因子が、前記ヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であると評価する方法。

【選択図】 図1



【特許請求の範囲】**【請求項 1】**

ヒト細胞を含む細胞集団におけるヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な分化因子を同定する方法であって、

ヒト胚体内胚葉細胞を含む細胞集団を得る工程と、

候補分化因子を前記細胞集団へ供給する工程と、

第 1 の時点で前記細胞集団におけるマーカーの発現を測定する工程と、

第 2 の時点で前記細胞集団における同一マーカーの発現を測定する工程と、

前記第 2 の時点での前記細胞集団における前記マーカーの発現が、前記第 1 の時点での該細胞集団における該マーカーの発現と比較して増大又は減少されているかを判定する工程

10

とを含み、該第 2 の時点が前記第 1 の時点の後であり、また該第 2 の時点が前記細胞集団に前記候補分化因子を供給することの後であり、該細胞集団における該マーカーの発現の増大又は減少は、前記候補分化因子が、前記ヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であることを示す、前記方法。

【請求項 2】

前記ヒト胚体内胚葉細胞が、前記細胞集団における前記ヒト細胞の少なくとも約 10 % を構成する、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3】

ヒトフィーダー細胞が前記細胞集団中に存在し、該フィーダー細胞以外の前記ヒト細胞の少なくとも約 10 % が胚体内胚葉細胞である、請求項 1 に記載の方法。

20

【請求項 4】

前記ヒト胚体内胚葉細胞が、前記細胞集団における前記ヒト細胞の少なくとも約 90 % を構成する、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 5】

前記ヒトフィーダー細胞が前記細胞集団中に存在し、前記フィーダー細胞以外の前記ヒト細胞の少なくとも約 90 % が胚体内胚葉細胞である、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 6】

前記ヒト胚体内胚葉細胞が、前記候補分化因子に応答して、腸管に由来する細胞、組織又は器官へ分化する、請求項 1 に記載の方法。

30

【請求項 7】

前記ヒト胚体内胚葉細胞が、前記候補分化因子に応答して、膵臓前駆体細胞へ分化する、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 8】

前記マーカーが、膵臓 - 十二指腸ホメオボックス因子 - 1 (PDX1)、ホメオボックス A13 (HOXA13) 及びホメオボックス C6 (HOXC6) から成る群から選択される、請求項 7 に記載の方法。

【請求項 9】

前記ヒト胚体内胚葉細胞が、前記候補分化因子に応答して、肝臓前駆体細胞へ分化する、請求項 1 に記載の方法。

40

【請求項 10】

前記マーカーが、アルブミン、プロスペロ(prospéro)関連ホメオボックス 1 (PROX1) 及び肝細胞特異的抗原 (HSA) から成る群から選択される、請求項 9 に記載の方法。

【請求項 11】

前記ヒト胚体内胚葉細胞が、前記候補分化因子に応答して、肺前駆体細胞へ分化する、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 12】

前記マーカーが、甲状腺転写因子 1 (TTF1) である、請求項 11 に記載の方法。

【請求項 13】

50

前記ヒト胚体内胚葉細胞が、前記候補分化因子に応答して、腸前駆体細胞へ分化する、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 1 4】

前記マーカーが、ピリン及びコードル型ホメオボックス転写因子 2 (C D X 2) から成る群から選択される、請求項 1 3 に記載の方法。

【請求項 1 5】

前記第 1 の時点が、前記候補分化因子を前記細胞集団へ供給することより前である、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 1 6】

前記第 1 の時点が、前記候補分化因子を前記細胞集団へ供給するのとはほぼ同時である、請求項 1 に記載の方法。

10

【請求項 1 7】

前記第 1 の時点が、前記候補分化因子を前記細胞集団へ供給することの後である、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 1 8】

前記マーカーの発現が増大される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 1 9】

前記マーカーの発現が減少される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 2 0】

前記マーカーの発現が、定量的ポリメラーゼ連鎖反応 (Q - P C R) により測定される、請求項 1 に記載の方法。

20

【請求項 2 1】

前記マーカーの発現が、免疫細胞化学により測定される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 2 2】

前記マーカーが、腭臓 - 十二指腸ホメオボックス因子 - 1 (P D X 1)、ホメオボックス A 1 3 (H O X A 1 3) 及びホメオボックス C 6 (H O X C 6) から成る群から選択される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 2 3】

前記マーカーが、アルブミン、プロスペロ関連ホメオボックス 1 (P R O X 1) 及び肝細胞特異的抗原 (H S A) から成る群から選択される、請求項 1 に記載の方法。

30

【請求項 2 4】

前記マーカーが、ピリン及びコードル型ホメオボックス転写因子 2 (C D X 2) から成る群から選択される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 2 5】

前記マーカーが、甲状腺転写因子 1 (T I T F 1) である、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 2 6】

前記分化因子が前腸分化因子を含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 2 7】

前記分化因子が小分子を含む、請求項 1 に記載の方法。

40

【請求項 2 8】

前記分化因子がレチノイドを含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 2 9】

前記分化因子がレチノイン酸を含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3 0】

前記分化因子がポリペプチドを含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3 1】

前記分化因子が成長因子を含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3 2】

前記分化因子が F G F - 1 0 を含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 3 3】

50

前記分化因子が FGF-2 を含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 34】

前記分化因子が Wnt3B を含む、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 35】

前記分化因子が前腸分化因子ではない、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 36】

前記分化因子がレチノイドではない、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 37】

前記分化因子がレチノイン酸ではない、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 38】

10

前記分化因子が、約 0.1 ng/ml ~ 約 10 mg/ml の濃度で前記細胞集団へ供給される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 39】

前記分化因子が、約 1 ng/ml ~ 約 1 mg/ml の濃度で前記細胞集団へ供給される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 40】

前記分化因子が、約 10 ng/ml ~ 約 100 µg/ml の濃度で前記細胞集団へ供給される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 41】

20

前記分化因子が、約 100 ng/ml ~ 約 10 µg/ml の濃度で前記細胞集団へ供給される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 42】

前記分化因子が、約 1 µg/ml の濃度で前記細胞集団へ供給される、請求項 1 に記載の方法。

【請求項 43】

前記分化因子が、約 100 ng/ml の濃度で前記細胞集団へ供給される、請求項 1 に記載の方法。

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

30

[発明の分野]

本発明は、医学及び細胞生物学の分野に関する。特に、本発明は、胚体内胚葉細胞を他の細胞型へ分化させるのに有用な因子の同定に関する。

【0002】

[関連出願]

本出願は、2004年4月27日に提出されたPDX 1発現内胚葉(PDX 1 EXPRESSING ENDODERM)という表題の米国仮特許出願第60/566,293号、2004年7月14日に提出された胚体内胚葉の単離のためのケモカイン細胞表面受容体(CHEMOKINE CELL SURFACE RECEPTOR FOR THE ISOLATION OF DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国仮特許出願第60/587,942号及び2004年7月9日に提出された胚体内胚葉の単離のためのケモカイン細胞表面受容体(CHEMOKINE CELL SURFACE RECEPTOR FOR THE ISOLATION OF DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国仮特許出願第60/586,566号の通常の出願として米国特許法第119条(e)項のもと、優先権を主張する2005年4月26日に提出されたPDX 1発現内胚葉(PDX 1 EXPRESSING ENDODERM)という表題の米国特許出願第11/115,868号の一部継続出願である。本出願はまた、2004年7月14日に提出された胚体内胚葉の単離のためのケモカイン細胞表面受容体(CHEMOKINE CELL SURFACE RECEPTOR FOR THE ISOLATION OF DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国仮特許出願第60/587,942号及び2004年7月9日に提出された胚体内胚葉の単離のためのケモカイン細胞表面受容体(CHEMOKINE CELL SURFACE RECEPTOR FOR THE ISOLATION OF DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国仮特許出願第60/586,566号、並びに

40

50

2003年12月23日に出願された胚体内胚葉(DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国仮特許出願第60/532,004号に対する通常の出願として米国特許法第119条(e)項のもと、優先権を主張する2004年12月23日に出願された胚体内胚葉(DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国特許出願第11/021,618号の一部継続出願である。

【背景技術】

【0003】

[背景]

ヒト多能性幹細胞、例えば胚性幹(ES)細胞及び胚性生殖(EG)細胞は、1994年に線維芽細胞フィーダーを含有しない(Bongso et al., 1994)そして線維芽細胞フィーダーを含有する(Hogan, 1997)培養物中でまず単離された。後に、Thomson、Reubinoff及びShamblottは、有糸分裂不活性化マウスフィーダー層を用いたヒトES及びEG細胞の連続培養を確立した(Reubinoff et al., 2000; Shamblott et al., 1998; Thomson et al., 1998)。

10

【0004】

ヒトES及びEG細胞(hESC)は、ヒト発達の早期段階を研究するための、並びにいくつかの疾患状態、例えば真性糖尿病及びパーキンソン病における療法的介入のための独特の機会を提供する。例えばhESC由来のインスリン生産β細胞の使用は、糖尿病の治療のためにドナー膵臓からの細胞を利用する一般的細胞治療方法を上回る膨大な改善を提供する。しかしながら現在、hESCからインスリン生産β細胞を生成する方法は分かっていない。したがって、ドナー膵臓からの島細胞を利用する真性糖尿病のための一般的細胞治療の処置は、移植に必要とされる高品質の島細胞の不足により制限される。単一I型糖尿病患者のための細胞療法は、約 8×10^8 個の膵臓島細胞の移植を要する(Shapiro et al., 2000; Shapiro et al., 2001a; Shapiro et al., 2001b)。したがって、少なくとも2つの健常ドナー器官が、首尾よく移植のために十分な島細胞を得るために必要とされる。ヒト胚性幹細胞は、ヒト細胞療法のための相当量の高品質分化細胞を発達させるための出発物質の供給源を提供する。

20

【0005】

hESCを細胞療法用途に独特に適合させる2つの特性は、多能性、並びに長期間培養中にこれらの細胞を保持する能力である。多能性は、3つの一次胚葉(内胚葉、中胚葉、外胚葉)すべての誘導体に分化した、次に胚体外組織(例えば胎盤)及び生殖細胞のほかに、成熟生物体のすべての体細胞型を形成するhESCの能力により確定される。多能性はhESCに並外れた有用性を付与するが、しかしこの特性は、これらの細胞及びそれらの誘導体の研究及び操作のための独特の好機も有する。hESC培養物を分化するに際して生じ得る非常に種々の細胞型のために、膨大な数の細胞型が極めて低い効率で産生される。さらに、任意の所定の細胞型の産生を評価する場合の結果は、適切なマーカーの測定に応じて決定的に決まる。効率的な指示分化は、hESCの療法的用途のために大きな重要性を有する。

30

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

40

【0006】

細胞療法用途で有用である細胞を生成するための出発材料としてhESCを使用するためには、上述の問題を克服することは好適である。さらに、細胞療法に有用な細胞型へのhESCに由来する前駆細胞の分化を促進する因子を同定することは有益である。

【課題を解決するための手段】

【0007】

[発明の概要]

本発明の実施形態は、胚体内胚葉細胞のようなPD $\times$ 1陽性(PD $\times$ 1発現)内胚葉細胞及び/又はPD $\times$ 1陰性内胚葉細胞(PD $\times$ 1を有意に発現しない内胚葉細胞)を含む細胞集団における細胞を、細胞療法に有用である細胞へ分化させるのに有用である1つ又は

50

複数の分化因子を同定する方法に関する。例えば、本明細書中に記載する方法のいくつかの実施形態は、脾臓、肝臓、肺、胃、腸、甲状腺、胸腺、咽頭、胆嚢及び膀胱（これらに限定されない）を包含する組織及び／又は器官に関する前駆体である細胞への胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な因子を同定する方法に関する。いくつかの実施形態では、かかる前駆体細胞はPD_X1陽性内胚葉細胞である。他の実施形態では、かかる前駆体細胞は、PD_X1を有意に発現しない内胚葉細胞である。

【0008】

本明細書中に記載する方法のいくつかの実施形態では、胚体内胚葉細胞の細胞培養物又は細胞集団は、候補（試験）分化因子と接触するか、或いはそうでなければ候補（試験）分化因子を供給される。好ましい実施形態では、胚体内胚葉細胞は、ヒト胚体内胚葉細胞である。より好ましい実施形態では、ヒト胚体内胚葉細胞は、腸管又はそれに由来する器官の細胞へ分化することができる多分化能細胞である。

10

【0009】

本明細書中に記載する方法の他の実施形態では、PD_X1陽性内胚葉細胞の細胞培養物又は細胞集団は、候補分化因子と接触するか、或いはそうでなければ候補分化因子を供給される。好ましい実施形態では、PD_X1陽性内胚葉細胞は、ヒトPD_X1陽性内胚葉細胞である。或る特定の実施形態では、ヒトPD_X1陽性内胚葉細胞は、PD_X1陽性前腸／中腸内胚葉細胞である。より好ましい実施形態では、ヒトPD_X1陽性内胚葉細胞は、PD_X1陽性前腸内胚葉細胞である。他の好ましい実施形態では、ヒトPD_X1陽性内胚葉細胞は、前腸の後方部分のPD_X1陽性内胚葉細胞である。特に好ましい実施形態では、ヒトPD_X1陽性前腸内胚葉細胞は、腸管の前方部分に由来する細胞、組織又は器官へ分化することができる多分化能細胞である。

20

【0010】

本明細書中に記載する方法に関連する場合、候補分化因子は、細胞分化を引き起こすことが既知であるもの、或いは細胞分化を引き起こすことが未知であるものであり得る。或る特定の実施形態では、候補分化因子は、成長因子のようなポリペプチドであり得る。いくつかの実施形態では、成長因子としては、FGF10、FGF4、FGF2、Wnt3A又はWnt3Bが挙げられるが、これらに限定されない。他の実施形態では、候補分化因子は、小分子であり得る。特定の実施形態では、小分子は、レチノイン酸のようなレチノイド化合物である。或いは、いくつかの実施形態では、候補分化因子は、レチノイドでなく、前腸分化因子でなく、或いはTGFβスーパーファミリーの成員ではない。他の実施形態では、候補分化因子は、レチノイド化合物、前腸分化因子又は成長因子であるTGFβスーパーファミリーの成員（例えば、アクチビンA及びB）以外の任意の分子である。さらなる他の実施形態では、候補分化因子は、胚体内胚葉細胞の分化を引き起こすことがこれまでに知られていない因子である。

30

【0011】

本明細書中に記載する方法のさらなる実施形態は、複数の濃度で候補分化因子を試験することに関する。例えば、候補分化因子は、或る特定の閾値を越える濃度のみで、胚体内胚葉細胞及び／又はPD_X1陽性内胚葉細胞の分化を引き起こし得る。さらに、候補分化因子は、低濃度で供給される場合に第1の細胞型へ、また高濃度で供給される場合に第2の細胞型へ、同一細胞を分化させることができる。いくつかの実施形態では、候補分化因子は、約0.1 ng/ml～約10 mg/mlの範囲の1つ又は複数の濃度で供給される。

40

【0012】

胚体内胚葉細胞及び／又はPD_X1陽性内胚葉細胞を含む細胞培養物或いは細胞集団を、候補分化因子と接触させるか、或いはそうでなければ候補分化因子を供給する前に、或いはそれとほぼ同時に、その発現を測定するために、少なくとも1つのマーカーが選択及び評価される。この工程は、第1のマーカー評価工程と称され得る。或いは、この工程は、第1の時点でのマーカーの発現測定と称され得る。マーカーは、細胞分化をモニタリングするのに有用ないずれのマーカーであり得るが、好ましいマーカーとしては、性決定領域Y-ボックス17（SOX17）、脾臓-十二指腸ホメオボックス因子-1（PD_X1）

50

、アルブミン、肝細胞特異的抗原 (H A S)、プロスペロ関連ホメオボックス 1 (P R O X 1)、甲状腺転写因子 1 (T I T F 1)、ビリニン、 α フェトプロテイン (A F T)、シトクロム P 4 5 0 7 A (C Y P 7 A)、チロシナーミノトランスフェラーゼ (T A T)、肝細胞核因子 4 a (H N F 4 a)、C X C 型ケモカイン受容体 4 (C X C R 4)、フォンウィルブランド因子 (V W F)、血管細胞接着分子 - 1 (V A C M 1)、アポリポタンパク質 A 1 (A P O A 1)、グルコース輸送体 - 2 (G L U T 2)、 α - 1 - アンチトリプシン (A A T)、グルコキナーゼ (G L U K O) 並びにヒト造血発現ホメオボックス (h H E X) 及び C D X 2 が挙げられるが、これらに限定されない。

【0013】

胚体内胚葉細胞及び / 又は P D X - 1 陽性内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団を、候補分化因子と接触させるか、或いはそうでなければ候補分化因子を供給してから十分な時間が経過した後、細胞培養物又は細胞集団における少なくとも 1 つのマーカの発現が再び評価される。この工程は、第 2 のマーカ評価工程と称され得る。或いは、この工程は、第 2 の時点でのマーカの発現測定と称され得る。好ましい実施形態では、第 1 の時点及び第 2 の時点で評価されるマーカは、同一マーカである。

10

【0014】

本明細書中に記載する方法のいくつかの実施形態では、第 2 の時点での少なくとも 1 つのマーカの発現が、第 1 の時点でのこのマーカの発現と比較して増大又は減少されたかがさらに判定される。少なくとも 1 つのマーカの発現の増大又は減少は、候補分化因子が、胚体内胚葉細胞及び / 又は P D X 1 陽性内胚葉細胞の分化を促進することが可能であることを示す。胚体内胚葉細胞及び / 又は P D X 1 陽性内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団を、候補分化因子と接触させるか、或いはそうでなければ候補分化因子を供給することと、第 2 の時点で少なくとも 1 つのマーカの発現を測定することとの間の十分な時間は、約 1 時間程度と短いものから約 10 日間程度と長いものまであり得る。いくつかの実施形態では、少なくとも 1 つのマーカの発現は、胚体内胚葉細胞及び / 又は P D X 1 陽性内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団を、候補分化因子と接触させるか、或いはそうでなければ候補分化因子を供給した後に複数回評価される。或る特定の実施形態では、マーカ発現は、Q - P C R により評価される。他の実施形態では、マーカ発現は、免疫細胞化学により評価される。

20

【0015】

本発明のさらなる実施形態は、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞への P D X 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な分化因子を同定する方法に関する。かかる方法では、P D X 1 陰性胚体内胚葉細胞は、候補分化因子と接触させられて、候補分化因子との接触後の細胞集団における P D X 1 発現が、候補分化因子との接触前の細胞集団における P D X 1 発現と比較して増大されたかが判定される。細胞集団における P D X 1 発現の増大は、候補分化因子が、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞への P D X 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であることを示す。いくつかの実施形態では、P D X 1 発現は、定量的ポリメラーゼ連鎖反応 (Q - P C R) により測定される。上述の方法のいくつかの実施形態は、候補分化因子との接触前及び後で、細胞集団における H O X A 1 3 及び / 又は H O X C 6 遺伝子の発現を測定する工程をさらに含む。いくつかの実施形態では、候補分化因子は、小分子、例えばレチノイド (例えば、R A) である。他の実施形態では、候補分化因子は、ポリペプチド、例えば成長因子 (例えば、F G F - 10) である。

30

40

【0016】

本発明のさらなる他の実施形態は、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞の分化を促進することが可能な分化因子を同定する方法に関する。かかる方法では、P D X - 1 陽性前腸内胚葉細胞は、候補分化因子と接触させられて、細胞集団におけるマーカの発現が、候補分化因子との接触後に、候補分化因子との接触前の細胞集団における同一マーカの発現と比較して増大又は減少されているかが判定される。マーカの発現の増大又は減少は、候補分化因子が、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞の分化を促進することが可能であることを示す。いくつかの実施形態では、マーカ発現は、Q - P C R により測定される。いくつかの実

50

施形態では、候補分化因子は、小分子、例えばレチノイド（例えば、RA）である。他の実施形態では、候補分化因子は、ポリペプチド、例えば成長因子（例えば、FGF-10）である。

【0017】

本発明のさらに他の実施形態は、本明細書中に記載する方法により分化される細胞に関する。かかる細胞としては、脾臓、肝臓、肺、胃、腸、甲状腺、胸腺、咽頭、胆嚢及び膀胱の前駆体が挙げられるが、これらに限定されない。いくつかの実施形態では、細胞は最終分化され得る。本明細書中に記載する他の実施形態は、上述の細胞を含む細胞培養物及び／又は細胞集団に関する。

【0018】

或る特定の法域では、「を含む」という用語の任意の一般的に認められている定義が存在しない場合がある。本明細書中で使用する場合、「を含む」という用語は、任意のさらなる要素の包含を容認する「規制のない」文言を表すと意図される。このことを念頭におき、本発明のさらなる実施形態を以下の番号がふられた項目を参照して説明する。

【0019】

1. ヒト細胞を含む細胞集団におけるヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な分化因子を同定する方法であって、(a) ヒト胚体内胚葉細胞を含む細胞集団を得る工程と、(b) 候補分化因子を上記細胞集団へ供給する工程と、(c) 第1の時点で上記細胞集団におけるマーカーの発現を測定する工程と、(d) 第2の時点で上記細胞集団における同一マーカーの発現を測定する工程と、(e) 上記第2の時点での上記細胞集団における上記マーカーの発現が、上記第1の時点での当該細胞集団における当該マーカーの発現と比較して増大又は減少されているかを判定する工程とを含み、当該第2の時点が上記第1の時点の後であり、また当該第2の時点が上記細胞集団に上記候補分化因子を供給することの後であり、当該細胞集団における当該マーカーの発現の増大又は減少は、上記候補分化因子が、上記ヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であることを示す、前記方法。

【0020】

2. 上記ヒト胚体内胚葉細胞が、上記細胞集団におけるヒト細胞の少なくとも約10%を構成する、項目1に記載の方法。

【0021】

3. ヒトフィーダー細胞が上記細胞集団中に存在し、当該フィーダー細胞以外のヒト細胞の少なくとも約10%が胚体内胚葉細胞である、項目1に記載の方法。

【0022】

4. 上記ヒト胚体内胚葉細胞が、上記細胞集団におけるヒト細胞の少なくとも約90%を構成する、項目1に記載の方法。

【0023】

5. 上記ヒトフィーダー細胞が上記細胞集団中に存在し、上記フィーダー細胞以外のヒト細胞の少なくとも約90%が胚体内胚葉細胞である、項目1に記載の方法。

【0024】

6. 上記ヒト胚体内胚葉細胞が、上記候補分化因子に応答して、腸管に由来する細胞、組織又は器官へ分化する、項目1に記載の方法。

【0025】

7. 上記ヒト胚体内胚葉細胞が、上記候補分化因子に応答して、脾臓前駆体細胞へ分化する、項目1に記載の方法。

【0026】

8. 上記マーカーが、脾臓-十二指腸ホメオボックス因子-1(PDX1)、ホメオボックスA13(HOXA13)及びホメオボックスC6(HOXC6)から成る群から選択される、項目7に記載の方法。

【0027】

9. 上記ヒト胚体内胚葉細胞が、上記候補分化因子に応答して、肝臓前駆体細胞へ分化す

10

20

30

40

50

る、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 2 8 】

1 0 . 上記マーカーが、アルブミン、プロスペロ関連ホメオボックス 1 (P R O X 1) 及び肝細胞特異的抗原 (H S A) から成る群から選択される、項目 9 に記載の方法。

【 0 0 2 9 】

1 1 . 上記ヒト胚体内胚葉細胞が、上記候補分化因子に応答して、肺前駆体細胞へ分化する、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 3 0 】

1 2 . 上記マーカーが、甲状腺転写因子 1 (T I T F 1) である、項目 1 1 に記載の方法。

10

【 0 0 3 1 】

1 3 . 上記ヒト胚体内胚葉細胞が、上記候補分化因子に応答して、腸前駆体細胞へ分化する、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 3 2 】

1 4 . 上記マーカーが、ビリン及びコーダル型 (caudal type) ホメオボックス転写因子 2 (C D X 2) から成る群から選択される、項目 1 3 に記載の方法。

【 0 0 3 3 】

1 5 . 上記第 1 の時点が、上記候補分化因子を上記細胞集団へ供給することより前である、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 3 4 】

1 6 . 上記第 1 の時点が、上記候補分化因子を上記細胞集団へ供給するのとほぼ同時である、項目 1 に記載の方法。

20

【 0 0 3 5 】

1 7 . 上記第 1 の時点が、上記候補分化因子を上記細胞集団へ供給することの後である、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 3 6 】

1 8 . 上記マーカーの発現が増大される、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 3 7 】

1 9 . 上記マーカーの発現が減少される、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 3 8 】

2 0 . 上記マーカーの発現が、定量的ポリメラーゼ連鎖反応 (Q - P C R) により測定される、項目 1 に記載の方法。

30

【 0 0 3 9 】

2 1 . 上記マーカーの発現が、免疫細胞化学により測定される、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 4 0 】

2 2 . 上記マーカーが、膵臓 - 十二指腸ホメオボックス因子 - 1 (P D X 1) 、ホメオボックス A 1 3 (H O X A 1 3) 及びホメオボックス C 6 (H O X C 6) から成る群から選択される、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 4 1 】

2 3 . 上記マーカーが、アルブミン、プロスペロ (prospero) 関連ホメオボックス 1 (P R O X 1) 及び肝細胞特異的抗原 (H S A) から成る群から選択される、項目 1 に記載の方法。

40

【 0 0 4 2 】

2 4 . 上記マーカーが、ビリン及びコーダル型 (caudal type) ホメオボックス転写因子 2 (C D X 2) から成る群から選択される、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 4 3 】

2 5 . 上記マーカーが、甲状腺転写因子 1 (T I T F 1) である、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 4 4 】

2 6 . 上記分化因子が前腸分化因子を含む、項目 1 に記載の方法。

【 0 0 4 5 】

50

27. 上記分化因子が小分子を含む、項目1に記載の方法。

【0046】

28. 上記分化因子がレチノイドを含む、項目1に記載の方法。

【0047】

29. 上記分化因子がレチノイン酸を含む、項目1に記載の方法。

【0048】

30. 上記分化因子がポリペプチドを含む、項目1に記載の方法。

【0049】

31. 上記分化因子が成長因子を含む、項目1に記載の方法。

【0050】

32. 上記分化因子がFGF-10を含む、項目1に記載の方法。

【0051】

33. 上記分化因子がFGF-2を含む、項目1に記載の方法。

【0052】

34. 上記分化因子がWnt3Bを含む、項目1に記載の方法。

【0053】

35. 上記分化因子が前腸分化因子ではない、項目1に記載の方法。

【0054】

36. 上記分化因子がレチノイドではない、項目1に記載の方法。

【0055】

37. 上記分化因子がレチノイン酸ではない、項目1に記載の方法。

【0056】

38. 上記分化因子が、約0.1 ng/ml ~ 約10 mg/mlの濃度で上記細胞集団へ供給される、項目1に記載の方法。

【0057】

39. 上記分化因子が、約1 ng/ml ~ 約1 mg/mlの濃度で上記細胞集団へ供給される、項目1に記載の方法。

【0058】

40. 上記分化因子が、約10 ng/ml ~ 約100 µg/mlの濃度で上記細胞集団へ供給される、項目1に記載の方法。

【0059】

41. 上記分化因子が、約100 ng/ml ~ 約10 µg/mlの濃度で上記細胞集団へ供給される、項目1に記載の方法。

【0060】

42. 上記分化因子が、約1 µg/mlの濃度で上記細胞集団へ供給される、項目1に記載の方法。

【0061】

43. 上記分化因子が、約100 ng/mlの濃度で上記細胞集団へ供給される、項目1に記載の方法。

【0062】

上記の方法及び組成物は、*in vitro*で培養される細胞に関する、と理解される。しかしながら上記の*in vitro*分化細胞組成物は、*in vivo*用途に用いられ得る。

【0063】

本発明の付加的な実施形態は、2003年12月23日に出願された胚体内胚葉細胞(DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国特許仮出願第60/532,004号; 2004年4月27日に提出された内胚葉を発現するPDX1(PDX1 EXPRESSING ENDODERM)という表題の米国特許仮出願第60/566,293号; 2004年7月9日に提出された胚体内胚葉細胞の単離のためのケモカイン細胞表面受容体(CHEMOKINE CELL SURFACE RECEPTOR FOR THE ISOLATION OF DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国特許仮出願第60/

10

20

30

40

50

586, 566号; 2004年7月14日に依頼された胚体内胚葉細胞の単離のためのケモカイン細胞表面受容体 (CHEMOKINE CELL SURFACE RECEPTOR FOR THE ISOLATION OF DEFINITIVE ENDODERM) という表題の米国特許仮出願第60/587, 942号; 2004年12月23日に依頼された胚体内胚葉 (DEFINITIVE ENDODERM) という表題の米国特許出願第11/021, 618号; 及び2005年4月26日に依頼された内胚葉を発現するPDX1 (PDX1 EXPRESSING ENDODERM) という表題の米国特許出願第11/115, 868号にも見出され得る。

【図面の簡単な説明】

【0064】

【図1】図1は、hESCからのβ細胞の産生に関して提唱される分化経路の概略図である。経路における第1の工程は、ES細胞から胚体内胚葉系列へ委ね、また膵臓内胚葉、内分泌内胚葉又は膵臓島/β細胞へのさらなる分化事象に先立つ第1の工程を表す。経路における第2の工程は、PDX1陽性前腸内胚葉へのSOX17陽性/PDX1陰性胚体内胚葉の変換を示す。これらの移行を媒介するのに有用ないくつかの因子は、イタリック体で表示している。標的細胞を規定するための関連マーカーには下線を付している。

10

【図2】図2は、保存モチーフの位置を表示し、且つGENOVACによる免疫化手順に使用される領域を強調するヒトSOX17cDNAの図である。

【図3】図3は、SOX17が、SOX7に、また幾分劣るがSOX18に最も密接に関連することを示す相関系統樹である。SOX17タンパク質は、同種内のSOX F群サブファミリーの他の成員に対するよりも種相同体間でより密接に関連する。

20

【図4】図4は、ラット抗SOX17抗体でプロービングしたウェスタンブロットである。このブロットは、線維芽細胞において過剰発現されるヒトSOX17タンパク質に関するこの抗体の特異性 (レーン1) 及びEGFPとの免疫反応性の欠如 (レーン2) 或いは最も密接に関連するSOXファミリー成員であるSOX7 (レーン3) を実証する。

【図5】図5A及び図5Bは、相当数のAFP+同時標識細胞を表示するSOX17+細胞のクラスター (A) を示す顕微鏡写真である。これは、AFP+細胞がほとんど又は全く観察されないSOX17+クラスター (B) と著しく対照している。

【図6】図6A～図6Cは、壁側内胚葉及びSOX17を示す顕微鏡写真である。パネルAは、hESC細胞の無作為に分化された培養物における壁内胚葉細胞の細胞表面上に位置するヒトトロポモジュリン (TM) タンパク質に関する免疫細胞化学を示す。パネルBは、TM及びSOX17に関して二重標識されたAで示されるのと同じ野である。パネルCは、DAPI標識された核を伴う同野の位相差画像である。DAPI標識された核とSOX17ラベリングの完全な相関に注目されたい。

30

【図7】図7A及び図7Bは、定量的PCR (Q-PCR) によるSOX17遺伝子発現及びSOX17特異的抗体による抗SOX17陽性細胞を示す棒グラフである。パネルAは、未分化対照培地 (SR20) に対して、アクチビンAがSOX17遺伝子発現を増大させる一方で、レチノイン酸 (RA) はSOX17遺伝子発現を強力に抑制することを示す。パネルBは、これらの変化の同一パターン並びに類似した規模が、SOX17+細胞数に反映されることを示しており、SOX17遺伝子発現のQ-PCR測定は、単一細胞レベルでの変化を大きく反映することを示す。

40

【図8】図8Aは、アクチビンAの存在下での分化hESCの培養は、低レベルのAFP遺伝子発現を維持するのに対して、10%ウシ胎児血清 (FBS) 中で無作為に分化することが可能とされる細胞は、AFPの強力なアップレギュレーションを示すことを示す棒グラフである。発現レベルの差異は、およそ7倍である。図8B及び図8Cは、10%FBS単独 (上部) に対するアクチビンA処理状態 (下部) で観察されるAFP+細胞の非常に希少且つ小さなクラスターにより示されるように、アクチビンAによるAFP発現の抑制もまた単一細胞レベルで明白であることを示す2つの顕微鏡写真の画像である。

【図9】図9A及び図9Bは、フローサイトメトリーを使用したAFP+細胞数の定量化を示す比較画像である。この図は、アクチビンAの存在 (右パネル) 及び非存在 (左パネル) 下でのAFP遺伝子発現の変化の規模 (図8A) がAFP+細胞の数に正確に対応す

50

ることを実証し、さらに個々の細胞レベルで起こる変化を示すためのQ - P C R分析の有用性を支持する。

【図10】図10A～図10Fは、ノーダル、アクチビンA及びアクチビンB (NAA) へのhESCの暴露が、5日間にわたってSOX17+細胞の数の著しい増大をもたらすことを示す顕微鏡写真である (A～C)。DAP染色された核により示されるように (D～F)、SOX17+細胞の相対存在量を、各野に存在する細胞の総数と比較することにより、すべての細胞のおよそ30～50%が、NAAによる5日の処理後にSOX17に対して免疫反応性であることを観察することができる。

【図11】図11は、アクチビンA (0、10、30又は100 ng/ml) は、分化hESCにおけるSOX17遺伝子発現を用量依存的に増大させることを実証する棒グラフである。増大された発現は、接着培養上での3日間の処理後にすでに強健であり、同様に続く1、3及び5日の懸濁培養まで継続する。

【図12】図12A～図12Cは、MIXL1 (パネルA)、GATA (パネルB) 及びHNF3b (パネルC) の発現に対するアクチビンAの影響を実証する棒グラフである。アクチビンA用量依存的増大はまた、胚体内胚葉の3つの他のマーカーであるMIXL1、GATA4及びHNF3bに関しても観察される。アクチビン用量に応答した増大された発現の規模は、SOX17に関して観察される規模と際立って類似しており、アクチビンAが、4つすべての遺伝子を同時発現する細胞の集団 (SOX17+、MIXL1+、GATA4+及びHNF3b+) を特定していることを強力に示している。

【図13】図13A～図13Cは、AFP (パネルA)、SOX7 (パネルB) 及びSPARC (パネルC) の発現に対するアクチビンAの影響を実証する棒グラフである。臓側内胚葉マーカーAFPの発現においてアクチビンA用量依存的減少が見られる。原始内胚葉 (SOX7) 及び壁側内胚葉 (SPARC) のマーカーは、依然として未変化のままであるか、或いはいくつかの時点で抑制を示し、アクチビンAが、これらの胚体外内胚葉細胞型を特定するように作用しないことを示している。このことはさらに、SOX17、MIXL1、GATA4及びHNF3bの増大された発現が、アクチビンAに応答した胚体内胚葉細胞の数の増大に起因し得るという事実を支持する。

【図14】図14A及び図14Bは、ZIC1 (パネルA) 及びブラキュリ発現 (パネルB) に対するアクチビンAの影響を示す棒グラフである。神経マーカーZIC1の一貫した発現は、神経分化に対するアクチビンAの用量依存的影響が見られないことを実証する。ブラキュリの減少された発現により示されるように、100 ng/mlのアクチビンA処理により媒介される中胚葉分化の顕著な抑制が見られる。これは、中内胚葉前駆体からの胚体内胚葉の増大された特定の結果である可能性が高い。より低レベルのアクチビンA処理 (10及び30 ng/ml) は、未処理対照培養物に対して分化のより後期の時点でブラキュリの発現を維持する。

【図15】図15A及び図15Bは、アクチビンによる処理に応答した減少された壁側内胚葉分化を示す顕微鏡写真である。TMhi壁側内胚葉の領域は、血清单独中で分化される場合、培養物の至るところで見られる (A) のに対して、アクチビンが包含される場合、TM+細胞の分化は乏しく (B)、TM免疫反応性の全体的な強度はより低い。

【図16】図16A～図16Dは、アクチビンA及びアクチビンBによる処理に応答したマーカー発現を示す顕微鏡写真である。hESCは、アクチビンA及びアクチビンBにより連続4日間処理して、SOX17、AFP及びTM抗体で三重標識した。パネルA - SOX17、パネルB - AFP、パネルC - TM及びパネルD - 相/DAP染色。AFP (B) 及びTM (C) 免疫反応性の完全な非存在と関連した無数のSOX17陽性細胞 (A) に注目されたい。

【図17】図17は、hESCからの*in vitro*での胚体内胚葉及び臓側内胚葉の出現を示す顕微鏡写真である。臓側内胚葉の領域はAFPhi/SOX17lo/-により同定される一方で、胚体内胚葉は、完全に反対のプロファイルであるSOX17hi/AFPllo/-を示す。この野は、これらの2つの領域の互いに対する近接性に起因して選択的に選択された。しかしながら、何度もSOX17hi/AFPllo/-領域がAFPhi細胞の任意の領

10

20

30

40

50

域からの絶対的な単離で観察され、これは臓側内胚葉細胞とは別個の胚体内胚葉細胞の起点を示唆する。

【図 18】図 18 は、TGFβファミリーのリガンド及び受容体を表す図である。ARsmaad及びBRsmaadを活性化する因子は、ヒト胚性幹細胞からの胚体内胚葉の産生に有用である(J Cell Physiol. 187: 265-76を参照)。

【図 19】図 19 は、個々のTGFβ因子及びTGFβ因子の組合せによる処理の結果として、経時的にSOX17発現の誘導を示す棒グラフである。

【図 20】図 20 は、TGFβ因子の組合せによる処理の結果として、経時的にSOX17+細胞数の増大を示す棒グラフである。

【図 21】図 21 は、TGFβ因子の組合せによる処理の結果として、経時的にSOX17発現の誘導を示す棒グラフである。

【図 22】図 22 は、アクチビンAが、SOX17+細胞数の用量依存的増大を誘導することを示す棒グラフである。

【図 23】図 23 は、アクチビンA及びアクチビンB処理培養物へのWnt3aの添加が、アクチビンA及びアクチビンB単独により誘導されるレベルを上回ってSOX17発現を増大させることを示す棒グラフである。

【図 24】図 24 A ~ 図 24 C は、胚体内胚葉への分化が低FBS状態で増強されることを示す棒グラフである。2%FBSを含有する培地中(2AA)でのアクチビンA及びBによるhESCの処理は、10%FBS培地(10AA)中での同じ処理と比較して、2~3倍高いレベルのSOX17発現をもたらす(パネルA)。胚体内胚葉マーカーMIXL1の誘導(パネルB)はまた、同じ方法で影響を及ぼされ、AFP(臓側内胚葉)の抑制(パネルC)は、10%FBS状態よりも2%FBSにおいて高い。

【図 25】図 25 A ~ 図 25 D は、SOX17+細胞が培養中に分裂していることを示す顕微鏡写真である。SOX17免疫反応性細胞は、hESCコロニーの分化中の縁に存在し(C、D)、増殖細胞核抗原(PCNA)で標識される(パネルB)が、OCT4では今のところ標識されていない(パネルC)。さらに、明確な有糸分裂の外観が、SOX17+細胞(矢印)並びにOCT4+の未分化hESC(矢じり)の両方において核のDAPIラベリングにより観察することができる(D)。

【図 26】図 26 は様々な培地条件下での分化hESCにおけるCXCR4の相対的な発現レベルを示す棒グラフである。

【図 27】図 27 A ~ 図 27 D は、胚体内胚葉マーカーのパネルが、どのようにして図 26 で示されるのと同じ分化処理にわたってCXCR4と非常に類似した発現のパターンを共有するかを示す棒グラフである。

【図 28】図 28 A ~ 図 28 E は、中胚葉(ブラキュリ、MOX1)、外胚葉(SOX1、ZIC1)及び臓側内胚葉(SOX7)に関するマーカーが、どのようにして図 26 で示されるのと同じ処理にわたってCXCR4発現に対する逆相関を表すかを示す棒グラフである。

【図 29】図 29 A ~ 図 29 F は、図 26 ~ 図 28 で示される3つの培地条件にわたってSOX17免疫反応性細胞における相対的な差異を示す顕微鏡写真である。

【図 30】図 30 A ~ 図 30 C は、分化培地に添加されるアクチビンAの増大濃度によるCXCR4+細胞数の増大を実証するフローサイトメトリードットプロットである。

【図 31】図 31 A ~ 図 31 D は、高用量アクチビンA処理から単離されるCXCR4+細胞(A100-CX+)が、母集団(A100)よりも胚体内胚葉マーカーに関してさらに一層富化されることを示す棒グラフである。

【図 32】図 32 は、蛍光標示式細胞分取器(FACS)を使用して単離されるCXCR4+細胞及びCXCR4-細胞からの遺伝子発現、並びに母集団における遺伝子発現を示す棒グラフである。これは、CXCR4+細胞が各母集団に存在する本質的にすべてのCXCR4遺伝子発現を含有し、またCXCR4-集団がCXCR4遺伝子発現をほとんど含有しないか、或いは全く含有しないことを実証する。

【図 33】図 33 A ~ 図 33 D は、これらの非胚体内胚葉マーカーの発現においてすでに

10

20

30

40

50

抑制されている高用量アクチビンA処理から単離されるCXC R 4+細胞における中胚葉（ブラキュリ、MOX 1）、外胚葉（ZIC 1）及び臓側内胚葉（SOX 7）遺伝子発現の欠乏を実証する棒グラフである。

【図34-1】図34A～図34Fは、胚体内胚葉細胞を同定するのに使用することができるマーカー遺伝子の発現パターンを示す棒グラフである。前述した系統マーキング遺伝子であるSOX 17、SOX 7、SOX 17/SOX 7、TM、ZIC 1及びMOX 1の発現分析は、それぞれパネルA～Fに示される。パネルA～Fそれぞれに関して、hESCと分類した欄は、精製ヒト胚性幹細胞からの遺伝子発現を示し、2NFは、2%FBSで処理した細胞（アクチビン添加無し）を示し、0.1A100は、0.1%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示し、1A100は、1%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示し、2A100は、2%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示す。

10

【図34-2】図34G～図34Lは、胚体内胚葉細胞を同定するのに使用することができるマーカー遺伝子の発現パターンを示す棒グラフである。胚体内胚葉マーカーであるFGF 17、VWF、CALCR、FOXQ 1、CMKOR 1及びCRIP 1の発現分析は、それぞれパネルG～Lに示される。パネルG～Lそれぞれに関して、hESCと分類した欄は、精製ヒト胚性幹細胞からの遺伝子発現を示し、2NFは、2%FBSで処理した細胞（アクチビン添加無し）を示し、0.1A100は、0.1%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示し、1A100は、1%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示し、2A100は、2%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示す。

20

【図34-3】図34Mは、胚体内胚葉細胞を同定するのに使用することができるマーカー遺伝子の発現パターンを示す棒グラフである。パネルMは、CXC R 4の発現分析を示す。パネルMに関して、hESCと分類した欄は、精製ヒト胚性幹細胞からの遺伝子発現を示し、2NFは、2%FBSで処理した細胞（アクチビン添加無し）を示し、0.1A100は、0.1%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示し、1A100は、1%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示し、2A100は、2%FBS、100ng/mlアクチビンAで処理した細胞を示す。

【図35】図35は、4日目に添加されるレチノイン酸（RA）及び線維芽細胞成長因子-10（FGF-10）の存在下での、アクチビン有り及び無しでの4日及び6日後のhESCの培養物におけるPDX 1遺伝子の相対発現を示すグラフである。

30

【図36】図36A～図36Fは、4日目に添加されるレチノイン酸（RA）及び線維芽細胞成長因子-10（FGF-10）の存在下での、アクチビン有り及び無しでの4日及び6日後のhESCの培養物におけるマーカー遺伝子の相対発現を示すグラフである。パネルは、以下のマーカー遺伝子：（A）SOX 17、（B）SOX 7、（C）AFP、（D）SOX 1、（E）ZIC 1及び（F）NFMの発現の相対レベルを示す。

【図37】図37A～図37Cは、4日目に添加されるレチノイン酸（RA）、線維芽細胞成長因子-10（FGF-10）及び線維芽細胞成長因子-4（FGF-4）の存在下又は非存在下での、アクチビン有り及び無しでの4日及び8日後のhESCの培養物におけるマーカー遺伝子の相対発現を示すグラフである。パネルは、以下のマーカー遺伝子：（A）PDX 1、（B）SOX 7及び（C）NFMの発現の相対レベルを示す。

40

【図38】図38A～図38Gは、4日目に添加される1μM、0.2μM又は0.04μMのレチノイン酸（RA）と組み合わせて50ng/ml FGF-10と接触させた胚体内胚葉細胞の培養物におけるマーカー遺伝子の相対発現を示すグラフである。パネルは、以下のマーカー遺伝子：（A）PDX 1、（B）HOXA 3、（C）HOXC 6、（D）HOXA 13、（E）CDX 1、（F）SOX 1及び（G）NFMの発現の相対レベルを示す。

【図39】図39A～図39Eは、レチノイン酸（RA）、線維芽細胞成長因子-10（FGF-10）及び以下の：血清代替物（SR）、ウシ胎児血清（FBS）又はB27のうちの1つの組合せの存在下での、アクチビン有り及び無しでの4日及び8日後のhESC

50

Cの培養物におけるマーカー遺伝子の相対発現を示すグラフである。パネルは、以下のマーカー遺伝子：(A) PD X 1、(B) SO X 7、(C) A F P、(D) Z I C 1及び(E) N F Mの発現の相対レベルを示す。

【図40】図40A～図40Bは、6日後(RAの添加の直前)及び9日目(RAへの暴露の3日後)のhESCの培養物における膵臓(PD X 1、HNF 6)及び肝臓(HNF 6)に関するマーカー遺伝子の相対発現を示すグラフである。25 ng / ml (A 25)又は50 ng / ml (A 50)のいずれかのアクチビンAの存在下で、10 ng / ml (a 10)、25 ng / ml (a 25)又は50 ng / ml (a 50)の用量でアクチビンBの添加を比較するために、様々な条件が包含された。そのアクチビンA又はアクチビンB無しの条件(NF)は、胚体内胚葉及びPD X 1陽性内胚葉産生に関する陰性対照として作用する。パネルは、以下のマーカー遺伝子：(A) PD X 1及び(B) HNF 6の発現の相対レベルを示す。

【図41】図41A～図41Cは、5日目(レチノイン酸の添加の直前)並びにRA暴露の2、4及び6日後(それぞれ7、9及び11日目)の、100 ng / ml (A 100)、50 ng / ml (A 50)を有する、又はアクチビンA無し(NF)のhESCの培養物におけるマーカー遺伝子の相対発現を示すグラフである。各棒の真下のパーセント表示は、3～5日の分化中のFBS用量を示す。7日目に開始して、RA(R)で処理した細胞を、0.5% FBSを含むRPMI培地中で成長させた。RA濃度は、7日目に2 µM、9日目に1 µM及び11日目に0.2 µMであった。パネルは、以下のマーカー遺伝子：(A) PD X 1、(B) Z I C 1、(C) SO X 7の発現の相対レベルを示す。

【図42】図42A、図42Bは、まず胚体内胚葉を誘導させるために低FBS中でアクチビンAで(5日目)、続いてPD X 1発現内胚葉を誘導させるために25 ng / ml アクチビンA及びRAを含む新鮮な(A 25 R)培地、又は様々な条件培地(M E F C M、C M # 2、C M # 3及びC M # 4)及びRAで処理したhESCの培養物におけるマーカー遺伝子の相対発現を示すグラフである。マーカー発現は、5、6、7、8及び9日目に測定された。パネルは、以下のマーカー遺伝子：(A) PD X 1、(B) C D X 1の発現の相対レベルを示す。

【図43】図43は、まず胚体内胚葉を誘導させるために低FBS中でアクチビンAで、続いてアクチビンA及びレチノイン酸を含む新鮮な培地(A 25 R)、又は新鮮な培地中へ希釈される条件培地中の様々な量のRAで処理したhESCの培養物におけるPD X 1の相対発現を示すグラフである。培地の総容量は、すべての場合で5 mlである。

【図44】図44は、RA及び50 ng / ml アクチビンAの添加の3日後(d 8)及び4日後(d 9)のRA処理した胚体内胚葉細胞から免疫沈降されるPD X 1を示すウェスタンブロットである。

【図45】図45は、PD X 1プロモーターの制御下にあるEGFPレポーターで遺伝的にタグ付けしたPD X 1陽性前腸内胚葉細胞の蛍光標示式細胞分取(FAC)の結果を表示する略式チャートである。

【図46】生細胞(L i v e)、EGFP陰性細胞(N e g)及びEGFP陽性細胞(G F P +)の分取された集団に関するハウスキーピング遺伝子に対して標準化した相対PD X 1発現レベルを示すグラフである。

【図47】生存細胞(L i v e)、EGFP陰性細胞(N e g)、最低のEGFPシグナル強度を有するEGFP陽性細胞集団の半数(L o)及び最高のEGFPシグナル強度を有するEGFP陽性細胞集団の半数(H i)の分取された集団に関するハウスキーピング遺伝子に対して正規化した相対PD X 1発現レベルを示すグラフである。

【図48】生細胞(L i v e)、EGFP陰性細胞(N e g)及びEGFP陽性細胞(G F P +)の分取された集団における5つの膵臓内胚葉マーカーのハウスキーピング遺伝子に対して正規化した相対発現レベルを示すグラフである。パネル：A - N K X 2 . 2、B - G L U T 2、C - H N F 3 β、D - K R T 1 9及びE - H N F 4 α。

【図49】図49は、生細胞(L i v e)、EGFP陰性細胞(N e g)及びEGFP陽性細胞(G F P +)の分取された集団における2つの非膵臓内胚葉マーカーのハウスキー

10

20

30

40

50

ピング遺伝子に対して正規化した相対発現レベルを示すグラフである。パネル：A - Z I C 1 及び B - G F A P。

【図 5 0】図 5 0 A ~ 図 5 0 D は、免疫低下マウスの腎臓被膜下に移植される胚体内胚葉細胞の *in vitro* 分化を示す。パネル：A - 腸管様構造を示すヘマトキシリン - エオシン染色、B - 肝細胞特異的抗原に対する抗体免疫反応性（肝臓）、C - ビリンに対する抗体免疫反応性（腸）及び D - C D X 2 に対する抗体免疫反応性（腸）。

【図 5 1】図 5 1 A ~ 図 5 1 C は、5 ~ 10 日目に 20 ng / ml での W n t 3 B、5 ng / ml での F G F 2 又は 100 ng / ml での F G F 2 と接触させた細胞における肝臓（アルブミン及び P R O X 1）及び肺（T I T F 1）組織に関するマーカーの正規化した相対発現レベルを示すグラフである。D E は、胚体内胚葉を指す。パネル：A - アルブミン、B - P R O X 1 及び C - T I T F 1。

【図 5 2 - 1】図 5 2 A ~ 図 5 2 L は、5 ~ 10 日目に 20 ~ 50 ng / ml での W n t 3 A、5 ng / ml での F G F 2 又は 100 ng / ml での F G F 2、並びに 9 日目及び 10 日目に B M P 4 と接触させた細胞における肝臓（A F P、A A T、h H E X、G L U T 2、A P O A 1 及び V C A M 1）及び肺（V W F 及び C X R 4）組織に関するマーカーの正規化した相対発現レベルを示すグラフである。D E は、胚体内胚葉を指す。パネル：A - A F P、B - A A T、C - G L U K O、D - h H E X、E - T A T 及び F - h N F 4 a。

【図 5 2 - 2】図 5 2 A ~ 図 5 2 L は、5 ~ 10 日目に 20 ~ 50 ng / ml での W n t 3 A、5 ng / ml での F G F 2 又は 100 ng / ml での F G F 2、並びに 9 日目及び 10 日目に B M P 4 と接触させた細胞における肝臓（A F P、A A T、h H E X、G L U T 2、A P O A 1 及び V C A M 1）及び肺（V W F 及び C X R 4）組織に関するマーカーの正規化した相対発現レベルを示すグラフである。D E は、胚体内胚葉を指す。パネル：G - C Y P 7 A、H - G L U T 2、I - A P O A 1、J - V C A M 1、K - V W F 及び L - C X C R 4。

【発明を実施するための形態】

【0065】

[詳細な説明]

原腸形成と呼ばれる初期ヒト発達におけるきわめて重大な段階は、受精後 2 ~ 3 週間で起こる。原腸形成は、3 つの一次胚葉が最初に特定化され、そして器官形成されるのがこの時期であるため、非常に有意である（Lu et al., 2001; Schoenwolf and Smith, 2000）。外胚葉は、身体の外被及び全神経系の終局的形成に関与するが、一方、心臓、血液、骨、骨格筋及びその他の結合組織は中胚葉に由来する。胚体内胚葉は、食道、胃並びに小腸及び大腸を含む全腸管、並びに腸管に由来する器官、例えば肺、肝臓、胸腺、上皮小体及び甲状腺、胆嚢及び膵臓の形成に関与する胚葉として定義される（Grapin-Botton and Melton, 2000; Kimelman and Griffin, 2000; Tremblay et al., 2000; Wells and Melton, 1999; Wells and Melton, 2000）。非常に重要な区別は、胚体内胚葉と原始内胚葉と呼ばれる細胞の完全に別個の系統との間でなされるべきである。原始内胚葉は主として、胚体外組織、主に胎盤卵黄嚢の壁側及び臓側内胚葉部分、並びにライヘル膜の細胞外マトリックス物質である。

【0066】

原腸形成中、胚体内胚葉形成のプロセスは、中内胚葉細胞（中胚葉又は内胚葉を形成するための細胞構成成分）が原始線条と呼ばれる構造を介して移動する細胞移動事象で開始する。胚体内胚葉は、線条の前部分を通して、そして結節（線条の最前領域での特殊化された構造）を通して移動する細胞に由来する。移動が起こると、胚体内胚葉はまず最前腸管に存在し、そして腸管の後端の形成に伴って終了する。

【0067】

胚体内胚葉細胞及びそれらに由来する内胚葉細胞は、胚体内胚葉系統に由来する最終分化された組織及び / 又は器官を構成する細胞の派生に関する重要な多分化能開始点を表す。かかる細胞、組織及び / 又は器官は、細胞療法において極めて有用である。したがって、

胚体内胚葉細胞系統に由来する他の細胞型への胚体内胚葉細胞及び／又はPDX1発現内胚葉細胞の分化を引き起こすことが可能な分化因子を同定するための本明細書中に記載する方法は、細胞療法の向上に有益である。

【0068】

特に、本発明のいくつかの実施形態は、脾臓、肝臓、肺、胃、腸、甲状腺、胸腺、咽頭、胆嚢及び膀胱を包含する（これらに限定されない）組織及び／又は器官に関する前駆体である細胞への胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能である細胞へPDX1陽性内胚葉細胞及び／又は胚体内胚葉細胞を含む細胞集団における細胞を分化させるのに有用である1つ又は複数の分化因子を同定する方法に関する。

【0069】

胚体内胚葉細胞、PDX1陽性内胚葉の組成物、並びにかかる細胞を産生するのに有用な方法及び組成物に関するさらなる態様もまた本明細書中に記載される。

【0070】

定義

本出願全体を通して用いられるような或る特定のいくつかの用語及び語句は、以下のように提示される意味を有する：

【0071】

本明細書中で用いる場合、「胚性」とは、単一受精卵で開始し、発達した配偶子細胞以外の多能性又は全能性細胞をもはや含まない多細胞構造で終わる生物体の一連の発達段階を指す。配偶子融合により得られる胚のほかに、「胚性」という用語は、体細胞核移植により得られる胚を指す。

【0072】

本明細書中で用いる場合、「多分化能」又は「多分化能細胞」は、限られた数の他の特定細胞型を生じ得る細胞型を指す。

【0073】

本明細書中で用いる場合、「発現」とは、材料又は物質の産生、並びに材料又は物質の産生のレベル又は量を指す。したがって特定マーカーの発現の測定は、発現されるマーカーの相対量又は絶対量の検出、或いは単にマーカーの存在又は非存在の検出を指す。

【0074】

本明細書中で用いる場合、「マーカー」とは、観察され得るか又は検出され得る任意の分子を指す。例えばマーカーとしては、核酸、例えば特定遺伝子の転写体、遺伝子のポリペプチド産物、非遺伝子産物ポリペプチド、糖タンパク質、炭水化物、糖脂質、脂質、リポタンパク質又は小分子（例えば10,000amu未満の分子量を有する分子）が挙げられるが、これらに限定されない。

【0075】

細胞培養物及び／又は細胞集団に関連して用いられる場合、「部分」という用語は、単細胞から細胞培養物又は細胞集団全体の範囲である任意のゼロでない量の細胞培養物又は細胞集団を意味する。

【0076】

細胞培養物中又は細胞集団中の細胞に関して、「～を実質的に含有しない」という語句は、細胞培養物又は細胞集団を含有しない特殊化細胞型が、細胞培養物又は細胞集団中に存在する細胞の総数の約5%未満の量で存在する、ということ意味する。

【0077】

本明細書中で使用する場合、「レチノイド」は、レチノール、レチナール又はレチノイン酸、並びにこれらの化合物のいずれかの誘導体を指す。

【0078】

「条件培地」とは、基本培地と比較して変更される培地を意味する。

【0079】

本明細書中で使用する場合、「前腸／中腸」は、腸管の前方部分の細胞並びに腸管の中間部分の細胞（前腸／中腸接合部を含む）を指す。

10

20

30

40

50

【 0 0 8 0 】

胚体内胚葉細胞及びそれらに関連するプロセス

本明細書中に記載する実施形態は、幹細胞のような多能性細胞を、多分化能胚体内胚葉細胞へ分化させることによる培養物中での胚体内胚葉細胞の産生のための新規規定プロセスに関する。上述したように、胚体内胚葉細胞は、外胚葉又は中胚葉から産生される組織へ分化するのではなく、腸管並びに腸管に由来する器官へ分化する。或る特定の好ましい実施形態では、胚体内胚葉細胞は、hESCに由来する。かかるプロセスは、膵臓、肝臓、肺、胃、腸、甲状腺及び胸腺のような組織に由来するヒト内胚葉の効率的な産生に関する基盤を提供することができる。例えば、胚体内胚葉の産生は、機能的なインスリン生産β細胞への幹細胞の分化における第1の工程であり得る。有用な量のインスリン生産β細胞を得るためには、膵臓島/β細胞最終結果物に到達する前に起きる分化工程それぞれに関して、高効率の分化が望まれる。胚体内胚葉細胞への幹細胞の分化は、機能的な膵臓島/β細胞の産生に対しておそらく一番初めの工程を表す(図1に示されるように)ため、この工程での高効率の分化が特に望まれる。

10

【 0 0 8 1 】

胚体内胚葉細胞への多能性細胞の効率的な分化の望ましさに鑑みて、本明細書中に記載される分化プロセスのいくつかの態様は、胚体内胚葉細胞への多能性細胞の転換が約50~80%で生じるin vitro方法に関する。典型的には、このような方法は、限定的及び一時的に特定された様式での培養及び成長因子条件の適用を包含する。胚体内胚葉細胞に関する細胞集団のさらなる富化は、胚体内胚葉細胞と特異的に結合する試薬を用いることにより、集団中の他の細胞からの胚体内胚葉細胞の単離及び/又は精製により達成され得る。

20

【 0 0 8 2 】

細胞培養物又は細胞集団中の胚体内胚葉細胞の量を測定するため、培養物中又は集団中の他の細胞からこの細胞型を区別する方法が望まれる。したがって、本明細書中に記載される或る特定の実施形態は、その存在、非存在及び/又は相対発現レベルが胚体内胚葉に特異的である細胞マーカー、並びにこのようなマーカーの発現を検出し、測定するための方法に関する。

【 0 0 8 3 】

本明細書中に記載されるいくつかの実施形態では、マーカーの存在、非存在及び/又は発現レベルは、定量的PCR(Q-PCR)により測定される。例えば或る特定の遺伝子マーカー、例えばSOX17、CXCR4、OCT4、AFP、TM、SPARC、SOX7、MIXL1、GATA4、HNF36、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1、CRIP1、並びに本明細書中に記載される他のマーカーにより産生される転写体の量が、定量的Q-PCRにより測定される。他の実施形態では、免疫組織化学を用いて、上記遺伝子により発現されるタンパク質を検出する。さらに他の実施形態では、Q-PCR及び免疫組織化学的技法が、このようなマーカーの量又は相対的割合を同定すると共に測定するために用いられる。

30

【 0 0 8 4 】

1つ又は複数の適切なマーカーの発現を測定するための上述に記載したような方法を使用することにより、胚体内胚葉細胞を同定すること、並びに細胞培養物又は細胞集団における胚体内胚葉細胞の比率を測定することが可能である。例えば、本発明のいくつかの実施形態では、産生される胚体内胚葉細胞又は細胞集団は、非胚体内胚葉細胞型又は細胞集団よりも約2桁大きいレベルでSOX17及び/又はCXCR4遺伝子を発現する。他の実施形態では、産生される胚体内胚葉細胞又は細胞集団は、非胚体内胚葉細胞型又は細胞集団よりも2桁を超えるレベルでSOX17及び/又はCXCR4遺伝子を発現する。さらに他の実施形態では、産生される胚体内胚葉細胞又は細胞集団は、非胚体内胚葉細胞型又は細胞集団よりも約2桁以上大きいレベルでSOX17、CXCR4、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1から成る群から選択されるマーカーの1つ又は複数を経験する。本明細書中に記載するいくつかの実施形態で

40

50

は、胚体内胚葉細胞は、PDX1を実質的に発現しない。

【0085】

本明細書中に記載される実施形態は、胚体内胚葉組成物にも関する。例えばいくつかの実施形態は胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物に関するが、一方、他の実施形態は、胚体内胚葉細胞中に富化された細胞集団に関する。いくつかの好ましい実施形態は、細胞培養物中の細胞の少なくとも約50～80%が胚体内胚葉細胞である胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物に関する。特に好ましい実施形態は、細胞培養物中のヒト細胞の少なくとも約50～80%が胚体内胚葉細胞であるヒト細胞を含む細胞培養物に関する。分化手法の効率は、或る特定のパラメーター、例えば細胞成長条件、成長因子濃度及び培養工程の時機（これらに限定されない）を修正することにより調整され得るため、本明細書中に記載される分化手法は、胚体内胚葉細胞への多能性細胞の約5%、約10%、約15%、約20%、約25%、約30%、約35%、約40%、約45%、約50%、約55%、約60%、約65%、約70%、約75%、約80%、約85%、約90%、約95%、又は約95%より多い転換を生じ得る。他の好ましい実施形態では、実質的に純粋な胚体内胚葉細胞集団への多能性細胞集団、例えば幹細胞集団の転換が意図される。

10

【0086】

本明細書中に記載される組成物及び方法は、いくつかの有用な特徴を有する。例えば胚体内胚葉を含む細胞培養物及び細胞集団、並びにこのような細胞培養物及び細胞集団を産生する方法は、ヒト発達の初期をモデリングするのに有用である。さらに、本明細書中に記載される組成物及び方法は、疾患状態、例えば糖尿病における治療的介入にも役立ち得る。例えば胚体内胚葉は限られた数の組織のためだけの供給源として役立つため、それは純粋組織又は細胞型の発達に用いられ得る。

20

【0087】

多能性細胞からの胚体内胚葉の産生

胚体内胚葉を含む細胞培養物及び富化された細胞集団を産生するように多能性細胞を分化させるプロセスは、以下に、そして2004年12月23日に出願された胚体内胚葉(DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国特許第11/021,618号に記載されている。これらのプロセスのいくつかでは、出発材料として使用される多能性細胞は、幹細胞である。或る特定のプロセスでは、胚体内胚葉細胞を含む胚体内胚葉細胞培養物及び富化された細胞集団は、胚性幹細胞から産生される。胚体内胚葉細胞を派生させる好ましい方法は、胚体内胚葉産生のための出発材料として、ヒト胚性幹細胞を利用することである。かかる多能性細胞は、桑実胚に由来する細胞、胚の内部細胞塊又は胚の生殖隆起に由来する細胞であり得る。ヒト胚性幹細胞は、当該技術分野で既知の方法を使用して、実質的な分化無しで多能性状態で培養物中で維持されることができる。かかる方法は、例えば米国特許第5,453,357号、同第5,670,372号、同第5,690,926号、同第5,843,780号、同第6,200,806号及び同第6,251,671号に記載されている。

30

【0088】

胚体内胚葉細胞を産生するためのいくつかのプロセスにおいて、hESCは、フィーダー層上に保持される。このようなプロセスでは、hESCを多能性状態に保持させる任意のフィーダー層が用いられ得る。ヒト胚性幹細胞を培養するために一般的に用いられる1つのフィーダー層は、マウス線維芽細胞の層である。さらに近年、ヒト線維芽細胞フィーダー層が、hESCの培養に用いるために開発された（米国特許出願第2002/0072117号参照）。胚体内胚葉を産生するための代替的プロセスは、フィーダー層の使用を伴わずに多能性hESCの保持を可能にする。フィーダーを使用しない条件下での多能性hESCの保持方法は、米国特許出願第2003/0175956号に記載されている。

40

【0089】

本明細書中で用いられるヒト胚性幹細胞は、血清を含有するか又は含有しない培養物中に保持され得る。いくつかの胚性幹細胞保持手法では、血清代替物が用いられる。他の場合には、無血清培養技法、例えば米国特許出願第2003/0190748号に記載される

50

技法が用いられる。

【0090】

幹細胞は、それらが胚体内胚葉へ分化されることを望まれるまで、ルーチンの継代培養により多能性状態で培養物中で維持される。いくつかのプロセスでは、胚体内胚葉への分化は、胚体内胚葉への分化を促進するのに十分な量でTGFβスーパーファミリーの成長因子を幹細胞培養物へ供給することにより達成される。胚体内胚葉の産生に有用であるTGFβスーパーファミリーの成長因子は、ノーダル/アクチビン又はBMPサブグループから選択される。いくつかの好ましい分化プロセスでは、成長因子は、ノーダル、アクチビンA、アクチビンB及びBMP4から成る群から選択される。さらに、成長因子Wnt3a及び他のWntファミリー成員は、胚体内胚葉細胞の産生に有用である。或る特定の分化プロセスでは、上述の成長因子のいずれかの組合せが使用され得る。

10

【0091】

胚体内胚葉細胞への多能性幹細胞の分化のためのプロセスのいくつかに関しては、胚体内胚葉細胞への幹細胞の少なくとも一部の分化を促すのに十分な濃度で成長因子が培養物中に存在するように、上記成長因子が細胞に提供される。いくつかのプロセスでは、上記成長因子は、少なくとも約5 ng/ml、少なくとも約10 ng/ml、少なくとも約25 ng/ml、少なくとも約50 ng/ml、少なくとも約75 ng/ml、少なくとも約100 ng/ml、少なくとも約200 ng/ml、少なくとも約300 ng/ml、少なくとも約400 ng/ml、少なくとも約500 ng/ml、少なくとも約1000 ng/ml、少なくとも約2000 ng/ml、少なくとも約3000 ng/ml、少なくとも約4000 ng/ml、少なくとも約5000 ng/ml又は約5000 ng/mlより高い濃度で細胞培養物中に存在する。

20

【0092】

胚体内胚葉細胞への多能性幹細胞の分化のための或る特定のプロセスでは、上記の成長因子は、それらの付加後、細胞培養物から除去される。例えば成長因子は、それらの付加後、約1日、約2日、約3日、約4日、約5日、約6日、約7日、約8日、約9日、又は約10日以内に除去され得る。好ましいプロセスでは、成長因子は、それらの付加後約4日で除去される。

【0093】

胚体内胚葉細胞の培養物は、低血清又は無血清を含有する培地中で増殖され得る。或る特定の培養条件下では、血清濃度は約0.05% (v/v) ~ 約20% (v/v) の範囲であり得る。例えばいくつかの分化プロセスでは、培地の血清濃度は、約0.05% (v/v) 未満、約0.1% (v/v) 未満、約0.2% (v/v) 未満、約0.3% (v/v) 未満、約0.4% (v/v) 未満、約0.5% (v/v) 未満、約0.6% (v/v) 未満、約0.7% (v/v) 未満、約0.8% (v/v) 未満、約0.9% (v/v) 未満、約1% (v/v) 未満、約2% (v/v) 未満、約3% (v/v) 未満、約4% (v/v) 未満、約5% (v/v) 未満、約6% (v/v) 未満、約7% (v/v) 未満、約8% (v/v) 未満、約9% (v/v) 未満、約10% (v/v) 未満、又は約15% (v/v) 未満又は約20% (v/v) 未満であり得る。いくつかのプロセスでは、胚体内胚葉細胞は、血清を用いずに、又は血清代替物を用いずに増殖される。さらに他のプロセスでは、胚体内胚葉細胞はB27の存在下で増殖される。このようなプロセスでは、B27サプリメントの濃度は、約0.1% (v/v) ~ 約20% (v/v) の範囲であり得る。

30

40

【0094】

胚体内胚葉への多能性細胞の分化のモニタリング

胚体内胚葉へのhESC培養の進行は、胚体内胚葉に特徴的なマーカーの発現を測定することによりモニタリングされ得る。いくつかのプロセスでは、或る特定のマーカーの発現は、マーカーの存在又は非存在を検出することにより測定される。或いは或る特定のマーカーの発現は、マーカーが細胞培養物又は細胞集団の細胞中に存在するレベルを測定することにより判定され得る。このようなプロセスでは、マーカー発現の測定は、定性的又は

50

定量的であり得る。マーカー遺伝子により産生されるマーカーの発現を定量する一方法は、定量的PCR(Q-PCR)の使用による。Q-PCRを実施する方法は、当該技術分野で既知である。当該技術分野で既知である他の方法は、マーカー遺伝子発現を定量するためにも用いられ得る。例えばマーカー遺伝子産物の発現は、当該マーカー遺伝子産物に特異的な抗体を用いることにより検出され得る。或る特定のプロセスでは、胚体内胚葉に特徴的なマーカー遺伝子の発現並びにhESC及び他の細胞型に特徴的なマーカー遺伝子の有意の発現の欠如が判定される。

【0095】

以下の実施例でさらに記載するように、胚体内胚葉の信頼性の大きいマーカーは、SOX17遺伝子である。したがって、本明細書中に記載するプロセスにより産生される胚体内胚葉細胞は、SOX17マーカー遺伝子を発現し、それによりSOX17遺伝子産物を産生する。胚体内胚葉の他のマーカーは、MIXL1、GATA4、HNF3b、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1である。胚体内胚葉細胞は、原始及び臓側内胚葉の特徴であるSOX7マーカー遺伝子のレベルよりも高いレベルでSOX17マーカー遺伝子を発現する(表1を参照)ため、いくつかのプロセスでは、SOX17及びSOX7の両方の発現がモニタリングされる。他のプロセスでは、hESCの特徴であるSOX17マーカー遺伝子及びOCT4マーカー遺伝子の両方の発現がモニタリングされる。さらに、胚体内胚葉細胞は、AFP、SPARC又はトロポモジュリン(TM)マーカー遺伝子のレベルよりも高いレベルでSOX17マーカー遺伝子を発現するため、これらの遺伝子の発現もまたモニタリングされ得る。

【0096】

胚体内胚葉の別のマーカーは、CXCR4遺伝子である。CXCR4遺伝子は、細胞表面ケモカイン受容体をコードし、そのリガンドは、化学誘引物質SDF-1である。成体におけるCXCR4受容体保有細胞の主要な役割は、骨髄への造血細胞の遊走、リンパ球輸送並びに様々なB細胞及びマクロファージ血液細胞系統の分化であると考えられる[Kim, C., and Broxmeyer, H.J. Leukocyte Biol. 65, 6-15 (1999)]。CXCR4受容体はまた、T細胞へのHIV-1の進入のための共受容体として機能する[Feng, Y., et al. Science, 272, 872-877 (1996)]。[McGrath, K.E. et al. Dev. Biology 213, 442-456 (1999)]により実施される広範囲の一連の研究では、ケモカイン受容体CXCR4及びその特有のリガンドであるSDF-1[Kim, C., and Broxmeyer, H., J. Leukocyte Biol. 65, 6-15 (1999)]の発現は、マウスにおいて初期発達及び成体期中に示された。発達におけるCXCR4/SDF1相互作用は、いずれかの遺伝子がトランスジェニックマウスで崩壊される[Nagasawa et al. Nature, 382, 635-638 (1996), Ma, Q., et al. Immunity, 10, 463-471 (1999)]場合、それが後期胚致死性をもたらしたことが実証された際に明らかとなってきた。McGrath他は、CXCR4は、RNAアーゼ保護及びin situハイブリッド形成方法論の組合せを使用して初期原腸形成胚(E7.5)中に検出される最も豊富なケモカイン受容体メッセンジャーRNAであることを実証した。原腸形成胚では、CXCR4/SDF-1シグナル伝達は、原始線条胚葉細胞の遊走を誘導することに主に関与されるようであり、この時期に存在する胚体内胚葉、中胚葉及び胚体外中胚葉上で発現される。E7.2-7.8マウス胚では、CXCR4及びα-フェトプロテインは、相互排他的であり、臓側内胚葉における発現の欠如を示している[McGrath, K.E. et al. Dev. Biology 213, 442-456 (1999)]。

【0097】

多能性細胞を分化させることにより産生される胚体内胚葉細胞は、CXCR4マーカー遺伝子を発現するため、胚体内胚葉細胞の産生を追跡するために、CXCR4の発現をモニタリングすることができる。さらに、本明細書中に記載する方法により産生される胚体内胚葉細胞は、SOX17、MIXL1、GATA4、HNF3b、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1を包含する(これらに限定されない)胚体内胚葉の他のマーカーを発現する。胚体内胚葉細胞は、SOX7マーカー遺伝子のレベルよりも高いレベルでCXCR4マーカー遺伝子を発現するため、CXCR4

R 4 及び S O X 7 の両方の発現がモニタリングされ得る。他のプロセスでは、C X C R 4 マーカー遺伝子及び O C T 4 マーカー遺伝子の両方の発現がモニタリングされる。さらに、胚体内胚葉細胞は、A F P、S P A R C 又はトロポモジュリン (T M) マーカー遺伝子のレベルよりも高いレベルで C X C R 4 マーカー遺伝子を発現するため、これらの遺伝子の発現もまたモニタリングされ得る。

【 0 0 9 8 】

内胚葉細胞における C X C R 4 の発現は、S O X 1 7 の発現を妨げないことが理解されよう。したがって、本明細書中に記載するプロセスにより産生される胚体内胚葉細胞は、S O X 1 7 及び C X C R 4 を実質的に発現するが、A F P、T M、S P A R C 又は P D X 1 を実質的に発現するものではない。

10

【 0 0 9 9 】

S O X 1 7 及び / 又は C X C R 4 マーカーの発現は、分化条件に応じて、胚体内胚葉細胞において多種多様なレベルにわたって誘導されることが理解されよう。したがって、本明細書中に記載するいくつかの実施形態では、胚体内胚葉細胞又は細胞集団における S O X 1 7 マーカー及び / 又は C X C R 4 マーカーの発現は、非胚体内胚葉細胞又は細胞集団 (例えば、多能性幹細胞) における S O X 1 7 マーカー及び / 又は C X C R 4 マーカーの発現よりも少なくとも約 2 倍 ~ 少なくとも約 1 0 , 0 0 0 倍高い。他の実施形態では、胚体内胚葉細胞又は細胞集団における S O X 1 7 マーカー及び / 又は C X C R 4 マーカーの発現は、非胚体内胚葉細胞又は細胞集団 (例えば、多能性幹細胞) における S O X 1 7 マーカー及び / 又は C X C R 4 マーカーの発現よりも、少なくとも約 4 倍高いか、少なくとも約 6 倍高いか、少なくとも約 8 倍高いか、少なくとも約 1 0 倍高いか、少なくとも約 1 5 倍高いか、少なくとも約 2 0 倍高いか、少なくとも約 4 0 倍高いか、少なくとも約 8 0 倍高いか、少なくとも約 1 0 0 倍高いか、少なくとも約 1 5 0 倍高いか、少なくとも約 2 0 0 倍高いか、少なくとも約 5 0 0 倍高いか、少なくとも約 7 5 0 倍高いか、少なくとも約 1 0 0 0 倍高いか、少なくとも約 2 5 0 0 倍高いか、少なくとも約 5 0 0 0 倍高いか、少なくとも約 7 5 0 0 倍高いか、或いは少なくとも約 1 0 , 0 0 0 倍高い。いくつかの実施形態では、胚体内胚葉細胞又は細胞集団における S O X 1 7 マーカー及び / 又は C X C R 4 マーカーの発現は、非胚体内胚葉細胞又は細胞集団 (例えば、多能性幹細胞) における S O X 1 7 マーカー及び / 又は C X C R 4 マーカーの発現よりも飛躍的に高い。

20

【 0 1 0 0 】

同様に、本明細書中に記載するいくつかの実施形態では、胚体内胚葉細胞又は細胞集団における G A T A 4、M I X L 1、H N F 3 b、G S C、F G F 1 7、V W F、C A L C R、F O X Q 1、C M K O R 1 及び C R I P 1 から成る群から選択されるマーカーの発現は、非胚体内胚葉細胞又は細胞集団における G A T A 4、M I X L 1、H N F 3 b、G S C、F G F 1 7、V W F、C A L C R、F O X Q 1、C M K O R 1 及び C R I P 1 の発現と比較して増大されていることが理解されよう。

30

【 0 1 0 1 】

さらに、胚体内胚葉細胞中での S O X 7 マーカーの発現レベルと、O C T 4、S P A R C、A F P、T M 及び / 又は S O X 7 マーカーの発現レベルとの間に一定の差が存在する、と理解される。同様に、胚体内胚葉細胞中での C X C R 4 マーカーの発現レベルと、O C T 4、S P A R C、A F P、T M 及び / 又は S O X 7 マーカーの発現レベルとの間に一定の差が存在する。このようなものとして、本明細書中に記載されるいくつかの実施形態では、S O X 7 マーカー又は C X C R 4 マーカーの発現は、O C T 4、S P A R C、A F P、T M 及び / 又は S O X 7 マーカーの発現レベルより少なくとも約 2 倍 ~ 少なくとも約 1 0 , 0 0 0 倍高い。他の実施形態では、S O X 7 マーカー又は C X C R 4 マーカーの発現は、O C T 4、S P A R C、A F P、T M 及び / 又は S O X 7 マーカーの発現レベルより少なくとも約 4 倍高い、少なくとも約 6 倍高い、少なくとも約 8 倍高い、少なくとも約 1 0 倍高い、少なくとも約 1 5 倍高い、少なくとも約 2 0 倍高い、少なくとも約 4 0 倍高い、少なくとも約 8 0 倍高い、少なくとも約 1 0 0 倍高い、少なくとも約 1 5 0 倍高い、少なくとも約 2 0 0 倍高い、少なくとも約 5 0 0 倍高い、少なくとも約 7 5 0 倍高い、少な

40

50

くとも約1000倍高い、少なくとも約2500倍高い、少なくとも約5000倍高い、少なくとも約7500倍高いか又は少なくとも約10,000倍高い。いくつかの実施形態では、OCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーは、胚体内胚葉細胞中で有意に発現されない。

【0102】

同様に、本明細書中に記載するいくつかの実施形態では、胚体内胚葉細胞におけるGATA4、MIXL1、HNF3b、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1から成る群から選択されるマーカーの発現は、胚体内胚葉細胞におけるOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7の発現と比較して増大されていることが理解されよう。

10

【0103】

胚体内胚葉の富化、単離及び/又は精製

上述のプロセスのいずれかにより産生される胚体内胚葉細胞は、かかる細胞に特異的である親和性タグを使用することにより、富化、単離及び/又は精製することができる。胚体内胚葉細胞に特異的な親和性タグの例は、胚体内胚葉細胞の細胞表面上に存在するが、本明細書中に記載する方法により産生される細胞培養物に見出されるであろう他の細胞型上には実質的に存在しないマーカー分子(例えば、ポリペプチド)に特異的である抗体、リガンド又は他の結合剤である。いくつかのプロセスでは、CXCR4に結合する抗体は、胚体内胚葉細胞の富化、単離又は精製の親和性タグとして使用される。他のプロセスでは、ケモカインSDF-1又はSDF-1に基づく他の分子もまた、親和性タグとして使用され得る。かかる分子としては、SDF-1フラグメント、SDF-1融合体又はSDF-1模倣体が挙げられるが、これらに限定されない。

20

【0104】

抗体を作製し、また細胞単離のためにそれらを使用する方法は当該技術分野で既知であり、かかる方法は、本明細書中に記載する抗体及び胚体内胚葉細胞を用いた使用に実施することができる。一プロセスでは、CXCR4に結合する抗体を磁気ビーズへ結合させた後、細胞間接着及び基材接着を低減させるように酵素的に処理した細胞培養物において胚体内胚葉細胞へ結合させる。続いて、ビーズ結合された胚体内胚葉細胞と未結合細胞を分離するのに使用される可動性磁界中へ細胞/抗体/ビーズ複合体をさらす。いったん胚体内胚葉細胞が培養物において他の細胞と物理的に分離されると、抗体結合は崩壊されて、細胞は、適切な組織培養培地中で再度平板培養される。

30

【0105】

富化、単離又は精製された胚体内胚葉細胞培養物又は集団を得るためのさらなる方法もまた使用することができる。例えば、いくつかの実施形態では、CXCR4抗体を、細胞間接着及び基材接着を低減させるように処理した胚体内胚葉含有細胞培養物とともにインキュベートさせる。続いて、細胞を洗浄して、遠心分離して、再懸濁させる。次に、細胞懸濁液を、一次抗体に結合することが可能な二次抗体(例えば、FITC接合化抗体)とともにインキュベートさせる。続いて、細胞を洗浄して、遠心分離して、緩衝液中に再懸濁させる。次に、蛍光標示式細胞分取器(FACS)を使用して、細胞懸濁液を分析及び選別する。CXCR4陽性細胞を、CXCR4陰性細胞と分離して収集して、それによりかかる細胞型を単離する。望ましい場合、単離細胞組成物は、代替的な親和性ベースの方法を使用することにより、或いは胚体内胚葉に特異的な同じか、又は異なるマーカーを使用したさらなる一連の選別によりさらに精製することができる。

40

【0106】

さらに他のプロセスでは、胚体内胚葉細胞は、CXCR4に結合するリガンド又は他の分子を使用して、富化、単離及び/又は精製される。いくつかのプロセスでは、分子は「SDF-1又はそれらのフラグメント、融合体又は模倣体である。

【0107】

好ましいプロセスでは、胚体内胚葉細胞は、幹細胞培養物が胚体内胚葉系統へと分化するように誘導された後、他の非胚体内胚葉細胞から富化、単離及び/又は精製される。上述

50

の富化、単離及び精製手法は、分化の任意の段階でかかる培養物を用いて使用することができる。と理解されよう。

【0108】

直前で記載された手法に加えて、胚体内胚葉細胞は、細胞単離のための他の技法によっても単離され得る。さらに胚体内胚葉細胞は、胚体内胚葉細胞の選択的生存又は選択的拡大を促す増殖条件で連続継代培養する方法によっても、富化されるか又は単離され得る。

【0109】

本明細書中に記載する方法を使用して、胚体内胚葉細胞及び／又は組織の富化、単離及び／又は精製された集団は、少なくともいくつかの分化を受けた多能性細胞培養物又は細胞集団（例えば、幹細胞培養物又は集団）から *in vitro* で産生することができる。いくつかの方法では、細胞は、無作為な分化を受ける。しかしながら、好ましい方法では、細胞は、主として胚体内胚葉へ分化するように指示される。いくつかの好ましい富化、単離及び／又は精製方法は、ヒト胚性幹細胞からの胚体内胚葉の *in vitro* 産生に関する。本明細書中に記載する方法を使用して、細胞集団又は細胞培養物は、未処理の細胞集団又は細胞培養物と比較した場合、少なくとも約2～約1000倍、胚体内胚葉含有量が富化され得る。いくつかの実施形態では、胚体内胚葉細胞は、未処理の細胞集団又は細胞培養物と比較した場合、少なくとも約5～約500倍富化され得る。他の実施形態では、胚体内胚葉細胞は、未処理の細胞集団又は細胞培養物と比較した場合、少なくとも約10～約200倍富化され得る。さらに他の実施形態では、胚体内胚葉細胞は、未処理の細胞集団又は細胞培養物と比較した場合、少なくとも約20～約100倍富化され得る。さらなる他の実施形態では、胚体内胚葉細胞は、未処理の細胞集団又は細胞培養物と比較した場合、少なくとも約40～約80倍富化され得る。或る特定の実施形態では、胚体内胚葉細胞は、未処理の細胞集団又は細胞培養物と比較した場合、少なくとも約2～約20倍富化され得る。

【0110】

胚体内胚葉細胞を含む組成物

上記の方法により産生される細胞組成物としては、胚体内胚葉を含む細胞培養物、並びに胚体内胚葉を富化された細胞集団が挙げられる。例えば、培養物中の細胞の少なくとも約50～80%が胚体内胚葉細胞である胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物が産生され得る。分化プロセスの効率、或る特定のパラメーター、例えば細胞成長条件、成長因子濃度及び培養工程の時機（これらに限定されない）を修正することにより調整され得るため、本明細書中に記載される分化手法は、約5%、約10%、約15%、約20%、約25%、約30%、約35%、約40%、約45%、約50%、約55%、約60%、約65%、約70%、約75%、約80%、約85%、約90%、約95%、又は約95%以上の多能性細胞の胚体内胚葉への転換を生じ得る。胚体内胚葉細胞の単離が用いられるプロセスでは、例えばCXCR4受容体と結合する親和性試薬を用いることにより、実質的に純粋な胚体内胚葉細胞集団が回収され得る。

【0111】

本明細書中に記載されるいくつかの実施形態は、多能性細胞、例えば幹細胞と、胚体内胚葉細胞の両方を含む細胞集団及び細胞培養物のような組成物に関する。例えば本明細書中に記載される方法を用いて、hESC及び胚体内胚葉細胞の混合物を含む組成物が産生され得る。いくつかの実施形態では、約95個の多能性細胞につき少なくとも約5個の胚体内胚葉細胞を含む組成物が産生される。他の実施形態では、約5個毎の多能性細胞に関して少なくとも約95個の胚体内胚葉細胞を含む組成物が産生される。さらに、他の割合の胚体内胚葉細胞対多能性細胞を含む組成物が意図される。例えば約1,000,000個毎の多能性細胞に関して少なくとも約1個の胚体内胚葉細胞、約100,000個毎の多能性細胞に関して少なくとも約1個の胚体内胚葉細胞、約10,000個毎の多能性細胞に関して少なくとも約1個の胚体内胚葉細胞、約1,000個毎の多能性細胞に関して少なくとも約1個の胚体内胚葉細胞、約500個毎の多能性細胞に関して少なくとも約1個の胚体内胚葉細胞、約100個毎の多能性細胞に関して少なくとも約1個の胚体内胚葉細胞

、約 10 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 1 個の胚体内胚葉細胞、約 5 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 1 個の胚体内胚葉細胞、約 2 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 1 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 2 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 5 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 10 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 20 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 50 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 100 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 1000 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 10000 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 100000 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 1000000 個の胚体内胚葉細胞、約 1 個毎の多能性細胞に関して少なくとも約 10000000 個の胚体内胚葉細胞を含む組成物が意図される。いくつかの実施形態では、多能性細胞はヒト多能性幹細胞である。或る特定のいくつかの実施形態では、幹細胞は、桑実胚、胚の内部細胞塊、又は胚の生殖隆起に由来する。或る特定の他の実施形態では、多能性細胞は、胚期が終わって発達した多細胞構造の生殖腺又は胚組織に由来する。

10

20

30

40

50

【0112】

本明細書中に記載されるいくつかの実施形態は、少なくとも約 5 % の胚体内胚葉細胞から少なくとも約 95 % の胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団に関する。いくつかの実施形態では、細胞培養物又は細胞集団は、哺乳類細胞を含む。好ましい実施形態では、細胞培養物又は細胞集団はヒト細胞を含む。例えば或る特定の特異的な実施形態は、ヒト細胞の少なくとも約 5 % から少なくとも約 95 % が胚体内胚葉細胞であるヒト細胞から成る細胞培養物に関する。他の実施形態は、ヒト細胞の少なくとも約 5 %、少なくとも約 10 %、少なくとも約 15 %、少なくとも約 20 %、少なくとも約 25 %、少なくとも約 30 %、少なくとも約 35 %、少なくとも約 40 %、少なくとも約 45 %、少なくとも約 50 %、少なくとも約 55 %、少なくとも約 60 %、少なくとも約 65 %、少なくとも約 70 %、少なくとも約 75 %、少なくとも約 80 %、少なくとも約 85 %、少なくとも約 90 %、又は 90 % より多くが胚体内胚葉細胞であるヒト細胞から成る細胞培養物に関する。細胞培養物又は細胞集団がヒトフィーダー細胞を含む実施形態では、上記のパーセンテージは、細胞培養物又は細胞集団中のヒトフィーダー細胞を考慮せずに算出される。

【0113】

本明細書中に記載されるさらなる実施形態は、ヒト細胞、例えばヒト胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、この場合、SOX17 マーカー又は CXCR4 マーカーのいずれかの発現は、少なくとも約 5 % のヒト細胞では、OCT4、SPARC、 α -フェトプロテイン (AFP)、トロポモジュリン (TM) 及び / 又は SOX7 マーカーの発現より多い。他の実施形態では、SOX17 マーカー又は CXCR4 マーカーの発現は、少なくとも約 10 % のヒト細胞では、少なくとも約 15 % のヒト細胞では、少なくとも約 20 % のヒト細胞では、少なくとも約 25 % のヒト細胞では、少なくとも約 30 % のヒト細胞では、少なくとも約 35 % のヒト細胞では、少なくとも約 40 % のヒト細胞では、少なくとも約 45 % のヒト細胞では、少なくとも約 50 % のヒト細胞では、少なくとも約 55 % のヒト細胞では、少なくとも約 60 % のヒト細胞では、少なくとも約 65 % のヒト細胞では、少なくとも約 70 % のヒト細胞では、少なくとも約 75 % のヒト細胞では、少なくとも約 80 % のヒト細胞では、少なくとも約 85 % のヒト細胞では、少なくとも約 90 % のヒト細胞では、少なくとも約 95 % のヒト細胞では、又は 95 % より多くのヒト細胞では、OCT4、SPARC、AFP、TM 及び / 又は SOX7 マーカーの発現より多い。細胞培養物又は細胞集団がヒトフィーダー細胞を含む実施形態では、上記のパーセンテージは、細胞培養物又は細胞集団中のヒトフィーダー細胞を考慮せずに算出される。

【0114】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態は、ヒト胚体内胚葉細胞のようなヒト細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここで GATA4、MIXL1、

HNF3b、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1から成る群から選択される1つ又は複数のマーカーの発現は、少なくとも約5%から少なくとも約95%を上回るヒト細胞においてOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きいことが理解されよう。細胞培養物又は細胞集団がヒトフィーダー細胞を含む実施形態では、上記パーセントは、細胞培養物又は細胞集団におけるヒトフィーダー細胞を考慮せずに算出される。

【0115】

本明細書中に記載するさらに他の実施形態は、ヒト胚体内胚葉細胞のようなヒト細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここでSOX17及びCXCR4マーカーの両方の発現は、少なくとも約5%のヒト細胞においてOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きい。他の実施形態では、SOX17及びCXCR4マーカーの両方の発現は、少なくとも約10%のヒト細胞において、少なくとも約15%のヒト細胞において、少なくとも約20%のヒト細胞において、少なくとも約25%のヒト細胞において、少なくとも約30%のヒト細胞において、少なくとも約35%のヒト細胞において、少なくとも約40%のヒト細胞において、少なくとも約45%のヒト細胞において、少なくとも約50%のヒト細胞において、少なくとも約55%のヒト細胞において、少なくとも約60%のヒト細胞において、少なくとも約65%のヒト細胞において、少なくとも約70%のヒト細胞において、少なくとも約75%のヒト細胞において、少なくとも約80%のヒト細胞において、少なくとも約85%のヒト細胞において、少なくとも約90%のヒト細胞において、少なくとも約95%のヒト細胞において、或いは少なくとも約95%を上回るヒト細胞において、OCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きい。細胞培養物又は細胞集団がヒトフィーダー細胞を含む実施形態では、上記パーセントは、細胞培養物又は細胞集団におけるヒトフィーダー細胞を考慮せずに算出される。

10

20

【0116】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態は、ヒト胚体内胚葉細胞のようなヒト細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここでGATA4、MIXL1、HNF3b、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1マーカーの発現は、少なくとも約5%から少なくとも約95%を上回るヒト細胞においてOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きいことが理解されよう。細胞培養物又は細胞集団がヒトフィーダー細胞を含む実施形態では、上記パーセントは、細胞培養物又は細胞集団におけるヒトフィーダー細胞を考慮せずに算出される。

30

【0117】

本明細書中に記載するさらなる実施形態は、ヒト内胚葉細胞のような哺乳類内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここでSOX17又はCXCR4マーカーのいずれかの発現は、少なくとも約5%の内胚葉細胞においてOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きい。他の実施形態では、SOX17又はCXCR4マーカーのいずれかの発現は、少なくとも約10%の内胚葉細胞において、少なくとも約15%の内胚葉細胞において、少なくとも約20%の内胚葉細胞において、少なくとも約25%の内胚葉細胞において、少なくとも約30%の内胚葉細胞において、少なくとも約35%の内胚葉細胞において、少なくとも約40%の内胚葉細胞において、少なくとも約45%の内胚葉細胞において、少なくとも約50%の内胚葉細胞において、少なくとも約55%の内胚葉細胞において、少なくとも約60%の内胚葉細胞において、少なくとも約65%の内胚葉細胞において、少なくとも約70%の内胚葉細胞において、少なくとも約75%の内胚葉細胞において、少なくとも約80%の内胚葉細胞において、少なくとも約85%の内胚葉細胞において、少なくとも約90%の内胚葉細胞において、少なくとも約95%の内胚葉細胞において、或いは少なくとも約95%を上回る内胚葉細胞において、OCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きい。

40

50

【0118】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態は、哺乳類内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここでGATA4、MIXL1、HNF3b、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1から成る群から選択される1つ又は複数のマーカーの発現は、少なくとも約5%から少なくとも約95%を上回る内胚葉細胞においてOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きいことが理解されよう。

【0119】

本明細書中に記載するさらなる他の実施形態は、ヒト内胚葉細胞のような哺乳類内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここでSOX17及びCXCR4マーカーの両方の発現は、少なくとも約5%の内胚葉細胞においてOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きい。他の実施形態では、SOX17及びCXCR4マーカーの両方の発現は、少なくとも約10%の内胚葉細胞において、少なくとも約15%の内胚葉細胞において、少なくとも約20%の内胚葉細胞において、少なくとも約25%の内胚葉細胞において、少なくとも約30%の内胚葉細胞において、少なくとも約35%の内胚葉細胞において、少なくとも約40%の内胚葉細胞において、少なくとも約45%の内胚葉細胞において、少なくとも約50%の内胚葉細胞において、少なくとも約55%の内胚葉細胞において、少なくとも約60%の内胚葉細胞において、少なくとも約65%の内胚葉細胞において、少なくとも約70%の内胚葉細胞において、少なくとも約75%の内胚葉細胞において、少なくとも約80%の内胚葉細胞において、少なくとも約85%の内胚葉細胞において、少なくとも約90%の内胚葉細胞において、少なくとも約95%の内胚葉細胞において、或いは少なくとも約95%を上回る内胚葉細胞において、OCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きい。

10

20

【0120】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態は、哺乳類内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここでGATA4、MIXL1、HNF3b、GSC、FGF17、VWF、CALCR、FOXQ1、CMKOR1及びCRIP1マーカーの発現は、少なくとも約5%から少なくとも約95%を上回る内胚葉細胞においてOCT4、SPARC、AFP、TM及び/又はSOX7マーカーの発現よりも大きいことが理解されよう。

30

【0121】

本明細書中に記載される方法を用いて、他の細胞型を実質的に含有しない胚体内胚葉細胞を含む組成物が産生され得る。本明細書中に記載されるいくつかの実施形態では、本明細書中に記載される方法により産生される胚体内胚葉細胞集団又は細胞培養物は、OCT4、SOX7、AFP、SPARC、TM、ZIC1又はBRACHマーカー遺伝子を有意に発現する細胞を実質的に含有しない。

【0122】

一実施形態では、マーカー遺伝子の発現に基づいた胚体内胚葉細胞の説明は、SOX17高、MIXL1高、AFP低、SPARC低、トロポモジュリン低、SOX7低及びCXCR4高である。

40

【0123】

発達中のPDX1遺伝子発現

PDX1(STF-1、IDX-1及びIPF-1とも呼ばれる)は、膵臓及び吻側十二指腸の発達に必要な転写因子である。PDX1はまず、マウスにおけるE8.5に始まって、後方前腸内胚葉から生じ、且つ外分泌細胞及び内分泌細胞の両方を産生する膵臓内胚葉で発現される。後に、PDX1は、膵臓内分泌部のβ細胞及びいくつかのデルタ細胞に制限されるようになる。この発現パターンは、成体において維持される。PDX1はまた、発達初期に、形成中の膵臓に隣接している十二指腸内胚葉で、続いて十二指腸細胞及び腸内分泌細胞で、胃洞で、並びに総胆管、胆嚢管及び胆管で発現される。この発現領域も

50

また、膵臓での発現が制限されるようになる時点で、大部分が吻側十二指腸へ制限されるようになる。

【0124】

PDX1陽性細胞及びそれに関連するプロセス

本明細書中に記載する他の分化プロセスの実施形態は、PDX1陽性内胚葉細胞の産生のための新規に規定されたプロセスに関し、ここでPDX-1陽性内胚葉細胞は、腸管の前腸/中腸領域に由来する細胞、組織又は器官へ分化することができる多分化能細胞(PDX-1陽性前腸/中腸内胚葉)である。いくつかの好ましい実施形態は、PDX1陽性前腸内胚葉細胞の産生のためのプロセスに関する。いくつかの実施形態では、これらのPDX1陽性前腸内胚葉細胞は、腸管の前方部分に由来する細胞、組織又は器官へ分化することができる多分化能細胞(PDX-1陽性前腸内胚葉)である。さらなる好ましい実施形態は、前腸の後方部分のPDX1陽性内胚葉細胞の産生のためのプロセスに関する。いくつかの実施形態では、これらのPDX1陽性内胚葉細胞は、腸管の前腸領域の後方部分に由来する細胞、組織又は器官へ分化することができる多分化能細胞である。

10

【0125】

本明細書中に記載する方法により産生されるもののようなPDX1陽性前腸内胚葉細胞は、完全に分化されたインスリン生産β細胞を産生するのに使用することができる。いくつかの実施形態では、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は、PDX1陽性前腸内胚葉細胞を形成するように、PDX1を実質的に発現しない胚体内胚葉細胞(PDX1陰性胚体内胚葉細胞、本明細書中で胚体内胚葉とも称される)を分化させることにより産生される。PDX1陰性胚体内胚葉細胞は、本明細書中に記載するように、或いは任意の他の既知の方法により、胚性幹細胞のような多能性細胞を分化させることにより調製することができる。多能性細胞からPDX1陰性胚体内胚葉を産生する利便性の高く且つ非常に効率的な方法は、すでに本明細書中で、及び2004年12月23日に出願された胚体内胚葉(DEFINITIVE ENDODERM)という表題の米国特許第11/021,618号に記載されている。

20

【0126】

PDX1陽性前腸内胚葉細胞を産生するプロセスは、多能性細胞からの腺房細胞、導管細胞及び島細胞のような膵臓組織の効率的な産生に関する基盤を提供する。或る特定の好ましい実施形態では、ヒトPDX1陽性前腸内胚葉細胞は、ヒトPDX1陰性胚体内胚葉細胞に由来し、またヒトPDX1陰性胚体内胚葉細胞は、hESC細胞に由来する。続いて、これらのヒトPDX1陽性前腸内胚葉細胞は、機能的インスリン生産β細胞を産生するのに使用することができる。有用な量のインスリン生産β細胞を得るためには、膵臓島/β細胞最終形に到達する前に起きる分化工程それぞれに関して、高い効率の分化が望ましい。PDX1陽性前腸内胚葉細胞へのPDX1陰性胚体内胚葉の分化は、機能的膵臓島/β細胞の産生に対して初期工程を表す(図1に示されるように)ため、この工程での高効率の分化が特に望ましい。

30

【0127】

PDX1陽性前腸内胚葉細胞へのPDX1陰性胚体内胚葉細胞の効率的な分化の望ましさを考慮して、本明細書中に記載するプロセスのいくつかの態様は、PDX1陽性前腸内胚葉細胞へのPDX1陰性胚体内胚葉細胞のおよそ2~25%の変換をもたらす*in vitro*方法論に関する。通常、かかる方法は、規定され、且つ時間的に指定された形式での培養及び成長因子条件の適用を包含する。PDX1陽性前腸内胚葉細胞に関する細胞集団のさらなる富化は、PDX1陽性前腸内胚葉細胞へ特異的に結合する試薬を使用することにより、集団における他の細胞からのPDX1陽性前腸内胚葉細胞の単離及び/又は精製により達成することができる。代替法として、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は、PDX1発現の検出を可能にするように、緑色蛍光タンパク質(GFP)のようなレポーター遺伝子で標識することができる。続いて、かかる蛍光標識された細胞は、蛍光標示式細胞分取器(FACS)により精製することができる。本発明のさらなる態様は、PDX1陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物及び富化細胞集団、並びにPDX1陽性前腸内胚葉への及びPDX1陽性前腸内胚葉からの分化に有用な因子を同定する方法に関する。

40

50

【0128】

細胞培養物又は細胞集団における PDX1 陽性前腸内胚葉細胞の量を測定するためには、培養物又は集団においてこの細胞型を他の細胞と識別する方法が望ましい。したがって、本明細書中に記載する或る特定の実施形態は、その存在、非存在及び / 又は相対発現レベルが、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を示す細胞マーカー、並びにかかるマーカーの発現を検出及び測定する方法に関する。

【0129】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態では、マーカーの存在、非存在及び / 又は発現のレベルは、定量的 PCR (Q-PCR) により測定される。例えば、PDX1、SOX17、SOX7、SOX1、ZIC1、NFM、 α -フェトプロテイン (AFP)、ホメオボックス A13 (HOXA13)、ホメオボックス C6 (HOC6) 及び / 又は本明細書中に記載する他のマーカーのような或る特定の遺伝子マーカーにより産生される転写物の量は、Q-PCR により測定される。他の実施形態では、免疫組織化学は、上述の遺伝子により発現されるタンパク質を検出するのに使用される。さらに他の実施形態では、Q-PCR 及び免疫組織化学的技法がともに、かかるマーカーの量又は相対比率を同定及び測定するのに使用される。

10

【0130】

本明細書中に記載する分化方法及び検出方法を使用することにより、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を同定すること、並びに細胞培養物又は細胞集団における PDX1 陽性前腸内胚葉細胞の比率を測定することが可能である。例えば、いくつかの実施形態では、産生される PDX1 陽性前腸内胚葉細胞又は細胞集団は、PDX1 陰性細胞又は細胞集団よりも少なくとも約 2 桁大きいレベルで PDX1 遺伝子を発現する。他の実施形態では、産生される PDX1 陽性前腸内胚葉細胞又は細胞集団は、PDX1 陰性細胞又は細胞集団よりも約 2 桁を超えるレベルで PDX1 遺伝子を発現する。さらに他の実施形態では、産生される PDX1 陽性前腸内胚葉細胞又は細胞集団は、PDX1 陰性胚体内胚葉細胞型又は細胞集団よりも約 2 桁もしくは 2 桁以上大きいレベルで PDX1、SOX17、HOXA13 及び HOC6 から成る群から選択されるマーカーの 1 つ又は複数を発現する。

20

【0131】

本明細書中に記載する組成物及び方法は、いくつかの有用な特徴を有する。例えば、PDX1 陽性内胚葉を含む細胞培養物及び細胞集団、並びにかかる細胞培養物及び細胞集団を産生する方法は、ヒト発達における初期段階をモデル化するのに有用である。さらに、本明細書中に記載する組成物及び方法はまた、真性糖尿病のような疾患状態において治療的介入に役立ち得る。例えば、PDX1 陽性前腸内胚葉は、限定数の組織のみで供給源として作用するため、PDX1 陽性前腸内胚葉は、純粋な組織又は細胞型の発達に使用され得る。

30

【0132】

PDX1 陰性胚体内胚葉からの PDX1 陽性前腸内胚葉の産生

本明細書中に記載される PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を含む PDX1 陽性前腸内胚葉細胞培養物及び集団は、上述されたような多能性細胞から生成される PDX1 陰性胚体内胚葉から産生される。好ましい方法は、出発材料としてヒト胚性幹細胞を利用する。一実施形態では、hESC はまず、PDX1 陰性胚体内胚葉細胞へ変換されて、続いて PDX1 陽性前腸内胚葉細胞へ変換される。しかしながら、PDX1 陽性前腸内胚葉の産生のための出発材料は、多能性細胞分化方法を使用して産生される胚体内胚葉細胞に限定されるものではないことが理解されよう。むしろ、任意の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞は、それらの起源にかかわらず、本明細書中に記載する方法で使うことができる。

40

【0133】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態では、PDX1 陰性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団は、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物及び / 又は富化細胞集団へのさらなる分化に使うことができる。例えば、ヒト PDX1 陰性 SOX17 陽性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団を使うことができる。いくつかの

50

実施形態では、細胞培養物又は細胞集団はまた、先の分化工程（すなわち、多能性細胞を胚体内胚葉細胞へ分化させる工程）から残存している分化因子（例えば、アクチビン、ノーダル及び／又はBMP）を含んでもよい。他の実施形態では、先の分化工程で利用される因子は、PD_X1陽性前腸内胚葉細胞へのPD_X1陰性SO_X17陽性胚体内胚葉細胞の分化に使用される因子の添加に先立って、細胞培養物又は細胞集団から除去される。他の実施形態では、PD_X1陰性SO_X17陽性胚体内胚葉細胞に関して富化された細胞集団が、PD_X1陽性前腸内胚葉細胞の産生のための供給源として使用される。

【0134】

培養物におけるPD_X1陰性胚体内胚葉細胞は、PD_X1陰性SO_X17陽性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物へ、PD_X1陽性前腸内胚葉細胞への細胞の分化を促進する分化因子（前腸分化因子）を供給することにより、PD_X1陽性内胚葉細胞へ分化される。本発明のいくつかの実施形態では、前腸分化因子は、レチノイン酸（RA）のようなレチノイドである。いくつかの実施形態では、レチノイドは、線維芽細胞成長因子（例えば、FGF-4又はFGF-10）と併用される。他の実施形態では、レチノイドは、成長因子のTGFβスーパーファミリー及び／又は条件培地と併用される。

10

【0135】

上記で定義するように、「条件培地」という語句は、基本培地と比較して変更された培地を指す。例えば、培地の条件付けは、栄養分及び／又は成長因子のような分子を、基本培地に見られる元のレベルに添加してもよく、或いは元のレベルから除去してもよい。いくつかの実施形態では、培地は、或る特定の型の細胞を、或る特定の期間、或る特定の条件下で培地中で成長又は維持させることにより条件付けされる。例えば、培地は、規定温度で規定時間、規定組成を有する培地中で拡張、分化又は維持させることにより条件付けすることができる。当業者に理解されるように、細胞、培地型、所要時間及び環境条件の無数の組合せを使用して、ほぼ無限の一連の条件培地を産生することができる。本発明のいくつかの実施形態では、培地は、分化された多能性細胞を、血清濃度約1%～約20%を含む培地中で成長又は維持させることにより条件付けされる。他の実施形態では、培地は、分化された多能性細胞を、約1 ng/ml～約1000 ng/mlのアクチビンAを含む培地中で成長又は維持させることにより条件付けされる。さらに他の実施形態では、培地は、分化された多能性細胞を、約1 ng/ml～約1000 ng/mlのBMP4を含む培地中で成長又は維持させることにより条件付けされる。好ましい実施形態では、条件培地は、分化されたhESCを、約25 ng/mlのアクチビンA及び約2 μMのRAを含む培地（例えば、RPMI）中で24時間、成長又は維持させることにより調製される。

20

30

【0136】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態では、培地を条件付けするのに使用され、且つPD_X1陽性前腸内胚葉へのPD_X1陰性胚体内胚葉の分化を増強するのに使用される細胞は、血清約0%～約20%及び／又は1つ又は複数のTGFβスーパーファミリーの成長／分化因子を含むRPMIのような培地中で約5日間にわたって、hESCのような多能性細胞から分化される細胞である。アクチビンA及びBMP4のような分化因子は、約1 ng/ml～約1000 ng/mlの範囲の濃度で供給される。本発明の特定の実施形態では、培地を条件付けするために使用される細胞は、低血清RPMIで約5日間にわたってhESCから分化される。いくつかの実施形態によれば、低血清RPMIは、低血清含有培地を指し、ここでは血清濃度が規定期間にわたって徐々に増大される。例えば、一実施形態では、低血清RPMIは、細胞成長の1日目に約0.2%ウシ胎児血清（FBS）、細胞成長の2日目に約0.5% FBS、及び細胞成長の3日～5日目に約2% FBSの濃度を含む。別の実施形態では、低血清RPMIは、1日目に約0%、2日目に約0.2%、及び3日～6日目に約2%の濃度を含む。或る特定の好ましい実施形態では、低血清RPMIは、アクチビンA及びBMP4のような1つ又は複数の分化因子が補充される。培地を条件付けするのに使用される細胞を調製する際の使用に加えて、低血清RPMIは、PD_X1陰性胚体内胚葉細胞からのPD_X1陽性前腸内胚葉細胞の分化のための培地

40

50

として使用することができる。

【0137】

条件培地は、かかる培地がPDX1陽性前腸内胚葉細胞の成長又は維持を妨害しなければ、RPMI以外の培地から調製することができることが当業者には理解されよう。同様に、培地を条件付けするのに使用される細胞は様々なタイプであり得ることが理解されよう。分化したばかりの細胞が、培地を条件付けするのに使用される実施形態では、培地がかかる細胞の成長又は維持を妨害しなければ、かかる細胞をRPMI以外の培地中で分化させることができる。さらに、条件付けの所要期間も条件付けに使用される細胞の調製の所要期間も、他の期間であっても本明細書中に報告される効果を達成するのに十分であるため、それぞれ24時間又は5日である必要がないことは当業者に理解されよう。

10

【0138】

概して、線維芽細胞成長因子、成長因子のTGFβスーパーファミリーの成員、条件培地又はこれらの前腸分化因子のいずれかの組合せと併せたレチノイドの使用は、レチノイド単独の使用よりも、PDX1陽性前腸内胚葉へのPDX1陰性胚体内胚葉のより多くの分化を引き起こす。好ましい実施形態では、RA及びFGF-10はともに、PDX1陰性胚体内胚葉細胞培養物へ供給される。別の好ましい実施形態では、PDX1陰性胚体内胚葉細胞は、条件培地、アクチビンA、アクチビンB及びRAを含む培養物中で分化される。

【0139】

本明細書中に記載する分化プロセスの実施形態のいくつかに関して、上述の前腸分化因子は、これらの因子が、PDX1陽性前腸内胚葉細胞へのPDX1陰性胚体内胚葉細胞培養物又は細胞集団の少なくとも一部の分化を促進するのに十分な濃度で、細胞培養物又は細胞集団中に存在するように、細胞へ供給される。先に定義したように、細胞培養物及び/又は細胞集団に関連して使用される場合、「一部」という用語は、細胞培養物又は細胞集団の1つの細胞から細胞培養物又は細胞集団の全体までの任意のゼロではない量を意味する。

20

【0140】

本明細書中に記載するプロセスのいくつかの実施形態では、レチノイドは、レチノイドが少なくとも約0.01μM、少なくとも約0.02μM、少なくとも約0.04μM、少なくとも約0.08μM、少なくとも約0.1μM、少なくとも約0.2μM、少なくとも約0.3μM、少なくとも約0.4μM、少なくとも約0.5μM、少なくとも約0.6μM、少なくとも約0.7μM、少なくとも約0.8μM、少なくとも約0.9μM、少なくとも約1μM、少なくとも約1.1μM、少なくとも約1.2μM、少なくとも約1.3μM、少なくとも約1.4μM、少なくとも約1.5μM、少なくとも約1.6μM、少なくとも約1.7μM、少なくとも約1.8μM、少なくとも約1.9μM、少なくとも約2μM、少なくとも約2.1μM、少なくとも約2.2μM、少なくとも約2.3μM、少なくとも約2.4μM、少なくとも約2.5μM、少なくとも約2.6μM、少なくとも約2.7μM、少なくとも約2.8μM、少なくとも約2.9μM、少なくとも約3μM、少なくとも約3.5μM、少なくとも約4μM、少なくとも約4.5μM、少なくとも約5μM、少なくとも約10μM、少なくとも約20μM、少なくとも約30μM、少なくとも約40μM又は少なくとも約50μMの濃度で存在するように、細胞培養物の細胞へ供給される。好ましい実施形態では、レチノイドはレチノイン酸である。

30

40

【0141】

本明細書中に記載するプロセスの他の実施形態では、線維芽細胞成長因子ファミリーの1つ又は複数の分化因子は、細胞培養物中に存在する。例えば、いくつかの実施形態では、FGF-4は、少なくとも約10ng/ml、少なくとも約25ng/ml、少なくとも約50ng/ml、少なくとも約75ng/ml、少なくとも約100ng/ml、少なくとも約200ng/ml、少なくとも約300ng/ml、少なくとも約400ng/ml、少なくとも約500ng/ml又は少なくとも約1000ng/mlの濃度で細胞培養物中に存在し得る。さらなる実施形態では、FGF-10は、少なくとも約10ng/ml

50

ml、少なくとも約25 ng/ml、少なくとも約50 ng/ml、少なくとも約75 ng/ml、少なくとも約100 ng/ml、少なくとも約200 ng/ml、少なくとも約300 ng/ml、少なくとも約400 ng/ml、少なくとも約500 ng/ml又は少なくとも約1000 ng/mlの濃度で細胞培養物中に存在する。いくつかの実施形態では、FGF-4又はFGF-10（しかし、両方ではない）は、RAと共に細胞培養物へ供給される。好ましい実施形態では、RAは、1 µMで細胞培養物中に存在し、FGF-10は、50 ng/mlの濃度で存在する。

【0142】

本明細書中に記載するプロセスのいくつかの実施形態では、TGFβスーパーファミリーの成長因子及び/又は条件培地は、細胞培養物中に存在する。これらの分化因子は、RA及び/又は他の中-前腸分化因子（FGF-4及びFGF-10を包含するが、これらに限定されない）と併用することができる。例えば、いくつかの実施形態では、アクチビンA及び/又はアクチビンBは、少なくとも約5 ng/ml、少なくとも約10 ng/ml、少なくとも約25 ng/ml、少なくとも約50 ng/ml、少なくとも約75 ng/ml、少なくとも約100 ng/ml、少なくとも約200 ng/ml、少なくとも約300 ng/ml、少なくとも約400 ng/ml、少なくとも約500 ng/ml又は少なくとも約1000 ng/mlの濃度で細胞培養物中に存在し得る。さらなる実施形態では、条件培地は、総培地の少なくとも約1%、少なくとも約5%、少なくとも約10%、少なくとも約20%、少なくとも約30%、少なくとも約40%、少なくとも約50%、少なくとも約60%、少なくとも約70%、少なくとも約80%、少なくとも約90%又は少なくとも約100%の濃度で細胞培養物中に存在する。いくつかの実施形態では、アクチビンA、アクチビンB及び条件培地は、RAと共に細胞培養物へ供給される。好ましい実施形態では、PDX-1陰性胚体内胚葉細胞は、約1 µM RA、約25 ng/mlのアクチビンA及び分化されたhESCにより約24時間条件付けした低血清RPMI培地（ここで、分化されたhESCは、約100 ng/mlのアクチビンAを含む低血清RPMI中で約5日間分化させたものである）を含む培養物中で、PDX1陽性前腸内胚葉細胞へ分化される。別の好ましい実施形態では、アクチビンB及び/又はFGF-10もまた、それぞれ25 ng/ml及び50 ng/mlで培養物中に存在する。

【0143】

本明細書中に記載するプロセスの或る特定の実施形態では、上述の前腸分化因子は、その添加後に細胞培養物から除去される。例えば、前腸分化因子は、それらの添加後、約1日、約2日、約3日、約4日、約5日、約6日、約7日、約8日、約9日又は約10日以内に除去され得る。

【0144】

PDX1陽性前腸内胚葉細胞の培養物は、低減された血清を含有する培地中で成長させることができる。血清濃度は、約0.05% (v/v) ~ 約20% (v/v) の範囲であり得る。いくつかの実施形態では、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は、血清代替物を用いて成長させる。例えば、或る特定の実施形態では、培地の血清濃度は、約0.05% (v/v) 未満、約0.1% (v/v) 未満、約0.2% (v/v) 未満、約0.3% (v/v) 未満、約0.4% (v/v) 未満、約0.5% (v/v) 未満、約0.6% (v/v) 未満、約0.7% (v/v) 未満、約0.8% (v/v) 未満、約0.9% (v/v) 未満、約1% (v/v) 未満、約2% (v/v) 未満、約3% (v/v) 未満、約4% (v/v) 未満、約5% (v/v) 未満、約6% (v/v) 未満、約7% (v/v) 未満、約8% (v/v) 未満、約9% (v/v) 未満、約10% (v/v) 未満、約15% (v/v) 未満又は約20% (v/v) 未満であり得る。いくつかの実施形態では、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は、血清を用いずに成長させる。他の実施形態では、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は、血清代替物を用いて成長させる。

【0145】

さらに他の実施形態では、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は、B27の存在下で成長させる。かかる実施形態では、B27は、約0.1% (v/v) ~ 約20% (v/v) の範囲の

濃度で、或いは約 20 % (v/v) を上回る濃度で、培養培地へ供給され得る。或る特定の
の実施形態では、培地中の B 2 7 の濃度は、約 0.1 % (v/v)、約 0.2 % (v/v)、
約 0.3 % (v/v)、約 0.4 % (v/v)、約 0.5 % (v/v)、約 0.6 %
(v/v)、約 0.7 % (v/v)、約 0.8 % (v/v)、約 0.9 % (v/v)、約
1 % (v/v)、約 2 % (v/v)、約 3 % (v/v)、約 4 % (v/v)、約 5 % (v/v)、
約 6 % (v/v)、約 7 % (v/v)、約 8 % (v/v)、約 9 % (v/v)、
約 10 % (v/v)、約 15 % (v/v) 又は約 20 % (v/v) である。或いは、添加
される B 2 7 サプリメントの濃度は、市販の B 2 7 ストック溶液強度の倍数でもって測定
され得る。例えば、B 2 7 は、50 倍ストック溶液として Invitrogen(Carlsbad, CA) から
入手可能である。十分な容量の成長培地へこのストック溶液を十分量添加することにより
、所望の量の B 2 7 を補充した培地が生じる。例えば、成長培地 90 ml へ 50 倍 B 2 7
ストック溶液 10 ml を添加することにより、5 倍 B 2 7 を補充した成長培地が生じる。
培地中の B 2 7 サプリメントの濃度は、約 0.1 倍、約 0.2 倍、約 0.3 倍、約 0.4
倍、約 0.5 倍、約 0.6 倍、約 0.7 倍、約 0.8 倍、約 0.9 倍、約 1 倍、約 1.1
倍、約 1.2 倍、約 1.3 倍、約 1.4 倍、約 1.5 倍、約 1.6 倍、約 1.7 倍、約 1
. 8 倍、約 1.9 倍、約 2 倍、約 2.5 倍、約 3 倍、約 3.5 倍、約 4 倍、約 4.5 倍、
約 5 倍、約 6 倍、約 7 倍、約 8 倍、約 9 倍、約 10 倍、約 11 倍、約 12 倍、約 13 倍、
約 14 倍、約 15 倍、約 16 倍、約 17 倍、約 18 倍、約 19 倍、約 20 倍及び約 20 倍
以上であり得る。

10

20

30

40

50

【0146】

PDX1 陽性内胚葉への PDX1 陰性胚体内胚葉の分化のモニタリング

多能性細胞からの胚体内胚葉細胞の分化と同様に、PDX1 陰性 SOX17 陽性胚体内胚
葉から PDX1 陽性前腸内胚葉への分化の進行は、これらの細胞型の特徴的なマーカー発
現を測定することによりモニタリングすることができる。かかるモニタリングにより、様
々な条件（例えば、1 つ又は複数の分化因子濃度及び環境条件）下での所望の量の PDX
1 陽性前腸内胚葉の産生に十分な時間を判定することが可能となる。好ましい実施形態で
は、所望の量の PDX1 陽性前腸内胚葉の産生に十分な時間は、PDX1 の発現を検出す
ることにより測定される。いくつかの実施形態では、或る特定のマーカーの発現は、マ
ーカーの存在又は非存在を検出することにより測定される。或いは、或る特定のマーカーの
発現は、マーカーが細胞培養物又は細胞集団の細胞中に存在するレベルを測定すること
により判定することができる。かかる実施形態では、マーカー発現の測定は、定性的又は定
量的であり得る。上述したように、マーカー遺伝子により産生される発現マーカーを定量
化する好ましい方法は、Q-PCR の使用によるものである。特定の実施形態では、Q-
PCR は、PDX1 陽性前腸内胚葉に特徴的なマーカー遺伝子の発現及び他の細胞型に特
徴的なマーカー遺伝子の発現の欠如を定量化することにより、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞
への PDX1 陰性 SOX17 陽性胚体内胚葉培養物の細胞の進行をモニタリングするの
に使用される。同様に、当該技術分野で既知の他の方法を使用して、マーカー遺伝子発現
を定量化することができる。例えば、マーカー遺伝子産物の発現は、そのマーカー遺伝子
産物に特異的な抗体を使用することにより検出することができる。いくつかの実施形態で
は、PDX1 陽性前腸内胚葉に特徴的なマーカー遺伝子の発現並びに PDX1 陰性胚体内
胚葉である hESC 及び他の細胞型に特徴的なマーカー遺伝子の有意な発現の欠如が判定
される。

【0147】

以下の実施例でさらに記載されるように、PDX1 は、PDX1 陽性前腸内胚葉に関連す
るマーカー遺伝子である。したがって、本明細書中に記載するプロセスのいくつかの実施
形態では、PDX1 の発現が測定される。他の実施形態では、PDX1 陽性前腸内胚葉に
おいて発現される他のマーカー（SOX17、HOXA13 及び / 又は HOXC6 を包含
するが、これらに限定されない）の発現もまた測定される。PDX1 はまた或る特定の他
の細胞型（すなわち、臓側内胚葉及び或る特定の神経外胚葉）により発現され得るため、
本明細書中に記載するいくつかの実施形態は、臓側内胚葉及び / 又は神経外胚葉に関連す

るマーカー遺伝子発現の非存在又は実質的な非存在を実証することに関する。例えば、いくつかの実施形態では、臓側内胚葉及び／又は神経細胞において発現されるマーカーの発現（SOX7、AFP、SOX1、ZIC1及び／又はNFMを包含するが、これらに限定されない）が測定される。

【0148】

いくつかの実施形態では、本明細書中に記載する方法により産生されるPDX1陽性前腸内胚葉細胞培養物は、SOX7、AFP、SOX1、ZIC1又はNFMマーカー遺伝子を発現する細胞を実質的に含まない。或る特定の実施形態では、本明細書中に記載するプロセスにより産生されるPDX1陽性前腸内胚葉細胞培養物は、臓側内胚葉、壁側内胚葉及び／又は神経細胞を実質的に含まない。

10

【0149】

PDX1陽性前腸内胚葉の富化、単離及び／又は精製

本明細書中に記載されるプロセスのさらなる態様に関しては、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は富化され、単離され且つ／又は精製され得る。いくつかの実施形態では、このような細胞を細胞培養物から単離することにより、PDX1陽性前腸内胚葉細胞に関して富化された細胞集団が産生される。

【0150】

本明細書中に記載されるプロセスのいくつかの実施形態では、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は蛍光標識され、次に蛍光標識細胞分取器（FACS）を用いることにより標識されていない細胞から単離される。このような実施形態では、グリーン蛍光タンパク質（GFP）をコードする核酸、又は発現可能蛍光マーカー遺伝子をコードする別の核酸を用いて、PDX1陽性細胞を標識する。例えばいくつかの実施形態では、GFPをコードする核酸又はその生物学的に活性な断片の少なくとも1つのコピーは、GFP遺伝子産物又はその生物学的に活性な断片の発現がPDX1プロモーターの制御下にあるよう、PDX1プロモーターの下流で、多能性細胞、好ましくはヒト胚性幹細胞中に導入される。いくつかの実施形態では、PDX1をコードする核酸の全コード領域は、GFPをコードする核酸又はその生物学的に活性な断片により置き換えられる。他の実施形態では、GFPをコードする核酸又はその生物学的に活性な断片は、フレーム内で、PDX1をコードする核酸の少なくとも一部分と融合され、それにより融合タンパク質を生成する。このような実施形態では、融合タンパク質は、GFPと類似の蛍光活性を保持する。

20

30

【0151】

蛍光標識される細胞、例えば上記の多能性細胞は、上記のように胚体内胚葉に、次にPDX1陽性前腸内胚葉に分化される。PDX1陽性前腸内胚葉細胞は蛍光マーカー遺伝子を発現する一方、PDX1陰性細胞は発現しないため、これら2つの細胞型が分離され得る。いくつかの実施形態では、蛍光標識PDX1陽性細胞及び非標識PDX1陰性細胞の混合物を含む細胞懸濁液は、FACSを用いて選別される。PDX1陽性細胞は、PDX1陰性細胞と別個に収集され、それによりこのような細胞型が単離される。所望により、単離細胞組成物はさらに、PDX1陽性前腸内胚葉に特異的である同一の又は異なるマーカーを用いて、さらに数回選別することにより精製され得る。

【0152】

直前で記載された手法のほかに、PDX1陽性前腸内胚葉細胞は、細胞単離のための他の技法によっても単離され得る。さらにPDX1陽性前腸内胚葉細胞は、該PDX1陽性前腸内胚葉細胞の選択的生存又は選択的拡大を促す増殖条件で連続継代培養する方法によっても、富化されるか又は単離され得る。

40

【0153】

上記の富化、単離及び精製手法は、分化の任意の段階で、このような培養物とともに用いられ得る、と理解される。

【0154】

本明細書中に記載される方法を用いて、PDX1陽性前腸内胚葉細胞及び／又は組織の富化、単離及び／又は精製集団が、少なくともいくらかの分化を受けたSOX1陽性胚体内

50

胚葉細胞培養物又は細胞集団から *in vitro* で産生され得る。いくつかの実施形態では、細胞は無作為分化を受ける。しかしながら好ましい実施形態では、細胞は主として PDX1 陽性前腸内胚葉細胞に分化するよう指図される。いくつかの好ましい富化、単離及び / 又は精製方法は、ヒト胚性幹細胞からの PDX1 陽性前腸内胚葉細胞の *in vitro* 産生に関する。

【0155】

本明細書中に記載される方法を用いて、細胞集団又は細胞培養物は、未処理細胞集団又は細胞培養物と比較して、少なくとも約 2 倍～約 1000 倍、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞含有物を富化され得る。いくつかの実施形態では、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞は、未処理細胞集団又は細胞培養物と比較して、少なくとも約 5 倍～約 500 倍、富化され得る。他の実施形態では、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞は、未処理細胞集団又は細胞培養物と比較して、少なくとも約 10 倍～約 200 倍、富化され得る。さらに他の実施形態では、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞は、未処理細胞集団又は細胞培養物と比較して、少なくとも約 20 倍～約 100 倍、富化され得る。さらに他の実施形態では、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞は、未処理細胞集団又は細胞培養物と比較して、少なくとも約 40 倍～約 80 倍、富化され得る。或る特定のいくつかの実施形態では、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞は、未処理細胞集団又は細胞培養物と比較して、少なくとも約 2 倍～約 20 倍、富化され得る。

10

【0156】

PDX1 陽性前腸内胚葉を含む組成物

本明細書中に記載するいくつかの実施形態は、PDX1 陽性内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような細胞組成物に関し、ここで PDX1 陽性内胚葉細胞は、腸管の前方部分に由来する細胞、組織又は器官へ分化することができる多分化能細胞 (PDX1 陽性前腸内胚葉) である。或る特定の実施形態によれば、PDX1 陽性前腸内胚葉は哺乳類細胞であり、好ましい実施形態では、これらの細胞はヒト細胞である。

20

【0157】

本明細書中に記載する他の実施形態は、hESC、PDX1 陰性胚体内胚葉細胞、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞及び中胚葉細胞から成る群から選択される 1 つ又は複数の細胞型の細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関する。いくつかの実施形態では、hESC は、培養物において総細胞の約 5 % 未満、約 4 % 未満、約 3 % 未満、約 2 % 未満又は約 1 % 未満を構成する。他の実施形態では、PDX1 陰性胚体内胚葉細胞は、培養物において総細胞の約 90 % 未満、約 85 % 未満、約 80 % 未満、約 75 % 未満、約 70 % 未満、約 65 % 未満、約 60 % 未満、約 55 % 未満、約 50 % 未満、約 45 % 未満、約 40 % 未満、約 35 % 未満、約 30 % 未満、約 25 % 未満、約 20 % 未満、約 15 % 未満、約 12 % 未満、約 10 % 未満、約 8 % 未満、約 6 % 未満、約 5 % 未満、約 4 % 未満、約 3 % 未満、約 2 % 未満又は約 1 % 未満を構成する。さらなる他の実施形態では、中胚葉細胞は、培養物において総細胞の約 90 % 未満、約 85 % 未満、約 80 % 未満、約 75 % 未満、約 70 % 未満、約 65 % 未満、約 60 % 未満、約 55 % 未満、約 50 % 未満、約 45 % 未満、約 40 % 未満、約 35 % 未満、約 30 % 未満、約 25 % 未満、約 20 % 未満、約 15 % 未満、約 12 % 未満、約 10 % 未満、約 8 % 未満、約 6 % 未満、約 5 % 未満、約 4 % 未満、約 3 % 未満、約 2 % 未満又は約 1 % 未満を構成する。

30

40

【0158】

本明細書中に記載するさらなる実施形態は、主要細胞型として PDX1 陽性前腸内胚葉を含む本明細書中に記載するプロセスにより産生される細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関する。いくつかの実施形態では、本明細書中に記載するプロセスは、少なくとも約 99 %、少なくとも約 98 %、少なくとも約 97 %、少なくとも約 96 %、少なくとも約 95 %、少なくとも約 94 %、少なくとも約 93 %、少なくとも約 92 %、少なくとも約 91 %、少なくとも約 90 %、少なくとも約 85 %、少なくとも約 80 %、少なくとも約 75 %、少なくとも約 70 %、少なくとも約 65 %、少なくとも約 60 %、少なくとも約 55 %、少なくとも約 54 %、少なくとも約 53 %、少なくとも約 52 % 又は少なくとも約 51 % の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物及び / 又は細胞集団を産生す

50

る。好ましい実施形態では、細胞培養物又は細胞集団の細胞は、ヒト細胞を含む。他の実施形態では、本明細書中に記載するプロセスは、少なくとも約 50 %、少なくとも約 45 %、少なくとも約 40 %、少なくとも約 35 %、少なくとも約 30 %、少なくとも約 25 %、少なくとも約 24 %、少なくとも約 23 %、少なくとも約 22 %、少なくとも約 21 %、少なくとも約 20 %、少なくとも約 19 %、少なくとも約 18 %、少なくとも約 17 %、少なくとも約 16 %、少なくとも約 15 %、少なくとも約 14 %、少なくとも約 13 %、少なくとも約 12 %、少なくとも約 11 %、少なくとも約 10 %、少なくとも約 9 %、少なくとも約 8 %、少なくとも約 7 %、少なくとも約 6 %、少なくとも約 5 %、少なくとも約 4 %、少なくとも約 3 %、少なくとも約 2 % 又は少なくとも約 1 % の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物及び / 又は細胞集団を産生する。好ましい実施形態では、細胞培養物又は細胞集団の細胞は、ヒト細胞を含む。いくつかの実施形態では、細胞培養物又は集団における PDX1 陽性前腸内胚葉細胞のパーセントは、培養物中に存在するフィーダー細胞を考慮せずに算出される。

10

20

30

40

50

【0159】

本明細書中に記載するさらに他の実施形態は、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞及び PDX1 陰性胚体内胚葉細胞の混合物を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関する。例えば、約 95 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 5 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団が産生され得る。他の実施形態では、約 5 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 95 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団が産生され得る。さらに、PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対する PDX1 陽性前腸内胚葉細胞の他の比を含む細胞培養物又は細胞集団も意図される。例えば、約 1,000,000 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 100,000 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 10,000 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1,000 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 500 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 100 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 10 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 5 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 4 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 2 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 2 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 4 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 5 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 10 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 20 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 50 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 100 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1,000 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 10,000 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞、約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 100,000 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞及び約 1 の PDX1 陰性胚体内胚葉細胞に対して少なくとも約 1,000,000 の PDX1 陽性前腸内胚葉細胞を含む組成物が意図される。

【0160】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態では、PDX1 陽性前腸内胚葉細胞が産生される PDX1 陰性胚体内胚葉細胞は、ヒト多能性幹細胞のようなヒト多能性細胞に由来する。或る特定の実施形態では、ヒト多能性細胞は、桑実胚、胚の内部細胞塊又は胚の生殖隆

起に由来する。或る特定の他の実施形態では、ヒト多能性細胞は、胚期を過ぎて発達した多細胞構造の生殖腺組織又は胚組織に由来する。

【0161】

本明細書中に記載するさらなる実施形態は、ヒトPD_X1陽性前腸内胚葉細胞を包含するヒト細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関し、ここでPD_X1マーカーの発現は、少なくとも約2%のヒト細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1及び/又はNFMマーカーの発現よりも多い。他の実施形態では、PD_X1マーカーの発現は、少なくとも約5%のヒト細胞において、少なくとも約10%のヒト細胞において、少なくとも約15%のヒト細胞において、少なくとも約20%のヒト細胞において、少なくとも約25%のヒト細胞において、少なくとも約30%のヒト細胞において、少なくとも約35%のヒト細胞において、少なくとも約40%のヒト細胞において、少なくとも約45%のヒト細胞において、少なくとも約50%のヒト細胞において、少なくとも約55%のヒト細胞において、少なくとも約60%のヒト細胞において、少なくとも約65%のヒト細胞において、少なくとも約70%のヒト細胞において、少なくとも約75%のヒト細胞のヒト細胞において、少なくとも約80%のヒト細胞において、少なくとも約85%のヒト細胞において、少なくとも約90%のヒト細胞において、少なくとも約95%のヒト細胞において、或いは少なくとも約98%のヒト細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1及び/又はNFMマーカーの発現よりも多い。いくつかの実施形態では、細胞培養物又は細胞集団におけるヒト細胞のパーセント(ここで、PD_X1マーカーの発現は、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1及び/又はNFMマーカーの発現よりも多い)は、フィーダー細胞を考慮せずに算出される。

10

20

【0162】

本明細書中に記載するいくつかの実施形態は、ヒトPD_X1陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関するが、ここでSOX17、HOXA13及びHOC6から成る群から選択される1つ又は複数のマーカーの発現は、少なくとも約2%~少なくとも約98%を上回るヒト細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1及び/又はNFMマーカーの発現よりも多いことが理解されよう。いくつかの実施形態では、SOX17、HOXA13及びHOC6から成る群から選択される1つ又は複数のマーカーの発現は、少なくとも約5%のヒト細胞において、少なくとも約10%のヒト細胞において、少なくとも約15%のヒト細胞において、少なくとも約20%のヒト細胞において、少なくとも約25%のヒト細胞において、少なくとも約30%のヒト細胞において、少なくとも約35%のヒト細胞において、少なくとも約40%のヒト細胞において、少なくとも約45%のヒト細胞において、少なくとも約50%のヒト細胞において、少なくとも約55%のヒト細胞において、少なくとも約60%のヒト細胞において、少なくとも約65%のヒト細胞において、少なくとも約70%のヒト細胞において、少なくとも約75%のヒト細胞のヒト細胞において、少なくとも約80%のヒト細胞において、少なくとも約85%のヒト細胞において、少なくとも約90%のヒト細胞において、少なくとも約95%のヒト細胞において、或いは少なくとも約98%のヒト細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1及び/又はNFMマーカーの発現よりも多い。いくつかの実施形態では、細胞培養物又は細胞集団におけるヒト細胞のパーセント(ここで、SOX17、HOXA13及びHOC6から成る群から選択される1つ又は複数のマーカーの発現は、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1及び/又はNFMマーカーの発現よりも多い)は、フィーダー細胞を考慮せずに算出される。

30

40

【0163】

本明細書中に記載するさらなる実施形態は、ヒト内胚葉細胞のような哺乳類内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関し、ここでPD_X1マーカーの発現は、少なくとも約2%の内胚葉細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1及び/又はNFMマーカーの発現よりも多い。他の実施形態では、PD_X1マーカーの発現は、少なくとも約5%の内胚葉細胞において、少なくとも約10%の内胚葉細胞において、少なくとも約15%の内胚葉細胞において、少なくとも約20%の内胚葉細胞において、少

50

なくとも約 25 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 30 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 35 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 40 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 45 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 50 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 55 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 60 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 65 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 70 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 75 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 80 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 85 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 90 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 95 % の内胚葉細胞において、或いは少なくとも約 98 % の内胚葉細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1 及び / 又は NFM マーカーの発現よりも多い。

10

【0164】

本明細書中に記載するさらに他の実施形態は、ヒト内胚葉細胞のような哺乳類内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団のような組成物に関し、ここで SOX17、HOXA13 及び HOC6 から成る群から選択される 1 つ又は複数のマーカーの発現は、少なくとも約 2 % の内胚葉細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1 及び / 又は NFM マーカーの発現よりも多い。他の実施形態では、SOX17、HOXA13 及び HOC6 から成る群から選択される 1 つ又は複数のマーカーの発現は、少なくとも約 5 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 10 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 15 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 20 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 25 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 30 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 35 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 40 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 45 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 50 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 55 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 60 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 65 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 70 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 75 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 80 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 85 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 90 % の内胚葉細胞において、少なくとも約 95 % の内胚葉細胞において、或いは少なくとも約 98 % の内胚葉細胞において、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1 及び / 又は NFM マーカーの発現よりも多い。

20

【0165】

本明細書中に記載するプロセスを使用して、他の細胞型を実質的に含まない PD X 1 陽性前腸内胚葉細胞を含む組成物が産生され得る。本発明のいくつかの実施形態では、本明細書中に記載する方法により産生される PD X 1 陽性前腸内胚葉細胞集団又は細胞培養物は、AFP、SOX7、SOX1、ZIC1 及び / 又は NFM マーカー遺伝子を有意に発現する細胞を実質的に含まない。

30

【0166】

一実施形態では、マーカー遺伝子の発現に基づく PD X 1 陽性前腸内胚葉細胞の記述は、PD X 1 高、AFP 低、SOX7 低、SOX1 低、ZIC1 低且つ NFM 低である。

【0167】

SOX17 陽性胚体内胚葉細胞における PD X 1 の発現の増大

本明細書中に記載するプロセスのいくつかの態様は、SOX17 陽性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団における PD X 1 遺伝子産物の発現を増大させる方法に関する。かかる実施形態では、SOX17 陽性胚体内胚葉細胞を、PD X 1 遺伝子産物の発現を増大させるのに十分な量で、分化因子と接触させる。分化因子と接触する SOX17 陽性胚体内胚葉細胞は、PD X 1 陰性であっても PD X 1 陽性であってもよい。いくつかの実施形態では、分化因子はレチノイドであり得る。或る特定の実施形態では、SOX17 陽性胚体内胚葉細胞を、約 0.01 μ M ~ 約 50 μ M の範囲の濃度でレチノイドと接触させる。好ましい実施形態では、レチノイドは RA である。

40

【0168】

本明細書中に記載するプロセスの他の実施形態では、SOX17 陽性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団における PD X 1 遺伝子産物の発現は、SOX17 陽性細胞を

50

、線維芽細胞成長因子ファミリーの分化因子と接触させることにより増大される。かかる分化因子は、単独で、或いはRAと併用して使用され得る。いくつかの実施形態では、SOX17陽性胚体内胚葉細胞を、約10ng/ml～約1000ng/mlの範囲の濃度で線維芽細胞成長因子と接触させる。好ましい実施形態では、FGF成長因子は、FGF-10である。

【0169】

本明細書中に記載するプロセスのいくつかの実施形態では、SOX17陽性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団におけるPD $\times$ 1遺伝子産物の発現は、SOX17陽性細胞をB27と接触させることにより増大される。この分化因子は、単独で、或いはレチノイド及びFGFファミリー分化因子の一方又は両方と併用して使用され得る。いくつかの実施形態では、SOX17陽性胚体内胚葉細胞を、約0.1%(v/v)～約20%(v/v)の範囲の濃度でB27と接触させる。好ましい実施形態では、SOX17陽性胚体内胚葉細胞を、RA、FGF-10及びB27と接触させる。

10

【0170】

SOX17陽性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団におけるPD $\times$ 1遺伝子産物の発現を増大させる方法は、低減された血清を含有するか、或いは血清を含有しない成長培地中で実施され得る。いくつかの実施形態では、血清濃度は、約0.05%(v/v)～約20%(v/v)の範囲である。いくつかの実施形態では、SOX17陽性細胞は、血清代替物を用いて成長する。

20

【0171】

胚体内胚葉細胞の分化を促進し得る因子の同定

本明細書中に記載される或る特定のスクリーニング方法は、胚体内胚葉細胞の分化を促進し得る少なくとも1つの分化因子を同定する方法に関する。これらの方法のいくつかの実施形態では、胚体内胚葉細胞、例えばヒト胚体内胚葉細胞を含む細胞集団が得られる。次に細胞集団は、候補分化因子を提供される。候補分化因子の提供の前であるか又はほぼ同じである第1の時点で、マーカーの発現が測定される。或いはマーカーの発現は、候補分化因子の提供後に測定され得る。第1の時点の後であり、候補分化因子を細胞集団に提供する工程の後である第2の時点で、同一マーカーの発現が再び測定される。候補分化因子が胚体内胚葉細胞の分化を促進し得るか否かは、第1の時点でのマーカーの発現を、第2の時点でのマーカーの発現と比較することにより測定される。第2の時点でのマーカーの発現が、第1の時点でのマーカーの発現と比較して増大されるか又は減少される場合には、候補分化因子が胚体内胚葉細胞の分化を促進し得る。

30

【0172】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態は、ヒト胚体内胚葉細胞を含む細胞集団又は細胞培養物を利用する。例えば細胞集団は、ヒト胚体内胚葉細胞の実質的に精製された集団であり得る。或いは細胞集団は、ヒト胚体内胚葉細胞の富化集団であるが、この場合、細胞集団中のヒト細胞の少なくとも約90%、少なくとも約91%、少なくとも約92%、少なくとも約93%、少なくとも約94%、少なくとも約95%、少なくとも約96%、少なくとも約97%、又は少なくとも約97%以上が、ヒト胚体内胚葉細胞である。本明細書中に記載される他の実施形態では、細胞集団は、ヒト細胞の少なくとも約10%、少なくとも約15%、少なくとも約20%、少なくとも約25%、少なくとも約30%、少なくとも約35%、少なくとも約40%、少なくとも約45%、少なくとも約50%、少なくとも約55%、少なくとも約60%、少なくとも約65%、少なくとも約70%、少なくとも約75%、少なくとも約80%、少なくとも約85%、又は少なくとも約85%以上がヒト胚体内胚葉細胞であるヒト細胞を含む。いくつかの実施形態では、細胞集団は、非ヒト細胞、例えば非ヒトフィーダー細胞を含む。他の実施形態では、細胞集団は、ヒトフィーダー細胞を含む。このような実施形態では、上記フィーダー細胞以外のヒト細胞の少なくとも約10%、少なくとも約15%、少なくとも約20%、少なくとも約25%、少なくとも約30%、少なくとも約35%、少なくとも約40%、少なくとも約45%、少なくとも約50%、少なくとも約55%、少なくとも約60%

40

50

、少なくとも約 65 %、少なくとも約 70 %、少なくとも約 75 %、少なくとも約 80 %、少なくとも約 85 %、少なくとも約 90 %、少なくとも約 95 %、又は少なくとも約 95 % 以上がヒト胚体内胚葉細胞である。本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態では、細胞集団は、いくつかの PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞を含む（これに限定されない）PDX 1 陽性内胚葉細胞をさらに含む。

【0173】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法の実施形態では、細胞集団は、候補（試験）分化因子と接触されるか、そうでなければそれを提供される。候補分化因子は、ヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進する能力を有し得る任意の分子を含み得る。本明細書中に記載されるいくつかの実施形態では、候補分化因子は、1つ又は複数の型の細胞に関する分化因子であることが知られている分子を含む。代替的な実施形態では、候補分化因子は、細胞分化を促進することが知られていない分子を含む。好ましい実施形態では、候補分化因子は、ヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが知られていない分子を含む。

10

【0174】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態では、候補分化因子は、小分子を含む。好ましい実施形態では、小分子は、約 10,000 amu 以下の分子量を有する分子である。いくつかの実施形態では、小分子はレチノイドを含む。いくつかの実施形態では、小分子はレチノイン酸を含む。

【0175】

本明細書中に記載される他の実施形態では、候補分化因子はポリペプチドを含む。ポリペプチドは、任意のポリペプチド、例えば糖タンパク質、リボタンパク質、細胞外マトリックスタンパク質、サイトカイン、ケモカイン、ペプチドホルモン、インターロイキン又は成長因子であり得るが、これらに限定されない。好ましいポリペプチドとしては、成長因子が挙げられる。いくつかの好ましい実施形態では、候補分化因子は、FGF10、FGF4、FGF2 及び Wnt3B から成る群から選択される1つ又は複数の成長因子を含む。

20

【0176】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態では、候補分化因子は、アンフィレグリン、Bリンパ球刺激剤、IL-16、サイモポイエチン、TRAIL/Apo-2、プレB細胞コロニー増強因子、内皮分化関連因子1（EDF1）、内皮単球活性化ポリペプチドII、マクロファージ遊走阻止因子（MIF）、ナチュラルキラー細胞強化因子（NKEFA）、骨形態形成タンパク質2、骨形態形成タンパク質8（骨源性タンパク質2）、骨形態形成タンパク質6、骨形態形成タンパク質7、結合組織成長因子（CTGF）、CGI-149タンパク質（神経内分泌分化因子）、サイトカインA3（マクロファージ炎症タンパク質1- α ）、グリアブラストマ細胞分化関連タンパク質（GBDR1）、肝細胞腫由来成長因子、ニューロメジンU-25前駆体、血管内皮増殖因子（VEGF）、血管内皮増殖因子B（VEGF-B）、T細胞特異的RANTES前駆体、胸腺樹状細胞由来因子1、トランスフェリン、インターロイキン-1（IL-1）、インターロイキン-2（IL-2）、インターロイキン-3（IL-3）、インターロイキン-4（IL-4）、インターロイキン-5（IL-5）、インターロイキン-6（IL-6）、インターロイキン-7（IL-7）、インターロイキン-8（IL-8）、インターロイキン-9（IL-9）、インターロイキン-10（IL-10）、インターロイキン-11（IL-11）、インターロイキン-12（IL-12）、インターロイキン-13（IL-13）、顆粒球-コロニー刺激因子（G-CSF）、顆粒球マクロファージコロニー刺激因子（GM-CSF）、マクロファージコロニー刺激因子（M-CSF）、エリスロポイエチン、トロンプオイエチン、ビタミンD3、表皮成長因子（EGF）、脳由来神経栄養因子、白血病抑制因子、甲状腺ホルモン、塩基性線維芽細胞成長因子（bFGF）、aFGF、FGF-4、FGF-6、ケラチノサイト成長因子（KGF）、血小板由来成長因子（PDGF）、血小板由来成長因子-BB、 β 神経成長因子、アクチビンA、形質転換増殖因子 β 1（TGF- β 1）、インターフェロン- α 、インターフェロ

30

40

50

ン - β 、インターフェロン - γ 、腫瘍壊死因子 - α 、腫瘍壊死因子 - β 、バースト促進活性 (BPA)、赤血球系促進活性 (EPA)、PGE2、インスリン増殖因子 - 1 (IGF - 1)、IGF - II、ニュートロフィン増殖因子 (NGF)、ニュートロフィン - 3、ニュートロフィン 4 / 5、毛様体神経栄養因子、グリア由来ネキシン、デキサメタゾン、 β - メルカプトエタノール、レチノイン酸、ブチル化ヒドロキシアニソール、5 - アザシチジン、アンフォテリシン B、アスコルビン酸、アスコルビン酸塩、イソブチルキサンチン、インドメタシン、 β - グリセロホスフェート、ニコチンアミド、DMSO、チアゾリジンジオン、TWS 119、オキシトシン、バソプレッシン、メラニン細胞刺激ホルモン、副腎皮質刺激ホルモン、リポトロピン、ヒト甲状腺刺激ホルモン、成長ホルモン、プロラクチン、黄体形成ホルモン、ヒト絨毛性性腺刺激ホルモン、濾胞刺激ホルモン、副腎皮質刺激ホルモン放出因子、性腺刺激ホルモン放出因子、プロラクチン放出因子、プロラクチン放出抑制因子、成長ホルモン放出因子、ソマトスタチン、甲状腺刺激ホルモン放出因子、カルシトニン遺伝子関連ペプチド、上皮小体ホルモン、グルカゴン様ペプチド 1、グルコース依存性インスリン分泌性ポリペプチド、ガストリン、セクレチン、コレシストキニン、モチリン、血管作動性小腸ペプチド、サブスタンス P、膵臓ポリペプチド、ペプチドチロシン、神経ペプチドチロシン、インスリン、グルカゴン、胎盤ラクトゲン、レラキシン、アンギオテンシン II、カルシトリオール、心房性ナトリウム利尿ペプチド及びメラトニン、チロキシン、トリヨードチロニン、カルシトニン、エストラジオール、エストロン、プロゲステロン、テストステロン、コルチゾール、コルチコステロン、アルドステロン、エピネフリン、ノルエピネフェリン、アンドロステチエン (androstiene)、カルシトリオール、コラーゲン、デキサメタゾン、 β - メルカプトエタノール、レチノイン酸、ブチル化ヒドロキシアニソール、5 - アザシチジン、アンフォテリシン B、アスコルビン酸、アスコルビン酸塩、イソブチルキサンチン、インドメタシン、 β - グリセロホスフェート、ニコチンアミド、DMSO、チアゾリジンジオン及び TWS 119 から成る群から選択される 1 つ又は複数の成長因子を含む。

【0177】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態では、候補分化因子は、1 つ又は複数の濃度で、細胞集団に提供される。いくつかの実施形態では、候補分化因子は、細胞周囲の培地中の候補分化因子の濃度が約 0 . 1 ng / ml ~ 約 10 mg / ml の範囲であるよう、細胞集団に提供される。いくつかの実施形態では、細胞周囲の培地中の候補分化因子の濃度は、約 1 ng / ml ~ 約 1 mg / ml の範囲である。他の実施形態では、細胞周囲の培地中の候補分化因子の濃度は、約 10 ng / ml ~ 約 100 μ g / ml の範囲である。さらに他の実施形態では、細胞周囲の培地中の候補分化因子の濃度は、約 100 ng / ml ~ 約 10 μ g / ml の範囲である。好ましい実施形態では、細胞周囲の培地中の候補分化因子の濃度は、約 5 ng / ml、約 25 ng / ml、約 50 ng / ml、約 75 ng / ml、約 100 ng / ml、約 125 ng / ml、約 150 ng / ml、約 175 ng / ml、約 200 ng / ml、約 225 ng / ml、約 250 ng / ml、約 275 ng / ml、約 300 ng / ml、約 325 ng / ml、約 350 ng / ml、約 375 ng / ml、約 400 ng / ml、約 425 ng / ml、約 450 ng / ml、約 475 ng / ml、約 500 ng / ml、約 525 ng / ml、約 550 ng / ml、約 575 ng / ml、約 600 ng / ml、約 625 ng / ml、約 650 ng / ml、約 675 ng / ml、約 700 ng / ml、約 725 ng / ml、約 750 ng / ml、約 775 ng / ml、約 800 ng / ml、約 825 ng / ml、約 850 ng / ml、約 875 ng / ml、約 900 ng / ml、約 925 ng / ml、約 950 ng / ml、約 975 ng / ml、約 1 μ g / ml、約 2 μ g / ml、約 3 μ g / ml、約 4 μ g / ml、約 5 μ g / ml、約 6 μ g / ml、約 7 μ g / ml、約 8 μ g / ml、約 9 μ g / ml、約 10 μ g / ml、約 11 μ g / ml、約 12 μ g / ml、約 13 μ g / ml、約 14 μ g / ml、約 15 μ g / ml、約 16 μ g / ml、約 17 μ g / ml、約 18 μ g / ml、約 19 μ g / ml、約 20 μ g / ml、約 25 μ g / ml、約 50 μ g / ml、約 75 μ g / ml、約 100 μ g / ml、約 125 μ g / ml、約 150 μ g / ml、約

175 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約200 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約250 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約300 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約350 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約400 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約450 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約500 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約550 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約600 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約650 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約700 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約750 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約800 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約850 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約900 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約950 $\mu\text{g}/\text{ml}$ 、約1000 $\mu\text{g}/\text{ml}$ であるか、又は約1000 $\mu\text{g}/\text{ml}$ より高い。

【0178】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法の或る特定のいくつかの実施形態では、細胞集団は、前腸分化因子以外の任意の分子を含む候補分化因子を提供される。例えばいくつかの実施形態では、細胞集団は、レチノイド、成長因子のTGF β スーパーファミリーの一成員、FGF10又はFGF4以外の任意の分子を含む候補分化因子を提供される。いくつかの実施形態では、細胞集団は、レチノイン酸以外の任意の分子を含む候補分化因子を提供される。

10

【0179】

いくつかの実施形態では、本明細書中に記載されるスクリーニング方法の工程は、第1の時点及び第2の時点での少なくとも1つのマーカーの発現を測定することを包含する。これらの実施形態のいくつかでは、第1の時点は、候補分化因子を細胞集団に提供する前、又はそれとほぼ同時期であり得る。或いはいくつかの実施形態では、第1の時点は、候補分化因子を細胞集団に提供した後である。いくつかの実施形態では、複数のマーカーの発現は、第1の時点で測定される。

20

【0180】

第1の時点での少なくとも1つのマーカーの発現を測定することのほかに、本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態は、第1の時点の後であり且つ候補分化因子を細胞集団に提供した後である第2の時点での少なくとも1つのマーカーの発現を測定することを意図する。このような実施形態では、同一マーカーの発現が、第1及び第2の時点の両方で測定される。いくつかの実施形態では、複数のマーカーの発現が、第1及び第2の時点の両方で測定される。そのような実施形態では、同一の複数のマーカーの発現が、第1及び第2の時点の両方で測定される。いくつかの実施形態では、その各々が第1の時点の後であり、且つその各々が候補分化因子を細胞集団に提供した後である複数の時点で、マーカー発現が測定される。或る特定のいくつかの実施形態では、マーカー発現はQ-PCRにより測定される。他の実施形態では、マーカー発現は免疫細胞化学により測定される。

30

【0181】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法の或る特定のいくつかの実施形態では、その発現が第1及び第2の時点で測定されるマーカーは、腸管由来である組織及び/又は器官を作り上げる細胞の前駆体である細胞へのヒト胚体内胚葉細胞の分化に関連するマーカーである。いくつかの実施形態では、腸管に由来する組織及び/又は器官は、最終分化細胞を含む。いくつかの実施形態では、マーカーは、膵臓細胞又は膵臓前駆体細胞を示す。好ましい実施形態では、マーカーは、膵臓-十二指腸ホメオボックス因子-1(PDX1)である。他の実施形態では、マーカーはホメオボックスA13(HOX A13)又はホメオボックスC6(HOX C6)である。さらに、他の実施形態では、マーカーは肝細胞又は肝臓前駆体細胞を示す。或る特定の好ましい実施形態では、マーカーは、アルブミン、肝細胞特異的抗原(HSA)又はプロスペロ関連ホメオボックス1(PROX1)である。他の実施形態では、マーカーは、肺又は肺前駆体細胞を示す。いくつかの好ましい実施形態では、マーカーは、甲状腺転写因子1(TITF1)である。さらに他の実施形態では、マーカーは、腸又は腸前駆体細胞を示す。付加的な好ましい実施形態では、マーカーは、ピリン、グルコース輸送体-2(GLUT2)、アポリポタンパク質A1(APOA1)、血管細胞接着分子-1(VACM1)、フォンウィルブランド因子(VWF)、CXCR4型ケモカイン受容体4(CXCR4)又はコードルタイプホメオボックス転写因子2(CDX2)である。さらに他の実施形態では、マーカーは、胃又は胃前駆体細胞を示す

40

50

。付加的な好ましい実施形態では、マーカーは、V C A M 1、V W F 又は C X C R 4 である。他の実施形態では、マーカーは甲状腺又は甲状腺前駆体細胞を示す。そのような実施形態では、マーカーは T I T F 1 である。さらなる他の実施形態では、マーカーは、胸腺又は胸腺前駆体細胞を示す。

【 0 1 8 2 】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態では、候補分化因子を細胞集団に提供することと、第 2 の時点でのマーカー発現を測定することとの間に十分な時間を経過させる。候補分化因子を細胞集団に提供することと第 2 の時点でのマーカーの発現を測定することとの間の十分な時間は、約 1 時間という短い時間から、約 1 0 日間という長い時間までであり得る。いくつかの実施形態では、少なくとも 1 つのマーカーの発現は、候補分化因子を細胞集団に提供した後の複数の時点で測定される。いくつかの実施形態では、十分な時間は、少なくとも約 1 時間、少なくとも約 6 時間、少なくとも約 1 2 時間、少なくとも約 1 8 時間、少なくとも約 2 4 時間、少なくとも約 3 0 時間、少なくとも約 3 6 時間、少なくとも約 4 2 時間、少なくとも約 4 8 時間、少なくとも約 5 4 時間、少なくとも約 6 0 時間、少なくとも約 6 6 時間、少なくとも約 7 2 時間、少なくとも約 7 8 時間、少なくとも約 8 4 時間、少なくとも約 9 0 時間、少なくとも約 9 6 時間、少なくとも約 1 0 2 時間、少なくとも約 1 0 8 時間、少なくとも約 1 1 4 時間、少なくとも約 1 2 0 時間、少なくとも約 1 2 6 時間、少なくとも約 1 3 2 時間、少なくとも約 1 3 8 時間、少なくとも約 1 4 4 時間、少なくとも約 1 5 0 時間、少なくとも約 1 5 6 時間、少なくとも約 1 6 2 時間、少なくとも約 1 6 8 時間、少なくとも約 1 7 4 時間、少なくとも約 1 8 0 時間、少なくとも約 1 8 6 時間、少なくとも約 1 9 2 時間、少なくとも約 1 9 8 時間、少なくとも約 2 0 4 時間、少なくとも約 2 1 0 時間、少なくとも約 2 1 6 時間、少なくとも約 2 2 2 時間、少なくとも約 2 2 8 時間、少なくとも約 2 3 4 時間又は少なくとも約 2 4 0 時間である。

【 0 1 8 3 】

本明細書中に記載される方法のいくつかの実施形態では、第 2 の時点でのマーカーの発現が、第 1 の時点でのこのマーカーの発現と比較して、増大したか又は減少したかがさらに測定される。少なくとも 1 つのマーカーの発現の増大又は減少は、候補分化因子が胚体内胚葉細胞の分化を促進し得る、ということを示す。同様に、複数のマーカーの発現が測定される場合、第 2 の時点での複数のマーカーの発現が、第 1 の時点でのこの複数のマーカーの発現と比較して、増大したか又は減少したかがさらに測定される。マーカー発現の増大又は減少は、第 1 及び第 2 の時点での細胞集団中のマーカーの量、レベル又は活性を測定するか又は評価することにより判定され得る。このような判定は、他のマーカー、例えばハウスキーピング遺伝子発現と相対的であるか、或いは絶対的であり得る。マーカー発現が第 1 の時点と比較して第 2 の時点で増大される或る特定のいくつかの実施形態では、増大の量は、少なくとも約 2 倍、少なくとも約 5 倍、少なくとも約 1 0 倍、少なくとも約 2 0 倍、少なくとも約 3 0 倍、少なくとも約 4 0 倍、少なくとも約 5 0 倍、少なくとも約 6 0 倍、少なくとも約 7 0 倍、少なくとも約 8 0 倍、少なくとも約 9 0 倍、少なくとも約 1 0 0 倍であるか、又は少なくとも約 1 0 0 倍より多い。いくつかの実施形態では、増大の量は、2 倍未満である。マーカー発現が第 1 の時点と比較して第 2 の時点で減少される実施形態では、減少の量は、少なくとも約 2 倍、少なくとも約 5 倍、少なくとも約 1 0 倍、少なくとも約 2 0 倍、少なくとも約 3 0 倍、少なくとも約 4 0 倍、少なくとも約 5 0 倍、少なくとも約 6 0 倍、少なくとも約 7 0 倍、少なくとも約 8 0 倍、少なくとも約 9 0 倍、少なくとも約 1 0 0 倍であるか、又は少なくとも約 1 0 0 倍より多い。いくつかの実施形態では、減少の量は、2 倍未満である。

【 0 1 8 4 】

本明細書中に記載されるスクリーニング方法のいくつかの実施形態では、候補分化因子を細胞集団に提供後、ヒト胚体内胚葉細胞は、胚体内胚葉系統の 1 つ又は複数の細胞型に分化する。いくつかの実施形態では、候補分化因子を細胞集団に提供後、ヒト胚体内胚葉細胞は、腸管に由来する細胞に分化する。このような細胞としては、膵臓、肝臓、肺、胃、

10

20

30

40

50

腸、甲状腺、胸腺、咽頭、胆嚢及び膀胱の細胞、並びにこのような細胞の前駆体が挙げられるが、これらに限定されない。さらに、これらの細胞は、より高度な構造、例えば組織及び／又は器官にさらに発達し得る。

【0185】

上述の方法と類似したスクリーニング方法を使用して、ヒト PDX 1 陽性内胚葉細胞を含む細胞集団におけるヒト PDX 1 陽性内胚葉細胞の分化を促進することが可能な 1 つ又は複数の分化因子を同定することができることが理解されよう。或る特定の実施形態では、ヒト PDX 1 陽性内胚葉細胞は、PDX 1 陽性前腸／中腸内胚葉細胞である。好ましい実施形態では、ヒト PDX 1 陽性内胚葉細胞は、PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞である。他の好ましい実施形態では、ヒト PDX 1 陽性内胚葉細胞は、前腸の後方部分の PDX 1 陽性内胚葉細胞である。特に好ましい実施形態では、ヒト PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞は、腸管の前方部分に由来する細胞、組織又は器官へ分化することができる多分化能細胞である。

10

【0186】

PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞への PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な因子の同定

本明細書中に記載するスクリーニング方法の態様は、PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞への PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な 1 つ又は複数の分化因子を同定する方法に関する。かかる方法では、PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団が得られ、細胞培養物又は細胞集団における PDX 1 の発現が測定される。PDX 1 の発現を測定した後、細胞培養物又は細胞集団の細胞を、候補分化因子と接触させる。いくつかの実施形態では、PDX 1 の発現は、細胞を候補分化因子と接触させる時点で、或いは接触させた直後に測定される。続いて、PDX 1 発現は、細胞を候補分化因子と接触させた後の 1 つ又は複数の時点で測定される。PDX 1 の発現が、候補分化因子との接触前の PDX 1 発現と比較して、候補分化因子との接触後に増大されていれば、候補分化因子は、PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞への PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であるとして同定される。

20

【0187】

いくつかの実施形態では、PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞への PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な因子を同定する上述の方法はまた、細胞培養物又は細胞集団における H O X A 1 3 遺伝子及び／又は H O X C 6 遺伝子の発現を測定することを包含する。かかる実施形態では、H O X A 1 3 及び／又は H O X C 6 の発現は、細胞を候補分化因子と接触させる前及び接触させた後の両方で測定される。PDX 1 及び H O X A 1 3 の発現が、候補分化因子との接触前の PDX 1 及び H O X A 1 3 発現と比較して、候補分化因子との接触後に増大されていれば、候補分化因子は、PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞への PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であるとして同定される。同様に、PDX 1 及び H O X C 6 の発現が、候補分化因子との接触前の PDX 1 及び H O X C 6 発現と比較して、候補分化因子との接触後に増大されていれば、候補分化因子は、PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞への PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であるとして同定される。好ましい実施形態では、候補分化因子は、細胞培養物又は細胞集団の細胞を候補分化因子と接触させる前及び接触させた後の両方で、PDX 1、H O X A 1 3 及び H O X C 6 の発現を測定することにより、PDX 1 陽性前腸内胚葉細胞への PDX 1 陰性胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能であるとして同定される。好ましい実施形態では、PDX 1、H O X A 1 3 及び／又は H O X C 6 の発現は、Q - PCR により測定される。

30

40

【0188】

いくつかの実施形態では、PDX 1、H O X A 1 3 及び H O X C 6 の 1 つ又は複数の発現は、細胞を候補分化因子と接触させる前ではなく、細胞培養物又は細胞集団の細胞を候補分化因子と接触させる時点で、或いは接触させた直後に測定され得ることが理解されよう。かかる実施形態では、細胞を候補分化因子と接触させる時点での、或いは接触させた直

50

後の P D X 1、H O X A 1 3 及び H O X C 6 の 1 つ又は複数の発現は、細胞を候補分化因子と接触させた後の 1 つ又は複数の時点での P D X 1、H O X A 1 3 及び H O X C 6 の 1 つ又は複数の発現と比較される。

【 0 1 8 9 】

上述の方法のいくつかの実施形態では、細胞を候補分化因子と接触させた後に P D X 1 発現が測定される 1 つ又は複数の時点は、約 1 時間～約 1 0 日の範囲である。例えば、P D X 1 発現は、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 2 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 4 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 6 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 8 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 0 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 2 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 6 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 2 4 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 2 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 3 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 4 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 5 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 6 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 7 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 8 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 9 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 0 日後に、或いは細胞を候補分化因子と接触させた約 1 0 日後より後に測定され得る。

10

【 0 1 9 0 】

本明細書中に記載する方法における使用のための候補分化因子は、ポリペプチド及び小分子のような化合物から選択され得る。例えば、候補ポリペプチドとしては、成長因子、サイトカイン、ケモカイン、細胞外マトリックスタンパク質及び合成ペプチドが挙げられ得るが、これらに限定されない。好ましい実施形態では、成長因子は、F G F ファミリー、例えば F G F - 1 0 に由来する。候補小分子としては、コンビナトリアル化学合成から生成される化合物及び天然産物（例えば、ステロイド、イソプレノイド、テルペノイド、フェニルプロパノイド、アルカロイド及びフラビノイド）が挙げられるが、これらに限定されない。何千もの天然及び合成小分子の種類が利用可能であり、本明細書中に記載する方法における使用のために意図される小分子は、上記で例示した種類に限定されないことが当業者に理解されよう。通常、小分子は、1 0 , 0 0 0 a m u 未満の分子量である。好ましい実施形態では、小分子は、レチノイド、例えば R A である。

20

【 0 1 9 1 】

P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞の分化を促進することが可能な因子の同定

本明細書中に記載するスクリーニング方法の他の態様は、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞の分化を促進することが可能な 1 つ又は複数の分化因子を同定する方法に関する。かかる方法では、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞を含む細胞培養物又は細胞集団が得られ、細胞培養物又は細胞集団におけるマーカーの発現が測定される。マーカーの発現を測定した後、細胞培養物又は細胞集団の細胞を候補分化因子と接触させる。いくつかの実施形態では、マーカーの発現は、細胞を候補分化因子と接触させる時点で、或いは接触させた直後に測定される。続いて、同一マーカーの発現は、細胞を候補分化因子と接触させた後の 1 つ又は複数の時点で測定される。マーカーの発現が、候補分化因子との接触前のマーカー発現と比較して、候補分化因子との接触後に増大又は減少された場合、候補分化因子は、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞の分化を促進することが可能であるとして同定される。好ましい実施形態では、マーカーの発現は、Q - P C R により測定される。

30

40

【 0 1 9 2 】

上述した方法のいくつかの実施形態では、細胞を候補分化因子と接触させた後にマーカー発現が測定される 1 つ又は複数の時点は、約 1 時間～約 1 0 日の範囲であり得る。例えば、マーカー発現は、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 2 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 4 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 6 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 8 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 0 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 2 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 6 時間後に、細胞を候補分化因子と接触

50

させた約 2 4 時間後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 2 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 3 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 4 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 5 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 6 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 7 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 8 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 9 日後に、細胞を候補分化因子と接触させた約 1 0 日後に、或いは細胞を候補分化因子と接触させた約 1 0 日後より後に測定され得る。

【 0 1 9 3 】

上述のように、本明細書中に記載する方法における使用のための候補分化因子は、ポリペプチド及び小分子のような化合物から選択され得る。

【 0 1 9 4 】

本明細書中に開示する方法それぞれを、P D X 1 陽性前腸内胚葉細胞に関して記載してきたが、或る特定の実施形態では、これらの方法は、本明細書中に記載される P D X 1 陽性前腸 / 中腸内胚葉細胞及び / 又は本明細書中に記載される前腸の後方部分の P D X 1 陽性内胚葉細胞を含む組成物を産生するのに使用することができることが理解されよう。さらに、本明細書中に開示する P D X 1 陽性内胚葉細胞型のいずれかを本明細書中に記載するスクリーニング方法に利用することができる。

【 0 1 9 5 】

本発明を一般的に記載してきたが、説明の目的のためにのみ本明細書中に提供される特定の実施例を参照することによりさらなる理解が得られるが、この実施例に限定されない。

【 実施例 】

【 0 1 9 6 】

以下の実施例の多くは、多能性ヒト細胞の使用を記載する。多能性ヒト細胞を産生する方法は、当該技術分野で既知であり、多数の科学出版物、例えば米国特許第 5 , 4 5 3 , 3 5 7 号、第 5 , 6 7 0 , 3 7 2 号、第 5 , 6 9 0 , 9 2 6 号、第 6 , 0 9 0 , 6 2 2 号、第 6 , 2 0 0 , 8 0 6 号及び第 6 , 2 5 1 , 6 7 1 号、並びに米国特許出願公開第 2 0 0 4 / 0 2 2 9 3 5 0 号に記載されている。

【 0 1 9 7 】

[実施例 1]

ヒト E S 細胞

内胚葉発達についてのわれわれの研究のために、多能性であり、そして正常核型を保持しながら培養中に外見上無限に分裂し得るヒト胚性幹細胞を用いた。単離のための免疫学的又は機械的方法を用いて、5 日齢胚内部細胞塊から E S 細胞を得た。特にヒト胚性幹細胞株 h E S C y t - 2 5 を、患者によるインフォームド Consent 後に、i n v i t r o 受精サイクルからの過剰凍結胚から得た。解凍時に、E S 培地 (D M E M 、 2 0 % F B S 、非必須アミノ酸、β - メルカプトエタノール、I T S サプリメント) 中のマウス胚線維芽細胞 (M E F) 上に孵化胚盤胞をプレート化した。胚が培養皿に接着し、そして約 2 週間後、非分化 h E S C の領域を、M E F とともに新たな皿に移した。機械的に切断し、ディスパーゼで手短に消化し、その後、細胞クラスターを機械的に取り出して、洗浄し、再プレート化することにより移動を成し遂げた。誘導以来、h E S C y t - 2 5 を、1 0 0 回にわたって逐次継代した。胚体内胚葉の産生のための出発物質として、h E S C y t - 2 5 ヒト胚性幹細胞株を用いた。

【 0 1 9 8 】

幹細胞又は他の多能性細胞は本明細書中に記載される分化手法のための出発物質としても用いられ得る、と当業者により理解される。例えば当該技術分野で既知の方法により単離され得る胚性生殖腺隆起から得られる細胞は、多能性細胞出発物質として用いられ得る。

【 0 1 9 9 】

[実施例 2]

h E S C y t - 2 5 特徴づけ

ヒト胚性幹細胞株 h E S C y t - 2 5 は、培養中に 1 8 ヶ月にわたって、正常形態学、核型、増殖及び自己再生特性を保持した。この細胞株は、O C T 4 、S S E A - 4 及び T R

10

20

30

40

50

A - 1 - 60 抗原（これらはすべて、未分化 h E S C に特有である）に対する強い免疫反応性を示し、そしてアルカリ性ホスファターゼ活性、並びに他の確立された h E S C 株と同一の形態学を示す。さらにヒト幹細胞株 h E S C y t - 25 は、懸濁液中で培養される場合、胚様体（E B）も容易に形成する。その多能性性質の実証として、h E S C y T - 25 は、3つの主要胚葉を表わす種々の細胞型に分化する。Z I C 1 に関する Q - P C R、並びにネスチン及びより成熟したニューロンマーカーに関する免疫細胞化学（I C C）により、外胚葉産生を実証した。β - I I I チューブリンに関する免疫細胞化学染色を、初期ニューロンに特徴的な伸長細胞のクラスター中で観察した。予め、レチノイン酸で懸濁液中の E B を処理して、臓側内胚葉（V E）、胚体外系統への多能性幹細胞の分化を誘導した。処理細胞は、高レベルの α - フェトタンパク質（A F P）及び S O X 7（V E の2つのマーカー）を54時間の処理により発現した。単層中で分化された細胞は、免疫細胞化学染色により実証されるように、散在性パッチ中で A F P を発現した。以下で記載するように、h E S C y T - 25 細胞株は、A F P 発現の非存在下での S O X 17 に関するリアルタイム定量的ポリメラーゼ連鎖反応（Q - P C R）及び免疫細胞化学により立証されるように、胚体内胚葉も形成し得た。中胚葉への分化を実証するために、分化中の E B を、いくつかの時点でのブラキュリ遺伝子発現に関して分析した。ブラキュリ発現は、実験経過中に漸進的に増大した。上記に鑑みて、三つの胚葉を表わす細胞を形成する能力により示されるように、h E S C y T - 25 株は多能性である。

10

【0200】

[実施例3]

20

S O X 17 抗体の産生

h E S C 培養物における胚体内胚葉の同定に対する主要な妨害は、適切なツールの欠如である。したがって、本発明者等は、ヒト S O X 17 タンパク質に対して高められる抗体の産生に着手した。

【0201】

マーカー S O X 17 は、それが原腸形成中に形成する際に胚体内胚葉全体にわたって発現し、その発現は、器官形成の開始まで腸管で維持される（しかし、発現のレベルは、A - P 軸に沿って変化する）。S O X 17 はまた、胚体外内胚葉細胞のサブセットでも発現する。このタンパク質の発現はまた、中胚葉又は外胚葉では観察されていない。S O X 17 は、胚体外系統を排除するためのマーカーと併用される場合、胚体内胚葉系統に適切なマーカーであることが現在発見されている。

30

【0202】

本明細書中で詳述するように、S O X 17 抗体は、S O X 17 陽性胚体内胚葉細胞の産生を目的とした様々な処理及び分化手順の影響を具体的に検査するのに利用された。A F P、S P A R C 及びトロポモジュリンに対しての他の抗体との反応性もまた、臓側及び壁側内胚葉（胚体外内胚葉）の産生を除外するのに使用された。

【0203】

S O X 17 に対する抗体を産生するために、S O X 17 タンパク質のカルボキシ末端におけるアミノ酸 172 ~ 414（配列番号2）に相当するヒト S O X 17 c D N A（配列番号1）の一部（図2）は、抗体産生会社 GENOVAC (Freiberg, Germany) にて、そこで開発された手順に従って、ラットにおける遺伝子免疫化に使用した。遺伝子免疫化に関する手段は、米国特許第 5,830,876 号、同第 5,817,637 号、同第 6,165,993 号及び同第 6,261,281 号、並びに国際特許出願公開第 W O 00 / 29442 号及び同第 W O 99 / 13915 号に見出すことができる。

40

【0204】

遺伝子免疫化に関する他の適切な方法はまた、非特許文献にも記載されている。例えば、Barry 他は、Biotechniques 16: 616-620, 1994 において遺伝子免疫化によるモノクローナル抗体の産生について記載している。特異的タンパク質に対する抗体を産生するための遺伝子免疫化方法の具体例は、例えば、Costaglia et al., (1998) ヒト甲状腺刺激ホルモン受容体に対する遺伝子免疫化は、甲状腺炎を引き起こし、且つ自然受容体を認識するモ

50

ノクロール抗体の産生を可能にする(Genetic immunization against the human thyrotropin receptor causes thyroiditis and allows production of monoclonal antibodies recognizing the native receptor), J. Immunol. 160: 1458-1465、Kilpatrick et al (1998) 遺伝子銃送達されるDNAベースの免疫化は、Flt-3受容体に対するマウスモノクロール抗体の迅速な産生を媒介する(Gene gun delivered DNA-based immunizations mediate rapid production of murine monoclonal antibodies to the Flt-3 receptor), Hybridoma 17: 569-576、Schmolke et al., (1998) DNA免疫化により産生されるE2特異的モノクロール抗体によるヒト血清におけるG型肝炎ウイルス粒子の同定(Identification of hepatitis G virus particles in human serum by E2-specific monoclonal antibodies generated by DNA immunization), J. Virol. 72: 4541-4545、Kraseman et al., (1999) 異例の核酸ベースの免疫化戦略を用いたタンパク質に対するモノクロール抗体の生成(Generation of monoclonal antibodies against proteins with an unconventional nucleic acid-based immunization strategy), J. Biotechnol. 73: 119-129、及びUlivieri et al, (1996) DNA免疫化によるヘリコバクター・ピロリ細胞空胞化毒素の規定部分に対するモノクロール抗体の生成(Generation of a monoclonal antibody to a defined portion of the Helicobacter pylori vacuolating cytotoxin by DNA immunization), J. Biotechnol. 51: 191-194に見出すことができる。

10

【0205】

SOX7及びSOX18は、図3に示される相関系統樹に表されるようにSOX17に対する最も密接なSOXファミリー類縁体である。本発明者等は、遺伝子免疫化により産生されるSOX17抗体がSOX17に特異的であり、またその最も密接なファミリー成員と反応しないことを実証するために、陰性対照としてヒトSOX7ポリペプチドを用いた。特に、SOX7及び他のタンパク質は、ヒト線維芽細胞において発現させ、続いてウェスタンブロット及びICCによりSOX17抗体との交差反応性に関して分析した。例えば、SOX17、SOX7及びEGFP発現ベクターの産生、ヒト線維芽細胞へのそれらのトランスフェクション、並びにウェスタンブロットによる分析に関して以下の方法を利用した。SOX17、SOX7及びEGFPの産生に用いられる発現ベクターは、それぞれpCMV6 (OriGene Technologies, Inc., Rockville, MD)、pCMV-SPORT6 (Invitrogen, Carlsbad, CA)及びpEGFP-N1 (Clontech, Palo Alto, CA)であった。タンパク質産生に関して、テロメラーゼ不死化MDXヒト線維芽細胞を、リポフェクタミン2000 (Invitrogen Carlsbad, CA)の存在下で、スーパーコイルDNAで一過的にトランスフェクトした。総細胞溶解産物は、トランスフェクションの36時間後に、プロテアーゼ阻害剤のカクテル(Roche Diagnostics Corporation, Indianapolis, IN)を含有する50 mM TRIS-HCl (pH 8)、150 mM NaCl、0.1% SDS、0.5%デオキシコール酸中に収集した。NuPAGE (4~12%ポリアクリルアミド勾配、Invitrogen, Carlsbad, CA)上でのSDS-PAGEにより分離され、且つPDVF膜(Hercules, CA)上へのエレクトロブロッティングにより移入された細胞タンパク質100 µgのウェスタンブロット分析は、10 mM TRIS-HCl (pH 8)、150 mM NaCl、10% BSA、0.05% Tween-20 (Sigma, St. Louis, MO)中のラットSOX17抗血清の1/1000希釈で、アルカリホスファターゼ結合抗ラットIgG (Jackson ImmunoResearch Laboratories, West Grove, PA)によりプロービングして、ベクターブラックアルカリホスファターゼ染色(Vector Laboratories, Burlingame, CA)により明らかにした。使用される標準サイズのタンパク質は、広範囲の色彩マーカー(Sigma, St. Louis, MO)であった。

20

30

40

【0206】

図4では、SOX17、SOX7又はEGFP cDNAで一過的にトランスフェクトされたヒト線維芽細胞から作製されるタンパク質抽出物を、SOX17抗体によりウェスタンブロットでプロービングした。hSOX17トランスフェクト細胞からのタンパク質抽出物のみが、ヒトSOX17タンパク質の予測された46 Kda分子量に近い約51 Kdaのバンドを生じた。ヒトSOX7又はEGFPトランスフェクト細胞のいずれかから作

50

製される抽出物に対してSOX17抗体の反応性は見られなかった。さらに、SOX17抗体は、hESC発現構築でトランスフェクトしたヒト線維芽細胞の核を明らかに標識したが、EGFPのみでトランスフェクトした細胞は標識しなかった。したがって、SOX17抗体は、ICCによる特異性を示す。

【0207】

[実施例4]

胚体内胚葉のマーカーとしてのSOX17抗体の確認

部分的に分化させたhESCをSOX17及びAFP抗体で同時標識して、SOX17抗体がヒトSOX17タンパク質に特異的であること、さらに胚体内胚葉をマークすることを実証した。SOX17、SOX7（これは、SOX遺伝子ファミリーサブグループFの密接に関連する成員である（図3））及びAFPはそれぞれ、臓側内胚葉で発現されることが実証されている。しかしながら、AFP及びSOX7は、ICCにより検出可能なレベルでは、胚体内胚葉細胞では発現されず、したがってそれらは、真正の胚体内胚葉細胞に関する陰性マーカーとして用いることができる。SOX17抗体は、細胞の別個の分類として存在するか、或いはAFP陽性細胞と混合される細胞の集団を標識することが示された。特に、図5Aは、少数のSOX17細胞がAFPで同時標識されることを示すが、SOX17+細胞の区域においてAFP+細胞がほとんど存在しないか、或いは全く存在しない領域も見られた（図5B）。同様に、壁側内胚葉は、SOX17を発現することが報告されているため、壁側マーカーSPARC及び/又はトロンプモジュリン(TM)と共にSOX17による抗体同時標識を使用して、壁側内胚葉であるSOX17+細胞を同定することができる。図6A~図6Cに示されるように、トロンプモジュリン及びSOX17同時標識された壁側内胚葉細胞は、hESC細胞の無作為分化により産生された。

【0208】

上記細胞標識実験を考慮して、胚体内胚葉細胞の独自性は、マーカープロファイルSOX17hi / AFPlo / [TMlo又はSPARCllo]により確立され得る。換言すると、SOX17マーカーの発現は、臓側内胚葉の特徴であるAFPマーカー、及び壁側内胚葉の特徴であるTM又はSPARCマーカーの発現よりも多い。したがって、SOX17に関して陽性であるが、AFPに対して陰性であり、且つTM又はSPARCに対して陰性である細胞は、胚体内胚葉である。

【0209】

胚体内胚葉の予測となるようなSOX17hi / AFPlo / TMlo / SPARClloマーカープロファイルの特異性のさらなる徴候として、SOX17及びAFP遺伝子発現が、抗体標識細胞の相対数と定量的に比較された。図7Aに示されるように、レチノイン酸（臓側内胚葉誘導物質）又はアクチビンA（胚体内胚葉誘導物質）で処理したhESCは、SOX17 mRNA発現のレベルにおいて10倍の差をもたらした。この結果は、SOX17抗体標識細胞数における10倍の差に反映している（図7B）。さらに、図8Aに示されるように、hESCのアクチビンA処理は、処理無しと比較して6.8倍分AFP遺伝子発現を抑制した。これは、図8B及び図8Cに示されるように、これらの培養物におけるAFP標識細胞の数の劇的な減少により可視的に反映された。これをさらに定量化するために、AFP遺伝子発現におけるこのおよそ7倍の減少は、フローサイトメトリーにより測定される場合のAFP抗体標識細胞数における同様の7倍の減少の結果であることが実証された（図9A及び図9B）。この結果は、Q-PCRにより観察されるような遺伝子発現の定量的変化は、抗体染色により観察されるような細胞型特定化における変化を反映することを示すという点で極めて有意である。

【0210】

ノーダルファミリー成員（ノーダル、アクチビンA及びアクチビンB-NAA）の存在下でのhESCのインキュベーションは、経時的にSOX17抗体標識細胞の有意な増大をもたらした。連続的なアクチビン処理の5日目までには、50%を超える細胞がSOX17で標識された（図10A~図10F）。アクチビン処理の5日後にはAFPで標識された細胞はほとんど存在しなかったか、或いは全く存在しなかった。

【0211】

要約すると、ヒトSOX17タンパク質のカルボキシ末端の242個のアミノ酸に対して産生される抗体は、ウェスタンブロットでヒトSOX17タンパク質を同定したが、その最も密接なSoxファミリー類縁体であるSOX7を認識しなかった。SOX17抗体は、主としてSOX17+/AFPlo/-である分化hESC培養物における細胞のサブセット(95%を超える標識細胞)並びにSOX17及びAFP(臓側内胚葉)に関して同時標識する少量パーセント(5%未満)の細胞を認識した。アクチビンによるhESC培養物の処理は、SOX17遺伝子発現並びにSOX17標識細胞の顕著な増大をもたらし、AFP mRNAの発現及びAFP抗体で標識した細胞の数を劇的に抑制した。

【0212】

10

[実施例5]

Q-PCR遺伝子発現アッセイ

以下の実験では、リアルタイム定量的RT-PCR(Q-PCR)が、hESC分化に対する様々な処理の影響をスクリーニングするのに使用される主要なアッセイであった。特に、遺伝子発現のリアルタイム測定は、Q-PCRにより多数の時点で多数のマーカー遺伝子に関して分析した。細胞集団の全体的な動態のより良好な理解を得るために、所望の細胞型並びに望ましくない細胞型のマーカー遺伝子の特徴を評価した。Q-PCR分析の長所として、ゲノム配列が容易に入手可能である場合、その極度の感受性及び必要なマーカーを開発することが比較的容易であることが挙げられる。さらに、Q-PCRの極めて高い感受性により、相当大きな集団内での比較的少数の細胞からの遺伝子発現の検出が可能となる。さらに、非常に低レベルの遺伝子発現を検出する能力は、集団内の「分化の偏り」に関する指標を提供する。これらの細胞の表現型の顕在的な分化に先立つ特定の分化経路に対する偏りは、免疫細胞化学的技法を使用して認知することができない。このため、Q-PCRは、分化処理の成功をスクリーニングするための少なくとも補完的であり且つ免疫組織化学的技法よりも潜在的に相当優れている分析の方法を提供する。さらに、Q-PCRは、半ハイスループットスケール(semi-high throughput scale)の分析にて定量的方式で分化プロトコルの成功を評価するメカニズムを提供する。

20

【0213】

本実施例で採用するアプローチは、Rotor Gene 3000機器(Corbett Research)上でのSYBR Green化学及び2段階RT-PCR方式を使用して相対定量を実施することであった。かかるアプローチにより、今後のさらなるマーカー遺伝子の分析用のcDNAサンプルの積上げが可能となり、したがって、サンプル間の逆転写効率における可変性を回避した。

30

【0214】

プライマーは、これが混入ゲノムDNAからの増幅を排除すると実験的に確定されているため、エクソン間境界にわたって存在するか、又は可能であれば少なくとも800bpの長さのイントロンにまたがるように設計された。イントロンを含有しないマーカー遺伝子を使用したか、又はマーカー遺伝子がシュードジーンを保有した場合、RNAサンプルのDNアーゼI処理が実施された。

40

【0215】

本発明者等は、細胞サンプルにおける遺伝子発現の広範囲のプロファイル記述を提供するために、日常的にQ-PCRを使用して、標的及び非標的細胞型の多数のマーカーの遺伝子発現を測定した。hESC分化の初期(具体的には、外胚葉、中胚葉、胚体内胚葉及び胚体外内胚葉)に関連し、且つ確証されたプライマーセットが利用可能であるマーカーを以下の表1に提供する。これらのプライマーセットのヒト特異性もまた実証されている。hESCが多くの場合マウスフィーダー層上で成長するため、このことは重要な事実である。最も典型的には、三重反復サンプルが各条件に関して採取され、各定量的測定に関連した生物学的可変性を評価するために二重反復で個別に分析された。

【0216】

PCR鋳型を生成するために、総RNAは、RNeasy(Qiagen)を使用して単離されて

50

、R i b o G r e e n (Molecular Probes)を用いて定量化された。総RNA 350 ~ 500 ngからの逆転写は、オリゴdT及び無作為なプライマーのミックスを含有するi S c r i p t 逆転写酵素キット(BioRad)を使用して実施した。続いて、反応物それぞれ20 µLを総容量100 µLにまで希釈して、3 µLをそれぞれ400 nM順方向プライマー及び逆方向プライマー並びに2 × S Y B R G r e e n マスターミックス(Qiagen) 5 µLを含有するQ - P C R 反応物10 µLにおいて使用した。2段階サイクリングパラメータは、85 ~ 94 (具体的には各プライマー組に関するアンプリコンの融点に従って選択される)で5秒の変性、続く60 での45秒のアニール/伸長を用いて使用された。各伸長段階の最後の15秒の間に、蛍光データを収集した。3点の10倍希釈シリーズを使用して、各実施に関する標準曲線を作成して、サイクル閾値(Ct)をこの標準曲線に基づいて定量値へ変換した。各サンプルに関する定量値は、ハウスキーピング遺伝子性能に対して標準化され、続いて平均値及び標準偏差は、三重反復サンプルに関して算出された。P C R サイクリングの終わりには、融解曲線分析を実施して、反応物の特異性を確かめた。単一の特異的産物は、そのP C R アンプリコンに適したTmでの単一ピークにより示された。さらに、逆転写酵素無しで実施される反応は、陰性対照として役立ち、増幅しない。

10

【0217】

Q - P C R 方法論を確立する際の第1の工程は、実験系における適切なハウスキーピング遺伝子(HG)の検証であった。HGは、RNAインプット、RNA完全性及びRT効率に関してサンプル全域で標準化するのに使用されるため、標準化が意味のあるものであるためには、HGがすべてのサンプル型において経時的に一定レベルの発現を示すことに重要性があった。本発明者等は、分化h E S CにおけるサイクロフィリンG (cyclophilin G)、ヒポキサンチンホスホリボシルトランスフェラーゼ1(hypoxanthine phosphoribosyl transferase 1)(H P R T)、β - 2 - ミクログロブリン(beta-2-microglobulin)、ヒドロキシメチルピランシンターゼ(hydroxymethylbiane synthase)(H M B S)、T A T A 結合タンパク質(TATA-binding protein)(T B P)及びグルクロニダーゼβ(glucoronidase beta)(G U S)の発現レベルを測定した。本発明者等の結果により、β - 2 - ミクログロブリン(beta-2-microglobulin)発現レベルが、分化の間に増大されることが示され、したがって本発明者等は、標準化に関してこの遺伝子の使用を排除した。他の遺伝子は、経時的に、並びに複数の処理にわたって不変的な発現レベルを示した。本発明者等は日常的に、サイクロフィリンG及びG U Sの両方を使用して、すべてのサンプルに関して標準化因子を算出した。多数のHGの使用は、同時に標準化プロセスに固有の可変性を低減し、相対遺伝子発現値の信頼性を増大させる。

20

30

【0218】

標準化において使用するための遺伝子を獲得した後、続いてQ - P C Rを利用して、種々の実験処理を施したサンプルにわたる多くのマーカー遺伝子の相対遺伝子発現レベルを測定した。用いたマーカー遺伝子は、それらが初期胚葉の代表的な特異的集団において富化を示すことから選択されており、特に胚体内胚葉及び胚体外内胚葉で差次的に発現される遺伝子の組に焦点を当てている。これらの遺伝子並びにそれらの関連富化プロファイルを表1に強調している。

40

【0219】

【表 1】

表 1

胚葉	遺伝子	発現ドメイン
内胚葉	SOX17 MIXL1 GATA4 HNF3b	胚体、臓側及び壁側内胚葉 内胚葉及び中胚葉 胚体及び原始内胚葉 胚体内胚葉及び原始内胚葉、中胚葉、神経板
胚体外	GSC SOX7 AFP SPARC TM	内胚葉及び中胚葉 臓側内胚葉 臓側内胚葉、肝臓 壁側内胚葉 壁側内胚葉／栄養外胚葉
外胚葉 中胚葉	ZIC1 BRACH	神経管、神経前駆体 新生中胚葉

10

【0220】

20

多くの遺伝子が、1つよりも多い胚葉で発現されるため、同じ実験内で多くの遺伝子の発現レベルを定量的に比較することが有用である。SOX17は、胚体内胚葉で、またより程度は低い、臓側及び壁側内胚葉で発現される。SOX7及びAFPは、この初期発達時点で、臓側内胚葉で発現される。SPARC及びTMは、壁側内胚葉で発現され、ブラキユリは、初期中胚葉で発現される。

【0221】

胚体内胚葉細胞は、高レベルのSOX17 mRNA並びに低レベルのAFP及びSOX7（臓側内胚葉）、SPARC（壁側内胚葉）及びブラキユリ（中胚葉）を発現すると予測された。さらに、ZIC1は、初期外胚葉の誘導をさらに除外するのに本明細書で使用された。最後に、GATA4及びHNF3bは、胚体及び胚体外内胚葉の両方で発現され、したがって、胚体内胚葉におけるSOX17発現と相関する（表1）。表1に記載するマーカー遺伝子が、様々なサンプル間でどのように互いに相関するかを実証し、したがって、胚体内胚葉及び胚体外内胚葉への、並びに中胚葉及び神経細胞型への分化の特異的パターンを強調する代表的な実験を図11～図14に示している。

30

【0222】

上記データを考慮すると、アクチビン用量の増大が、SOX17遺伝子発現の増大をもたらしたことが明らかである。さらに、このSOX17発現は、胚体外内胚葉とは対照的に主として胚体内胚葉を表した。この結論は、SOX17遺伝子発現が、AFP、SOX7及びSPARC遺伝子発現と逆相関したという観察から生じる。

【0223】

40

[実施例6]

胚体内胚葉へのヒトES細胞の指示された分化

ヒトES細胞培養物は、それらの未分化状態を活性で維持しない条件下で培養される場合に、無作為に分化する。この不均一分化は、壁側及び臓側内胚葉の両方から構成される胚体外内胚葉細胞（AFP、SPARC及びSOX7発現）並びにZIC1及びネスチン（外胚葉）及びブラキユリ（中胚葉）発現によりマークされるような初期外胚葉誘導体及び中胚葉誘導体の産生をもたらす。胚体内胚葉細胞出現は、ES細胞培養物における特異的抗体マーカーの欠如に関して実験又は特定されていない。それ自体で、またデフォルトで、ES細胞培養物における初期胚体内胚葉産生は、十分研究されていない。胚体内胚葉細胞に関する満足のいく抗体試薬が入手不可能であったため、特徴づけの大部分が、外胚葉

50

及び胚体外内胚葉に焦点を当ててきた。概して、無作為に分化された E S 細胞培養物において S O X 1 7^{hi} 胚体内胚葉細胞と比較して、有意な多数の胚体外細胞型及び神経外胚葉細胞型が存在する。

【 0 2 2 4 】

未分化 h E S C コロニーは線維芽細胞フィーダーの床上で拡大するため、コロニーの縁にある細胞は、コロニーの内部に存在する細胞とは異なった別の形態を呈する。これらの外側の縁細胞の多くが、それらのあまり一様ではない、より大きな細胞体の形態により、またより高いレベルの O C T 4 の発現により識別され得る。E S 細胞が分化し始めると、E S 細胞は、未分化 E S 細胞に関しての O C T 4 発現のレベルを上方又は下方へ変更させることが記載されている。未分化閾値を上回るか、又は下回る O C T 4 レベルの変更は、多能性状態から離れた分化の初期状態の表れであり得る。

10

【 0 2 2 5 】

未分化コロニーが S O X 1 7 免疫細胞化学により検査される場合、時折 S O X 1 7 陽性細胞の小さな 1 0 ~ 1 5 個の細胞クラスターが、外縁上の無作為な位置で、また未分化 h E S C コロニー間の接合部で検出された。上述したように、外側コロニー縁のこれらの散在ポケットは、コロニーのサイズが拡大し、且つより混雑してくるため、古典的な E S 細胞形態から離れて分化するための第 1 の細胞のいくつかであるようであった。より若くてより小さな完全未分化コロニー (1 mm 未満、4 ~ 5 日齢) は、コロニー内で又はコロニーの縁で S O X 1 7 陽性細胞を示さなかったのに対して、より時間の経過したより大きなコロニー (直径 1 ~ 2 mm、5 日齢超) は、いくつかのコロニーの外縁で、或いは上述の古典的な h E S C 形態を示さない縁に対して内部の領域で、S O X 1 7 陽性 A F P 陰性細胞の散発的な単離パッチを有していた。これが有効な S O X 1 7 抗体の第 1 の発達であると考え、かかる初期「未分化」E S 細胞培養物で発達する胚体内胚葉細胞は、これまでに実証されていない。

20

【 0 2 2 6 】

Q - P C R による S O X 1 7 及び S P A R C 遺伝子発現レベルの逆相関に基づくと、これらの S O X 1 7 陽性 A F P 陰性細胞の大部分が、抗体同時標識による壁側内胚葉マーカーに関して陰性であろう。これは、図 1 5 A 及び図 1 5 B に示されるように、T M 発現壁側内胚葉細胞に関して具体的に実証された。ノーダル因子であるアクチビン A 及び B への暴露は、T M 発現の強度及び T M 陽性細胞の数の劇的な減少をもたらした。アクチビン処理培養物に関する S O X 1 7、A F P 及び T M 抗体を使用した三重標識により、A F P 及び T M に関しても陰性である S O X 1 7 陽性細胞のクラスターが観察された (図 1 6 A ~ 図 1 6 D)。これらは、分化 h E S C 培養物における S O X 1 7 陽性胚体内胚葉細胞の第 1 の細胞の実証である (図 1 6 A ~ 図 1 6 D 及び図 1 7)。

30

【 0 2 2 7 】

上述の S O X 1 7 抗体及び Q - P C R ツールを用いて、本発明者等は、S O X 1 7^{hi} / A F P^{lo} / S P A R C / T M^{lo} 胚体内胚葉細胞となるように h E S C を効率的にプログラミングすることが可能な多数の手順を探究してきた。本発明者等は、S O X 1 7 遺伝子発現に関して Q - P C R により集団レベルで、及び S O X 1 7 タンパク質の抗体標識により個々の細胞のレベルで測定される場合、これらの細胞の数及び増殖能力を増大させることを目的とした様々な分化プロトコルを適用した。

40

【 0 2 2 8 】

本発明者等はまず、i n v i t r o 細胞培養物において胚性幹細胞から胚体内胚葉細胞を創出するのに使用するためのノーダル / アクチビン / B M P のような T G F β ファミリー成長因子の影響を分析及び記載した。通常の実験では、アクチビン A、アクチビン B、B M P 又はこれらの成長因子の組合せを未分化ヒト幹細胞系 h E S C y t - 2 5 の培養物へ添加して、分化プロセスを開始させた。

【 0 2 2 9 】

図 1 9 に示されるように、1 0 0 n g / m l でのアクチビン A の添加は、分化の 4 日目までに、未分化 h E S C に対して、S O X 1 7 遺伝子発現の 1 9 倍の誘導をもたらした。ア

50

クチピン A と共に、アクチピンファミリーの第 2 の成員であるアクチピン B を添加することにより、併用アクチピン処理の 4 日目までに、未分化 h E S C を上回る 3 7 倍の誘導がもたらされた。最後に、アクチピン A 及びアクチピン B と共に、ノーダル / アクチピン由来の T G F β ファミリーの第 3 の成員、並びに B M P サブグループである B M P 4 を添加することにより、未分化 h E S C の誘導の 5 7 倍に誘導を増大させた (図 1 9) 。アクチピン及び B M P による S O X 1 7 誘導を、因子無しの培地対照と比較した場合、5 倍、1 0 倍及び 1 5 倍の誘導が 4 日目の時点で生じた。アクチピン A 、 B 及び B M P による三重処理の 5 日目までに、S O X 1 7 は、h E S C の 7 0 倍より高く誘導された。これらのデータは、ノーダル / アクチピン T G F β ファミリー成員のより高い用量及びより長い処理時間が S O X 1 7 の増大された発現をもたらすことを示している。

10

【 0 2 3 0 】

ノーダル並びに関連分子アクチピン A 、 B 及び B M P は、*i n v i v o* 又は *i n v i t r o* で S O X 1 7 の発現及び胚体内胚葉形成を促進する。さらに、B M P の添加は、おそらくノーダル補助受容体である C r i p t o のさらなる誘導により、改善された S O X 1 7 の誘導をもたらす。

【 0 2 3 1 】

本発明者等は、B M P 4 と一緒にのアクチピン A 及び B の組合せが、S O X 1 7 誘導、したがって胚体内胚葉形成の相加的増大をもたらすことを実証している。アクチピン A 及び B と組み合わせた長期間 (4 日を超える) の B M P 4 添加は、壁側及び臓側内胚葉並びに胚体内胚葉において S O X 1 7 を誘導し得る。したがって、本発明のいくつかの実施形態では、添加の 4 日以内に処理から B M P 4 を除去することは有益である。

20

【 0 2 3 2 】

個々の細胞レベルでの T G F β 因子処理の影響を測定するために、経時的な T G F β 添加を、S O X 1 7 抗体標識を使用して検査した。すでに図 1 0 A ~ 図 1 0 F で示したように、経時的に S O X 1 7 標識細胞の相対数の劇的な増大が見られた。相対定量化 (図 2 0) は、S O X 1 7 標識細胞の 2 0 倍を超える増大を示す。この結果は、細胞の数並びに S O X 1 7 遺伝子発現レベルの両方が、T G F β 因子暴露の時間とともに増大していることを示す。図 2 1 に示されるように、ノーダル、アクチピン A 、アクチピン B 及び B M P 4 への暴露の 4 日後に、S O X 1 7 誘導のレベルは、未分化 h E S C に対して 1 6 8 倍に到達した。図 2 2 は、S O X 1 7 陽性細胞の相対数もまた、用量応答性であったことを示す。1 0 0 n g / m l 又はそれ以上のアクチピン A 用量は、S O X 1 7 遺伝子発現及び細胞数を強力に誘導することが可能であった。

30

【 0 2 3 3 】

T G F β ファミリー成員のほかに、W n t ファミリーの分子が、胚体内胚葉の特定化及び / 又は維持において役割を果たし得る。W n t 分子の使用もまた、アクチピン単独を上回るアクチピン + W n t 3 a で処理したサンプルにおける増大した S O X 1 7 遺伝子発現により示されるように、胚体内胚葉への h E S C の分化に有益であった (図 2 3) 。

【 0 2 3 4 】

上述の実験はすべて、添加因子を伴って 1 0 % 血清を含有する組織培養培地を使用して実施した。驚くべきことに、図 2 4 A ~ 図 2 4 C に示されるように、血清の濃度が、添加アクチピンの存在下で S O X 1 7 発現のレベルに対して影響することを本発明者等は発見した。血清レベルが 1 0 % から 2 % へ低減すると、S O X 1 7 発現は、アクチピン A 及び B の存在下で 3 倍になった。

40

【 0 2 3 5 】

最後に、本発明者等は、アクチピン誘導 S O X 1 7 + 細胞が、図 2 5 A ~ 図 2 5 D に表されるように培養物中で分裂することを実証した。矢印は、P C N A / D A P I 標識有糸分裂プレートパターン及び位相差有糸分裂プロフィールにより明らかなように有糸分裂中である S O X 1 7 / P C N A / D A P I で標識された細胞を示す。

【 0 2 3 6 】

[実施例 7]

50

ケモカイン受容体4 (CXCR4) 発現は、胚体内胚葉に関するマーカーと相関し、中胚葉、外胚葉又は臓側内胚葉に関するマーカーとは相関しない

上述したように、hESCは、TGFβファミリー、より具体的にはアクチビン/ノードルサブファミリーのサイトカインの適用により、胚体内胚葉の胚葉へ分化するように誘導することができる。さらに、本発明者等は、分化培養培地におけるウシ胎児血清 (FBS) の比率が、hESCからの胚体内胚葉分化の効率に影響を及ぼすことを示している。この影響は、培地においてアクチビンAの所定濃度で、より高いレベルのFBSが胚体内胚葉への最大限の分化を阻害するようなものである。外因性アクチビンAの非存在下では、胚体内胚葉系統へのhESCの分化は、非常に非効率であり、FBS濃度は、hESCの分化プロセスに対して相当穏やかに影響する。

10

【0237】

これらの実験では、0.5%、2.0%又は10% FBSを補充し、且つ100 ng/mlのアクチビンAを伴うか、又は伴わないRPMI培地 (Invitrogen, Carlsbad, CA; cat # 61870-036) 中で6日間成長させることにより、hESCを分化させた。さらに、分化の最初の3日間にわたる0.5%~2.0%に及ぶFBSのグラジエントもまた、100 ng/mlのアクチビンAと併用した。6日後に、反復サンプルを各培養条件から収集して、リアルタイム定量的PCRにより相対遺伝子発現に関して分析した。残存細胞は、SOX17タンパク質の免疫蛍光検出用に固定した。

【0238】

CXCR4の発現レベルは、使用した7つの培養条件にわたって劇的に変化した (図26)。概して、CXCR4発現は、アクチビンA処理培養物 (A100) では高く、外因性アクチビンAを施さない培養物 (NF) では低かった。さらに、A100処理培養物の中でも、CXCR4発現は、FBS濃度が最も低かった場合に最も高かった。相対発現が、アクチビンAを施さない条件 (NF) により一致するように、10% FBS条件におけるCXCR4レベルの顕著な低減が見られた。

20

【0239】

上述したように、SOX17、GSC、MIXL1及びHNF3β遺伝子の発現は、胚体内胚葉としての細胞の特性化と一致する。7つの分化条件に関するこれらの4つの遺伝子の相対発現は、CXCR4の相対発現を反映する (図27A~図27D)。このことは、CXCR4もまた胚体内胚葉のマーカーであることを実証する。

30

【0240】

外胚葉及び中胚葉系統は、各種マーカーのそれらの発現により胚体内胚葉と識別することができる。初期中胚葉は、遺伝子ブラキュリ及びMOX1を発現する一方で、新生神経外胚葉は、SOX1及びZIC1を発現する。図28A~図28Dは、外因性アクチビンAを施さない培養物が、中胚葉及び外胚葉遺伝子発現に関して優先的に富化されたこと、及びアクチビンA処理培養物の中でも、10% FBS条件がまた、中胚葉及び外胚葉マーカー発現の増大レベルを有したことを実証している。発現のこれらのパターンはCXCR4のパターンと反比例し、CXCR4が、この発達期間にhESCに由来する中胚葉又は外胚葉中ではそれほど高度に発現されないことを示した。

【0241】

哺乳類発達中の初期に、胚体外系統への分化もまた起こる。ここでは、SOX17を包含する胚体内胚葉と共通して多くの遺伝子の発現を共有する臓側内胚葉の分化が特に関連している。胚体内胚葉を胚体外臓側内胚葉と識別するためには、これらの2つの間を識別できるマーカーを検査するべきである。SOX7は、臓側内胚葉では発現されるが、胚体内胚葉系統では発現されないマーカーを表す。したがって、SOX7発現の非存在下での強健なSOX17遺伝子発現を示す培養条件は、胚体内胚葉を含有し、臓側内胚葉を含有しない可能性が高い。SOX7が、アクチビンAを施さない培養において高度に発現され、SOX7はまた、FBSが10%で包含される場合に、アクチビンAの存在下でさえ増大された発現を示したことが図28Eに示されている。このパターンは、CXCR4発現パターンの逆であり、CXCR4が、臓側内胚葉ではあまり高度に発現されないことを示唆

40

50

する。

【0242】

上述の分化条件それぞれに存在するSOX17免疫反応性(SOX17+)細胞の相対数もまた測定した。hESCは、高用量アクチビンA及び低FBS濃度(0.5%~2.0%)の存在下で分化させた場合、SOX17+細胞は、培養物全体にわたって遍在的に分布した。高用量アクチビンAを使用した、FBSは10%(v/v)で包含された場合、SOX17+細胞は、相当低い頻度で出現し、培養物全体にわたって均一に分布されるのではなく、常に単離クラスターに出現した(図29A及び図29C、並びに図29B及び図29E)。外因性アクチビンAが使用されなかった場合に、SOX17+細胞のさらなる減少が観察された。これらの条件下では、SOX17+細胞はまたクラスターに出現し、これらのクラスターは、高アクチビンA低FBS処理で見出されるものよりも小さく、且つ相当稀であった(図29C及び図29F)。これらの結果は、CXCR4発現パターンが、各条件下で胚体内胚葉遺伝子発現に対応するだけでなく、胚体内胚葉細胞の数にも対応することを実証している。

10

【0243】

[実施例8]

胚体内胚葉に関して富化する分化条件は、CXCR4陽性細胞の比率を増大させるアクチビンAの用量はまた、胚体内胚葉がhESCから得られ得る効率に影響を及ぼす。この実施例は、アクチビンAの用量を増大させることにより培養物におけるCXCR4+細胞の比率が増大することを実証する。

20

【0244】

hESCは、0.5%~2%FBS(分化の最初の3日にわたって0.5%から1.0%、そして2.0%へ増大される)及び0、10又は100ng/mlのアクチビンAを補充したRPMI培地中で分化させた。分化の7日後に、2%FBS及び2mM(EDTA)を含有するCa²⁺/Mg²⁺を伴わないPBS中で、室温で5分間、細胞を解離させた。細胞は、35µmナイロンフィルタに通して濾過して、計数して、ペレット化した。ペレットは、少容量の50%ヒト血清/50%正常ロバ血清中に再懸濁させて、氷上で2分間インキュベートして、非特異的抗体結合部位をブロックした。これに、50µl(およそ105個の細胞を含有する)当たりマウス抗CXCR4抗体(Abcam、cat# ab10403-100)1µlを添加して、氷上で45分間ラベリングした。細胞は、2%ヒト血清を含有するPBS(緩衝液)5mlを添加することにより洗浄して、ペレット化した。緩衝液5mlによる第2の洗浄を完了させた後、細胞は、105個の細胞当たり緩衝液50µl中に再懸濁させた。二次抗体(FITC結合ロバ抗マウス、Jackson ImmunoResearch、cat# 715-096-151)を最終濃度5µg/mlで添加して、30分間標識させた後、上述のように緩衝液中で2回洗浄を行った。細胞は、緩衝液中に5×10⁶個の細胞/mlで再懸濁させて、フローサイトメトリーの中心的な施設(The Scripps Research Institute)にてスタッフによりFACS Vantage(Beckton Dickinson)を使用して分析及び選別した。細胞は、これに続くリアルタイム定量的PCRによる遺伝子発現分析用の総RNAの単離のために、RLT溶解緩衝液(Qiagen)へ直接収集した。

30

【0245】

フローサイトメトリーにより測定される場合のCXCR4+細胞の数は、アクチビンAの容量が分化培養培地中で増大されると、劇的に増大することが観察された(図30A~図30C)。CXCR4+細胞は、R4ゲート内に納まり、このゲートは、事象の0.2%がR4ゲートに位置される二次抗体のみの対照を使用して設定された。CXCR4+細胞の劇的に増大する数は、アクチビンA用量が増大される場合に、胚体内胚葉遺伝子発現における強健な増大と相関する(図31A~図31D)。

40

【0246】

[実施例9]

CXCR4陽性細胞の単離は、胚体内胚葉遺伝子発現に関して富化し、また中胚葉、外胚葉及び臓側内胚葉のマーカーを発現する細胞を激減させる

50

上記実施例 8 で同定される C X C R 4 + 及び C X C R 4 - 細胞を収集して、相対遺伝子発現に関して分析し、母集団の遺伝子発現を同時に測定した。

【 0 2 4 7 】

C X C R 4 遺伝子発現の相対レベルは、アクチビン A の用量の増大に伴って劇的に増大した (図 3 2)。これは、C X C R 4 + 細胞のアクチビン A 用量依存的増大と極めて強く相関した (図 3 0 A ~ 図 3 0 C)。また、各集団からの C X C R 4 + 細胞の単離は、この集団におけるほぼすべての C X C R 4 遺伝子発現を占めたことも明らかである。これは、これらの細胞を収集するための F A C S 方法の効率を実証している。

【 0 2 4 8 】

遺伝子発現分析により、C X C R 4 + 細胞は、C X C R 4 遺伝子発現の大部分を含有するだけでなく、C X C R 4 + 細胞はまた、胚体内胚葉の他のマーカーに関する遺伝子発現も含有することが明らかとなった。図 3 1 A ~ 図 3 1 D に示されるように、C X C R 4 + 細胞はさらに、S O X 1 7、G S C、H N F 3 B 及び M I X L 1 に関して母 A 1 0 0 集団を上回って富化した。さらに、C X C R 4 - 分画は、これらの胚体内胚葉マーカーに関して非常に少ない遺伝子発現を含有した。さらに、C X C R 4 + 及び C X C R 4 - 集団は、中胚葉、外胚葉及び胚体外内胚葉のマーカーに関して逆パターンの遺伝子発現を示した。図 3 3 A ~ 図 3 3 D は、C X C R 4 + 細胞が、A 1 0 0 母集団に対してブラキュリ、M O X 1、Z I C 1 及び S O X 7 の遺伝子発現に関して激減したことを示す。この A 1 0 0 母集団は、低用量条件又はアクチビン A 無しの条件に対して、これらのマーカーの発現がすでに低かった。これらの結果は、高アクチビン A の存在下で分化される h E S C からの C X C R 4 + 細胞の単離は、胚体内胚葉に関して高度に富化され、且つ実質的に純粋な胚体内胚葉である集団を生じることを示す。

【 0 2 4 9 】

[実施例 1 0]

C X C R 4 を使用した細胞集団における胚体内胚葉細胞の定量化

本明細書中ですでに確定されるような、及び 2 0 0 3 年 1 2 月 2 3 日に出願された「胚体内胚葉 (DEFINITIVE ENDODERM)」と題する米国仮特許出願第 6 0 / 5 3 2 , 0 0 4 号で測定されるような細胞培養物又は細胞集団中に存在する胚体内胚葉細胞の比率の定量化を確認するために、C X C R 4 及び胚体内胚葉の他のマーカーを発現する細胞を F A C S により分析した。

【 0 2 5 0 】

上記実施例に記載されるような方法を使用して、h E S C を分化させて、胚体内胚葉を産生した。特に、分化細胞培養物における収率及び純度を増大させるために、培地の血清濃度を以下の通りに制御した：1 日目には 0 . 2 % F B S、2 日目には 1 . 0 % F B S 及び 3 ~ 6 日目には 2 . 0 % F B S。分化培養物は、3 つの細胞表面エプトープである E - カドヘリン、C X C R 4 及び トロンボモジュリンを使用して、F A C S により選別した。続いて、選別した細胞集団を Q - P C R により分析して、胚体及び胚体外内胚葉並びに他の細胞型に関するマーカーの相対発現レベルを測定した。最適に分化させた培地から採取される C X C R 4 選別した細胞は、9 8 % を超える純度の胚体内胚葉細胞の単離をもたらした。

【 0 2 5 1 】

表 2 は、本明細書中に記載する方法を使用して h E S C から分化させた胚体内胚葉培養物に関するマーカー分析の結果を示す。

【 0 2 5 2 】

【表 2】

マーカー	表 2 胚体内胚葉培養物の組成			
	培養物のパーセント	胚体内胚葉のパーセント	胚体外内胚葉のパーセント	h E S 細胞のパーセント
S O X 1 7	7 0 - 8 0	1 0 0		
トロンボモジュリン	< 2	0	7 5	
A F P	< 1	0	2 5	
C X C R 4	7 0 - 8 0	1 0 0	0	
E C A D	1 0	0		1 0 0
他 (E C A D 陰性)	1 0 - 2 0			
総計	1 0 0	1 0 0	1 0 0	1 0 0

10

【 0 2 5 3 】

特に、表 2 は、C X C R 4 及び S O X 1 7 陽性細胞（内胚葉）が細胞培養物における細胞の 7 0 ~ 8 0 % を構成したことを示す。これらの S O X 1 7 発現細胞のうち、2 % 未満が T M（壁側内胚葉）を発現し、1 % 未満が A F P（臓側内胚葉）を発現した。T M 陽性細胞及び A F P 陽性細胞の比率（組み合わせた壁側内胚葉及び臓側内胚葉、総計 3 %）を S O X 1 7 / C X C R 4 陽性細胞の比率から差し引きした後、細胞培養物の約 6 7 % ~ 約 7 7 % が胚体内胚葉であったことが観察され得る。およそ 1 0 % の細胞が、h E S C に関するマーカーである E - カドヘリン（E C A D）に関して陽性であり、細胞の約 1 0 ~ 2 0 % が他の細胞型であった。

20

【 0 2 5 4 】

F A C S 分離前に得られる分化細胞培養物における胚体内胚葉の純度は、5 ~ 6 日の分化手順全体にわたって 0 . 5 % 以下で F B S 濃度を維持することにより、上述の低血清手順と比較して改善させることができることを本発明者等は発見している。しかしながら、5 ~ 6 日の分化手順全体にわたって 0 . 5 % 以下で細胞培養物を維持することはまた、産生される総胚体内胚葉細胞の数の低減をもたらす。

【 0 2 5 5 】

本明細書中に記載する方法により産生される胚体内胚葉細胞は、それほどの分化を伴わずに 5 0 日より長い間、アクチビンの存在下で培養において維持及び拡大されている。かかる場合では、S O X 1 7、C X C R 4、M I X L 1、G A T A 4、H N F 3 β 発現は、培養期間にわたって維持される。さらに、T M、S P A R C、O C T 4、A F P、S O X 7、Z I C 1 及び B R A C H は、これらの培養物では検出されなかった。かかる細胞は、それほどの分化を伴わずに 5 0 日より実質的に長い間、培養において維持及び拡大させることができる可能性が高い。

30

【 0 2 5 6 】

[実施例 1 1]

胚体内胚葉細胞のさらなるマーカー

以下の実験では、精製された胚体内胚葉及びヒト胚性幹細胞集団から R N A を単離した。続いて、遺伝子発現は、各精製された集団からの R N A の遺伝子チップ分析により分析した。Q - P C R も実施して、胚体内胚葉に関するマーカーとして、胚体内胚葉では発現されるが、胚性幹細胞では発現されない遺伝子の潜在性をさらに研究した。

40

【 0 2 5 7 】

ヒト胚性幹細胞（h E S C）は、2 0 % ノックアウト血清代替物、4 n g / m l の組換えヒト塩基性線維芽細胞成長因子（b F G F）、0 . 1 m M 2 - メルカプトエタノール、L - グルタミン、非必須アミノ酸及びペニシリン / ストレプトマイシンを補充した D M E M / F 1 2 培地中で維持された。h E S C は、1 0 0 n g / m l の組換えヒトアクチビン A、ウシ胎児血清（F B S）及びペニシリン / ストレプトマイシンを補充した R P M I 培地中で 5 日間培養することにより胚体内胚葉へ分化させた。F B S の濃度は、毎日以下の通りに変化させた：0 . 1 %（1 日目）、0 . 2 %（2 日目）、2 %（3 ~ 5 日目）。

50

【0258】

遺伝子発現分析のために h E S C 及び胚体内胚葉の精製集団を得るために、細胞を蛍光標示式細胞分取器 (F A C S) により単離した。免疫精製は、h E S C に関しては S S E A 4 抗原 (R & D Systems、c a t # F A B 1 4 3 5 P) を使用して、また胚体内胚葉に関しては C X C R 4 (R & D Systems、c a t # F A B 1 7 0 P) を使用して達成された。細胞は、トリプシン / E D T A (Invitrogen、c a t # 2 5 3 0 0 - 0 5 4) を使用して解離させて、2 % ヒト血清を含有するリン酸緩衝生理食塩水 (P B S) 中で洗浄して、氷上で 1 0 分間 1 0 0 % ヒト血清中に再懸濁させて、非特異的結合をブロックした。染色は、ヒト血清 8 0 0 μ l 中で 5×10^6 個の細胞にフィコエリトリン結合抗体 2 0 0 μ l を添加することにより氷上で 3 0 分間実施した。細胞を P B S 緩衝液 8 m l で 2 度洗浄して、同 1 m l 中に再懸濁させた。F A C S 単離は、F A C S V a n t a g e (B D Biosciences) を使用して、The Scripps Research Institute の中心的な施設により実施された。細胞は、R L T 溶解緩衝液へ直接収集して、R N A は、製造業者の指示書に従って R N e a s y (Qiagen) により単離した。

10

【0259】

精製された R N A は、A f f y m e t r i x プラットフォーム及び U 1 3 3 P l u s 2 . 0 高密度オリゴヌクレオチドアレイを使用して、発現プロファイルデータの作成のために Expression Analysis (Durham, NC) へ正副 2 通提出した。提示されたデータは、2 つの集団、すなわち h E S C と胚体内胚葉の間で差次的に発現する遺伝子を同定する群の比較である。h E S C に見出される発現レベルを上回る発現レベルの頑強な上方変化を示す遺伝子は、胚体内胚葉の高度に特性化される新たな候補マーカーとして選択された。選択遺伝子は、上述のように Q - P C R によりアッセイして、遺伝子チップ上に見られる遺伝子発現変化を確認し、また h E S C 分化の経時変化中のこれらの遺伝子の発現パターンを研究した。

20

【0260】

図 3 4 A ~ 図 3 4 M は、或る特定のマーカーに関する遺伝子発現の結果を示す。結果は、1 0 0 n g / m l アクチビン A の添加の 1 日後、3 日後及び 5 日後に分析した細胞培養物、5 日目の分化手順の終わりに精製された C X C R 4 発現性胚体内胚葉細胞 (C X D E) に関して、及び精製 h E S C において表示される。図 3 4 C 及び図 3 4 G ~ 図 3 4 M の比較により、6 つのマーカー遺伝子、すなわち F G F 1 7 、V W F 、C A L C R 、F O X Q 1 、C M K O R 1 及び C R I P 1 が、互いにほぼ一致し、且つまた C X C R 4 の発現のパターン及び S O X 1 7 / S O X 7 の比と同一である発現パターンを示す。上述したように、S O X 1 7 は、胚体内胚葉並びに S O X 7 発現胚体外内胚葉の両方において発現される。S O X 7 は胚体内胚葉で発現されないため、S O X 1 7 / S O X 7 の比は、全体として集団において証明される S O X 1 7 発現への胚体内胚葉の寄与の信頼性高い推定を提供する。パネル C に対するパネル G ~ L 及び M の類似性は、F G F 1 7 、V W F 、C A L C R 、F O X Q 1 、C M K O R 1 及び C R I P 1 が、胚体内胚葉のマーカーである可能性が高いこと、及びそれらが胚体外内胚葉細胞で有意に発現されないことを示す。

30

【0261】

本明細書中に記載される Q - P C R の結果は、I C C によりさらに確認することができることが理解されよう。

40

【0262】

[実施例 12]

レチノイン酸及び F G F - 1 0 は、胚体内胚葉培養物において特異的に P D X 1 を誘導する

以下の実験は、R A 及び F G F - 1 0 が胚体内胚葉細胞において P D X 1 の発現を誘導することを実証する。

【0263】

ヒト胚性幹細胞をアクチビン有り又は無しで 4 日間培養した。4 日目に、1 μ M R A 及び 5 0 n g / m l F G F - 1 0 を細胞培養物へ添加した。R A / F G F - 1 0 添加の 4

50

8 時間後に、P D X 1 マーカー遺伝子及び前腸内胚葉に特異的でない他のマーカー遺伝子の発現を Q - P C R により定量した。

【 0 2 6 4 】

胚体内胚葉細胞への R A の適用は、臓側内胚葉 (S O X 7 、 A F P) 、神経 (S O X 1 、 Z I C 1) 又はニューロン (N F M) 遺伝子発現マーカーの発現を増大させずに (図 3 6 A ~ 図 3 6 F) 、 P D X 1 遺伝子発現の頑強な増大を引き起こした (図 3 5 を参照) 。 P D X 1 遺伝子発現は、 $1 \mu\text{M}$ R A 及び 50 ng/ml F G F - 10 への暴露の 48 時間後に、胚体内胚葉において観察されるものよりもおよそ 500 倍高いレベルまで誘導された。さらに、これらの結果は、実質的な P D X 1 誘導が、R A 適用に先立ってアクチピンを施さない培養物に比べてアクチピン処理細胞培養物に見出される 160 倍高い P D X 1 発現により示されるように、胚体内胚葉 (S O X 17) に予め分化させた細胞培養物においてのみ起こったことを示す。

10

【 0 2 6 5 】

[実施例 13]

F G F - 10 は、R A 単独を上回る P D X 1 発現のさらなる増大を提供する

この実施例は、R A 及び F G F - 10 の組合せが、R A 単独よりも大いに P D X 1 発現を誘導することを示す。

【 0 2 6 6 】

これまでの実施例と同様に、h E S C は、アクチピン有り又は無しで 4 日間培養した。4 日目に、細胞を以下のうちの 1 つで処理した： $1 \mu\text{M}$ R A 単独、F G F - 4 又は F G F - 10 のいずれかと併用した $1 \mu\text{M}$ R A 、或いは F G F - 4 及び F G F - 10 の両方と併用した $1 \mu\text{M}$ R A 。P D X 1 、S O X 7 及び N F M の発現は、R A 又は R A / F G F の 96 時間後に、Q - P C R により定量された。

20

【 0 2 6 7 】

アクチピン、これに続くレチノイン酸による h E S C 培養物の処理は、P D X 1 遺伝子発現の 60 倍の増大を誘導した。R A 処理への F G F - 4 の添加は、わずかに多い P D X 1 を誘導した (R A 単独に対しておよそ 3 倍) 。しかしながら、F G F - 10 及びレチノイン酸を共に添加することにより、P D X 1 の誘導はさらに、R A 単独に対して 60 倍増強された (図 3 7 A を参照) 。この非常に頑強な P D X 1 誘導は、アクチピン無し又は R A / F G F 処理を用いた場合よりも 1400 倍超高かった。興味深いことに、F G F - 4 及び F G F - 10 の添加は、F G F - 10 の有益な効果を同時に根絶させて、F G F - 4 添加に起因して少量の P D X 1 の増大のみをもたらした。

30

【 0 2 6 8 】

R A / F G F - 4 又は R A / F G F - 10 の組合せの添加は、R A / F G F の組合せに暴露させない細胞と比較した場合、前腸内胚葉に関連しないマーカー遺伝子の発現を増大させなかった (図 3 7 B 及び図 3 7 C を参照) 。

【 0 2 6 9 】

[実施例 14]

レチノイン酸用量は、*in vitro* で前方 - 後方 (A - P) 位置に影響を及ぼす

R A の用量が *in vitro* 細胞培養物の A - P 位置に影響を及ぼすかどうかを判定するために、以下の実験を実施した。

40

【 0 2 7 0 】

ヒト胚性幹細胞は、アクチピン有り又は無しで 4 日間培養した。4 日目に、 50 ng/ml での F G F - 10 は、 $0.04 \mu\text{M}$ 、 $0.2 \mu\text{M}$ 又は $1.0 \mu\text{M}$ で、R A を併用して培養物へ添加された。P D X 1 マーカー遺伝子の発現並びに前腸内胚葉に特異的でない他のマーカーの発現を Q - P C R により定量化した。

【 0 2 7 1 】

50 ng/ml での F G F - 10 と併用した様々な用量でのレチノイン酸の添加は、特異的な前方 - 後方位置的パターンと相関する差次的遺伝子発現パターンを誘導した。R A の最高用量 ($1 \mu\text{M}$) は、前方の内胚葉マーカー (H O X A 3) の発現を優先的に誘導し

50

、また P D X 1 の最も頑強な増大をもたらした (図 3 8 A 及び図 3 8 B) 。 R A の中間的な用量 (0 . 2 μ M) は、中腸内胚葉マーカー (C D X 1 、 H O X C 6) を誘導した (図 3 8 C 及び図 4 1 E を参照) のに対して、R A の最小用量 (0 . 0 4 μ M) は、後腸内胚葉のマーカー (H O X A 1 3) を優先的に誘導した (図 3 8 D を参照) 。 R A 用量は、神経 (S O X 1) 又はニューロン (N F M) マーカーのいずれかの相対発現に対して実質的に影響しなかった (図 3 8 F 及び図 3 8 G を参照) 。この実施例は、*in vitro* でモルフォゲンとしての、特に分化 h E S C の内胚葉誘導体のモルフォゲンとしての R A の使用を強調する。

【 0 2 7 2 】

[実施例 1 5]

B 2 7 サプリメントの使用は、P D X 1 の発現を増強する

胚体内胚葉における P D X 1 発現は、多数の因子の使用及び細胞成長 / 分化状態により影響を与え得る。以下の実験では、B 2 7 サプリメントの使用が胚体内胚葉細胞において P D X 1 の発現を増強することを示す。

【 0 2 7 3 】

ヒト胚性幹細胞は、マウス胚線維芽細胞フィーダー上で成長させた未分化 h E S 細胞を高用量のアクチビン A (0 . 5 ~ 2 % F B S / D M E M / F 1 2 中 1 0 0 ~ 2 0 0 n g / m l) で 4 日間処理することにより胚体内胚葉へ分化するように誘導された。アクチビン A 無しの対照に、アクチビン A を添加せずに 0 . 5 ~ 2 % F B S / D M E M / F 1 2 を施した。4 日目に、培養物に、2 % F B S 中のアクチビン A 無し (無し) 及び 2 % 血清代替物中のアクチビン A 無し (S R) 、又は 2 % F B S / D M E M / F 1 2 中の 2 μ M R A 及び 5 0 n g / m l F G F - 1 0 と共に 5 0 n g / m l のアクチビン A (無し、+ F B S 、+ B 2 7) 、並びに同様に 2 % 血清代替物 (S R) の 2 μ M R A 及び 5 0 n g / m l F G F - 1 0 と共に 5 0 n g / m l のアクチビン A のいずれかを施した。B 2 7 サプリメント (Gibco / BRL) は、2 % F B S / D M E M / F 1 2 へ直接 1 / 5 0 希釈として添加した (+ B 2 7) 。二重反復細胞サンプルを各点に関して採取して、総 R N A を単離して、上述のように Q - P C R へ付した。

【 0 2 7 4 】

図 3 9 A ~ 図 3 9 E は、無血清サプリメント B 2 7 が、血清無しで成長させた細胞におけるかかるマーカー遺伝子発現と比較した場合、前腸内胚葉に特異的でないマーカー遺伝子の発現の増大を誘導することなく、P D X 1 遺伝子発現の誘導にさらなる有益性を提供することを示す。

【 0 2 7 5 】

[実施例 1 6]

P D X 1 の誘導を増強するためのアクチビン B の使用

この実施例は、アクチビン B の使用が、*in vitro* 細胞培養物において P D X 1 陽性細胞への P D X 1 陰性細胞の分化を増強することを示す。

【 0 2 7 6 】

ヒト胚性幹細胞は、マウス胚線維芽細胞フィーダー上で成長させた未分化 h E S 細胞を低血清 / R P M I 中の高用量のアクチビン A (5 0 n g / m l) で 6 日間処理することにより胚体内胚葉へ分化するように誘導された。F B S 用量は、1 日目に 0 % 、2 日目に 0 . 2 % 、及び 3 ~ 6 日目に 2 % であった。胚体内胚葉産生に関する陰性対照 (N F) には、アクチビン A を添加せずに 2 % F B S / R P M I を施した。P D X 1 発現を誘導するために、培養物それぞれに、6 日目に 2 % F B S / R P M I 中で 2 μ M にてレチノイン酸を施した。1 日目 ~ 5 日目にアクチビン A で処置した培養物に、種々の投与組合せのアクチビン A 及びアクチビン B を供給したか、或いは 5 0 n g / m l でのアクチビン A 単独中の状態のままであった。アクチビン A 無しの対照培養物 (N F) にはアクチビン A もアクチビン B も供給しなかった。この R A / アクチビン処理は 3 日間実施して、3 日目に P D X 1 遺伝子発現を二重反復細胞サンプルからの Q - P C R により測定した。

【 0 2 7 7 】

図40Aは、25 ng/ml (A25)又は50 ng/ml (A50)のアクチビンAの存在下での10~50 ng/ml (a10、a25及びa50)の範囲の用量でのアクチビンBの添加が、50 ng/mlでアクチビンAのみを施した培養物を少なくとも2倍越えてPDX1発現を増大させたことを示す。アクチビンBの添加の結果としてのPDX1の増大は、発達におけるこの時点で肝臓並びに膵臓に関するマーカーであるHNF6発現の増大を伴わなかった(図40Bを参照)。この結果は、膵臓へ分化している細胞の比率が肝臓に比べて増大していることを示唆する。

【0278】

[実施例17]

PDX1の誘導を増強するための血清用量の使用

胚体内胚葉細胞におけるPDX1の発現は、分化プロセス全体にわたって細胞培養物中に存在する血清の量により影響を受ける。以下の実験は、PDX1陰性胚体内胚葉へのhESCの分化中の培養物における血清のレベルが、PDX1陽性内胚葉へのこれらの細胞のさらなる分化中のPDX1の発現に影響したことを示す。

【0279】

ヒト胚性幹細胞は、マウス胚線維芽細胞フィーダー上で成長させた未分化hESCを、低血清/RPMI中の高用量のアクチビンA(100 ng/ml)で5日間処理することにより胚体内胚葉へ分化するように誘導された。FBS用量は、1日目に0.1%、2日目に0.5%、及び3~5日目に0.5%、2%又は10%のいずれかであった。アクチビンA無しの対照(NF)には、毎日同じFBS/RPMI投与を施したが、アクチビンAは添加しなかった。PDX1発現は、RAの添加により6日目を開始して誘導した。6~7日目に、培養物に、0.5%FBS/RPMI中で2 µMにて、8日目に1 µMにて、及び9~11日目に0.2 µMにてレチノイン酸を施した。アクチビンAは、レチノイン酸処理中50 ng/mlへ低減させて、アクチビンA無しの対照(NF)から取り去った。

【0280】

図41Aは、3日間の胚体内胚葉誘導(3日目、4日目及び5日目)中のFBS投与は、レチノイン酸処理中にPDX1遺伝子発現の誘導を変化させる持続的な能力を有したことを示す。これは、ZIC1(図41B)又はSOX7(図41C)遺伝子発現の発現パターンの有意な変更を伴わなかった。

【0281】

[実施例18]

PDX1の誘導を増強するための条件培地の使用

また、胚体内胚葉細胞におけるPDX1の発現に影響を与える他の因子及び成長条件を研究した。以下の実験は、PDX1陽性内胚葉細胞へのPDX1陰性胚体内胚葉細胞の分化に対する条件培地の影響を示す。

【0282】

ヒト胚性幹細胞は、マウス胚線維芽細胞フィーダー上で成長させた未分化hESC細胞を、低血清/RPMI中の高用量のアクチビンA(100 ng/ml)で5日間処理することにより胚体内胚葉へ分化するように誘導された。FBS用量は、1日目に0.2%、2日目に0.5%、及び3~5日目に2%であった。

【0283】

続いて、5日間のアクチビンA処理により生成された胚体内胚葉培養物は、25 ng/mlでアクチビンAを含有する2%FBS/RPMI中でのRAの添加により、PDX1発現内胚葉へ分化するように4日間誘導させた。RAは、添加の最初の2日間に関しては2 µM、3日目には1 µM、及び4日目には0.5 µMであった。PDX1誘導に関するこの基本培地は、新鮮な状態で(2A25R)或いは4つの異なる細胞集団のうちの1つにより24時間条件付けした後に供給された。条件培地(CM)は、マウス胚線維芽細胞(MEF CM)から、或いは3つの条件; i) 3%FBS/RPMI(CM2)又はii) アクチビンA(CM3)又はiii) 骨形態形成タンパク質4(BMP4)(CM4)の

10

20

30

40

50

うちの1つによりまず5日間分化させたhESCから生成した。アクチビンA又はBMP4因子は、上述したものと同じFBS投与レジメン(0.2%、0.5%、2%)下で100ng/mlで供給された。これらの3つの異なる分化パラダイムは、PDx1誘導培地が条件付けられ得るヒト細胞の3つの非常に異なる集団を生じる。成長因子を添加しない3%FBS(NF)は、大部分が胚体外内胚葉、外胚葉及び中胚葉細胞で構成される不均一集団を生じる。アクチビンA処理培養物(A100)は、大部分の胚体内胚葉をもたらす。BMP4処理培養物(B100)は、主として栄養外胚葉及び幾らかの胚体外内胚葉をもたらす。

【0284】

図42Aは、PDx1が最初の2日間のRA処理にわたって新鮮な培地及び条件培地において同等に誘導されたことを示す。しかしながら、3日目までには、PDx1発現は、新鮮な培地及びMEF条件培地処理において減少し始めた。分化されたhESCは、維持、或いは新鮮な培地よりも3~4倍高いレベルでPDx1遺伝子発現のさらなる増大をもたらす条件培地を生じた。hESC条件培地において高PDx1発現を維持する効果はさらに、RA処理の4日目に増幅されて、新鮮な培地よりも6~7倍高いレベルを達成した。図42Bは、条件培地処理が、CDx1遺伝子発現の相当低いレベルをもたらす、遺伝子は、PDx1発現内胚葉の領域では発現されなかったことを示す。これは、PDx1発現内胚葉の全体的な純度が、分化されたhESC培養物から生成される条件培地で胚体内胚葉を処理することによりかなり増強されたことを示している。

【0285】

図43は、PDx1遺伝子発現が、胚体内胚葉細胞へ適用させる条件培地の量に対する明白な用量応答を示したことを示す。各プレートへ添加される培地の総容量は5mlであり、条件培地の指示容量(図43を参照)は、新鮮な培地(A25R)へ希釈した。新鮮な培地4mlへ添加される条件培地ちょうど1mlは、依然として新鮮な培地単独5mlよりも高いPDx1発現レベルを誘導及び維持することが可能であったことに注目されたい。これは、PDx1発現内胚葉の誘導に関する条件培地の有益な影響が、細胞から条件培地への幾らかの物質(単数又は複数)の放出に依存的であること、及びこの物質(単数又は複数)が、PDx1発現内胚葉の産生を用量依存的に増強することを示唆する。

【0286】

[実施例19]

PDx1へ結合する抗体の確証

PDx1へ結合する抗体は、細胞集団におけるPDx1発現の誘導をモニタリングするための有用なツールである。この実施例は、PDx1に対するウサギポリクローナル抗体及びIgY抗体を使用して、このタンパク質の存在を検出することができることを示す。

【0287】

第1の実験では、細胞可溶化物におけるPDx1と結合するIgY抗PDx1(IgY α -PDx1)抗体をウェスタンブロット分析により確証した。この分析で、MDX12ヒト線維芽細胞又はPDx1発現ベクターで予め24時間トランスフェクトしたMDX12細胞由来の総細胞可溶化物50 μ gへのIgY α -PDx1抗体の結合を比較した。細胞可溶化物は、SDS-PAGEにより分離して、エレクトロブロッティングにより膜へ転写して、その後IgY α -PDx1一次抗血清で、それに続いてアルカリホスファターゼ結合ウサギ抗IgY(Rb α -IgY)二次抗体でプロービングした。一次抗体及び二次抗体の種々の希釈は、細長い膜を分離するために以下の組合せで適用した:A(500倍一次希釈、10,000倍二次希釈)、B(2,000倍、10,000倍)、C(500倍、40,000倍)、D(2,000倍、40,000倍)、E(8,000倍、40,000倍)。

【0288】

結合は、試験した抗体の組合せすべてにてPDx1発現ベクター(PDx1陽性)でトランスフェクトした細胞中で検出された。最高濃度の一次抗体及び二次抗体の両方を共に使用する場合(組合せA)で、結合は、トランスフェクトしていない(PDx1陰性)線維

10

20

30

40

50

芽細胞において観察されるのみであった。かかる非特異的結合は、トランスフェクトした線維芽細胞及びトランスフェクトしていない線維芽細胞の両方においてPDX1よりもわずかに高い分子量でのさらなるバンドの検出を特徴とした。

【0289】

第2の実験では、PDX1へのポリクローナルウサギ抗PDX1 (Rb α - PDX1) 抗体の結合を免疫組織化学により試験した。かかる実験用のPDX1発現細胞を産生するために、MS1-V細胞 (ATCC # CRL - 2460) をPDX1 - EGFPの発現ベクター (pEGFP - N1 (Clontech) を用いて構築した) で一過的にトランスフェクトした。続いて、トランスフェクトした細胞をRb α - PDX1 及び α - EGFP 抗血清で標識した。トランスフェクトした細胞は、Cy5 結合二次抗体の使用によるEGFP蛍光並びに α - EGFP 免疫組織化学の両方により可視化した。PDX1 免疫蛍光は、 α - Rb Cy3 結合二次抗体の使用により可視化した。

10

【0290】

Rb α - PDX1 及び α - EGFP 抗体の結合は、GFP 発現と共局在化した。

【0291】

[実施例20]

ヒト膵臓組織の免疫組織化学

この実施例は、PDX1 に対する特異性を有する抗体を使用して、免疫組織化学によりヒトPDX1 陽性細胞を同定することができることを示す。

【0292】

第1の実験では、ヒト膵臓のパラフィン包埋切片を、1/200 希釈でのモルモット抗インスリン (Gp α - Ins) 一次抗体で、これに続いて1/100 希釈でのCy2 へ結合されたイヌ抗モルモット (D α - GP) 二次抗体でインスリンに関して染色した。第2の実験では、ヒト膵臓の同じパラフィン包埋切片を、1/4000 希釈でのIgY α - PDX1 一次抗体で、これに続いて1/300 希釈でのAF555 へ結合されたRb α - IgY 二次抗体でPDX1 に関して染色した。第1の実験及び第2の実験から収集した画像を併せた。第3の実験では、また、IgY α - PDX1 抗体で染色した細胞をDAPIでも染色した。

20

【0293】

ヒト膵臓切片の分析により、ランゲルハンス島の強力な染色の存在が明らかとなった。最強のPDX1 シグナルは島 (インスリン陽性) に出現したが、弱い染色は腺房組織 (インスリン陰性) でも観察された。DAPI 及びPDX1 共染色は、PDX1 が、大部分 (しかし、排他的ではない) 核へ局在化したことを示す。

30

【0294】

[実施例21]

レチノイン酸処理細胞からのPDX1の免疫沈降

RAの存在下で分化させた胚体内胚葉細胞におけるPDX1 発現、及びRAを用いて分化させなかった胚体内胚葉細胞におけるPDX1の欠如をさらに確認するために、ウサギ抗PDX1 (Rb α - PDX1) 抗体を使用して、RA分化させた胚体内胚葉細胞及びRA分化させていない胚体内胚葉細胞の両方からPDX1を免疫沈降させた。免疫沈降させたRAは、IgY α - PDX1 抗体を使用してウェスタンブロット分析により検出した。

40

【0295】

免疫沈降用の未分化の胚体内胚葉細胞可溶化物及び分化した胚体内胚葉細胞可溶化物を得るために、hESCを低血清中で100 ng/mlでのアクチビンAで5日間処理した (胚体内胚葉) 後、50 ng/mlでのアクチビンA及び2 μ MのオールトランスRAで2日間 (1 μ Mで1日間、及び0.2 μ Mで1日間) 処理した (PDX1 陽性前腸内胚葉)。陽性対照として、細胞可溶化物はまた、PDX1 発現ベクターでトランスフェクトしたMS1-V細胞 (ATCC # CRL - 2460) から調製した。PDX1 は、Rb α - PDX1 及びウサギ特異的二次抗体を各可溶化液へ添加することにより免疫沈降させた

50

。沈降物を遠心分離により収集した。免疫沈降物をSDS含有緩衝液中に溶解させた後、ポリアクリルアミドゲル上へ負荷した。分離後、タンパク質をエレクトロブロッティングにより膜へ転写し、その後IgY α -PD $\times$ 1一次抗体、これに続いて標識Rb α -IgY二次抗体でプロービングした。

【0296】

MS1-V陽性対照細胞から収集した免疫沈降物並びに8日目(レーンd8、RA処理の開始の3日後)及び9日目(レーンd9、RAの開始の4日後)の細胞からの免疫沈降物は、PD $\times$ 1タンパク質に関して陽性であった(図44)。未分化の胚体内胚葉細胞(すなわち、アクチビンAで処理した5日目の細胞-図44において(A)で示す)及び未分化のhESC(すなわち、未処理の5日目の細胞-図44において(NF)で示す)から得られた沈降物はPD $\times$ 1に関して陰性であった。

10

【0297】

[実施例22]

PD $\times$ 1プロモーター-E $\times$ GFPトランスジェニックhESC系の生成

細胞単離に関してPD $\times$ 1マーカーを使用するために、本発明者等は、PD $\times$ 1陽性前腸内胚葉細胞を発現可能なレポーター遺伝子で遺伝的にタグ付けした。この実施例は、PD $\times$ 1調節領域の制御下でレポーター遺伝子を含有するレポーターカセットを含むベクターの構築について記載する。この実施例はまた、このベクターでトランスフェクトした細胞(例えば、ヒト胚性幹細胞)、並びにそのゲノムに組み込まれたこのレポーターカセットを有する細胞の調製について記載する。

20

【0298】

レポーター遺伝子で遺伝的にタグ付けしたPD $\times$ 1発現胚体内胚葉細胞系は、PD $\times$ 1遺伝子の調節領域(プロモーター)の制御下にGFPレポーター遺伝子を配置させることにより構築された。まず、E $\times$ GFP発現がヒトPD $\times$ 1遺伝子プロモーターにより駆動されるプラスミド構築物は、ベクターpE $\times$ GFP-N1(Clontech)のCMVプロモーターをPD $\times$ 1転写開始部位の上流約4.4キロ塩基対(kb)から下流約85塩基対(bp)に及ぶヌクレオチド配列を含むヒトPD $\times$ 1制御領域(Genbankアクセッション番号AF192496)で置き換えることにより生成された。この領域は、PD $\times$ 1遺伝子の特徴とされる調節要素を含有し、トランスジェニックマウスにおいて正常なPD $\times$ 1発現パターンを付与するのに十分である。得られたベクターにおいて、E $\times$ GFPの発現は、PD $\times$ 1プロモーターにより駆動される。いくつかの実験では、このベクターは、hESCへトランスフェクトすることができる。

30

【0299】

PD $\times$ 1プロモーター/E $\times$ GFPカセットを上記ベクターから切除して、続いてホスホグリセリン酸キナーゼ1プロモーターの制御下でネオマイシンホスホトランスフェラーゼ遺伝子を含有する選択ベクターへサブクロニングした。選択カセットは、カセットの除去を可能にするためにflpリコンビナーゼ認識部位に隣接された。この選択ベクターを線状化した後、標準的なリポフェクション方法を使用してhESCへ導入した。G418における選択の10~14日後に、未分化のトランスジェニックhESCクローンを単離及び拡大させた。

40

【0300】

[実施例23]

PD $\times$ 1陽性前腸内胚葉の単離

以下の実施例は、PD $\times$ 1プロモーター/E $\times$ GFPカセットを含むhESCがPD $\times$ 1陽性内胚葉細胞へ分化され得て、これに続いて蛍光標示式細胞分取器(FACS)により単離され得ることを実証する。

【0301】

PD $\times$ 1プロモーター/E $\times$ GFPトランスジェニックhESCは、アクチビンA含有培地中で5日間、これに続いてアクチビンA及びRAを含む培地中で2日間分化させた。続いて、分化細胞は、トリプシン消化により収集して、Becton Dickinson F

50

A C S D i v a 上で R N A 溶解緩衝液又は P B S へ直接選別した。単一の生細胞のサンプルが、E G F P に関してゲーティングすることなく採取され (L i v e)、単一の生細胞は、E G F P 陽性 (G F P) 及び G F P 陰性 (N e g) 集団へゲーティングされた。一実験では、E G F P 陽性分画は、蛍光強度に従って 2 つの同様のサイズの集団に分離された (H i 及び L o)。

【 0 3 0 2 】

選別後、細胞集団は、Q - P C R 及び免疫組織化学の両方により分析した。Q - P C R に関して、R N A は、Q i a g e n R N e a s y カラムを使用して調製されて、その後 c D N A へ変換された。Q - P C R は、上述したように実施した。免疫組織化学分析に関して、細胞を P B S 中に選別して、4 % パラホルムアルデヒド中で 1 0 分間固定して、C y t o s p i n 遠心分離機を使用してスライドガラス上へ接着させた。サイトケラチン 1 9 (K R T 1 9) に対する一次抗体は Chemicon 製であり、肝細胞核因子 3 β (H N F 3 β) に対する一次抗体は Santa Cruz 製であり、グルコーストランスポーター 2 (G L U T 2) に対する一次抗体は R & D systems 製であった。F I T C (緑色) 又はローダミン (赤色) に結合させた適切な二次抗体を使用して、一次抗体の結合を検出した。

10

【 0 3 0 3 】

分化細胞の典型的な F A C S 選別を図 4 5 に示す。この実施例における単離 P D X 1 陽性細胞パーセントはおおよそ 7 % であり、約 1 % ~ 約 2 0 % まで分化効率に応じて変化した。

【 0 3 0 4 】

選別した細胞はさらに、Q - P C R 分析に付した。分化細胞は、E G F P 蛍光と内因性 P D X 1 遺伝子発現との相関を示した。非蛍光性細胞と比較して、E G F P 陽性細胞は、P D X 1 発現レベルの 2 0 倍を超える増大を示した (図 4 6)。高及び低 E G F P 強度の細胞の分離は、E G F P 発現レベルが P D X 1 発現レベルと相関することを示した (図 4 7)。P D X 1 マーカー分析に加えて、選別した細胞は、臍臓内胚葉において発現されるいくつかの遺伝子の Q - P C R 分析に付した。これらのマーカー遺伝子 (N K X 2 . 2、G L U T 2、K R T 1 9、H N F 4 α 及び H N F 3 β) のそれぞれの産物はすべて、E G F P 陽性分画で富化された (図 4 8 A ~ 図 4 8 E)。対照的に、神経マーカー Z I C 1 及び G F A P は、選別された E G F P 発現細胞において富化されなかった (図 4 9 A 及び図 4 9 B)。

20

【 0 3 0 5 】

免疫組織化学により、事実上すべての単離 P D X 1 陽性細胞が、K R T 1 9 及び G L U T 2 を発現するとみなされた。この結果は、臍臓内胚葉系統の細胞に関して予測される。これらの細胞の多くはまた、抗体染色により H N F 3 β 陽性であった。

30

【 0 3 0 6 】

[実施例 2 4]

マウス腎臓被膜下のヒト胚体内胚葉細胞の移植

本明細書中に記載される方法を用いて産生されたヒト胚体内胚葉細胞が、腸管由来の細胞を産生するよう分化因子に応答し得ることを実証するために、このようなヒト胚体内胚葉細胞を i n v i v o 分化プロトコールに付した。

【 0 3 0 7 】

ヒト胚体内胚葉細胞を、上記実施例に記載されたように産生した。このような細胞を収穫し、標準手法を用いて免疫無防備状態マウスの腎臓被膜下に移植した。3 週間後、マウスを屠殺し、移植組織を取り出して、切片にして、組織学的及び免疫細胞化学的分析に付した。

40

【 0 3 0 8 】

図 5 0 ~ 図 5 0 D は、移植後 3 週間目に、ヒト胚体内胚葉細胞は腸管由来の細胞及び細胞構造物に分化した、ということを示す。特に図 5 0 A は、腸管様構造物に分化した移植ヒト胚体内胚葉組織のヘマトキシリン及びエオシン染色切片を示す。図 5 0 B は、肝細胞特異的抗原 (H S A) に対する抗体で免疫染色した移植ヒト胚体内胚葉切片を示す。この結果は、ヒト胚体内胚葉細胞が肝臓又は肝臓前駆体細胞に分化し得る、ということを示す。

50

図50C及び図50Dはそれぞれ、ピリンに対する抗体及び尾型ホメオボックス転写因子2(CDX2)に対する抗体で免疫染色した移植ヒト胚体内胚葉切片を示す。これらの結果は、ヒト胚体内胚葉細胞が腸細胞又は腸細胞前駆体に分化し得る、ということを示す。

【0309】

[実施例25]

*in vitro*でヒト胚体内胚葉細胞の分化を促進することが可能な分化因子の同定
本明細書中に記載する分化因子のスクリーニング方法を例証するために、様々な時点で或る特定のマーカー遺伝子産物の標準化した発現レベルを測定しながら、本明細書中に記載する方法を使用して産生されるヒト胚体内胚葉細胞の集団に、いくつかの候補分化因子を別個に供給した。

10

【0310】

ヒト胚体内胚葉細胞は、上述の実施例に記載されるように産生した。簡潔に述べると、hESC細胞は、低血清RPMI培地中で100ng/mlのアクチビンAの存在下で4日間成長させ、ここで1日目のウシ胎児血清(FBS)濃度は0%であり、2日目のFBS濃度は0.2%であり、3~4日のFBS濃度は2%であった。5日目に始まり、10日目に終了する胚体内胚葉の形成後に、0.2%FBS含有RPMI中での個々のプレートにおいて維持される細胞集団を、20ng/mlでのWnt3B、5ng/mlでのFGF2又は100ng/mlでのFGF2のうちの1つで処理した。アルブミン、PROX1及びTITF1に関するマーカー遺伝子産物の発現を、Q-PCRを使用して定量した。

20

【0311】

図51Aは、アルブミン遺伝子産物(肝臓前駆体及び肝細胞に関するマーカー)の発現が、5ng/mlでのFGF2に应答して、この分化因子で処理する前の4日目の胚体内胚葉細胞における発現と比較して9日目及び10日目で実質的に増大したことを示す。アルブミン遺伝子産物の発現はまた、20ng/mlのWnt3Bに应答して、未処理の胚体内胚葉細胞における発現と比較して9日目及び10日目で増大されたが、増大は、5ng/mlのFGF2処理で観察される増大ほど大きくなかった。アルブミン遺伝子産物の発現が、100ng/mlでのFGF2に应答して、4日目の胚体内胚葉細胞の発現と比較して9日目及び10日目で増大されなかったという観察は特に重要である。同様の結果が、図51Bに示されるように、PROX1マーカー(肝臓前駆体及び肝細胞に関する第2のマーカー)で観察された。図51Cは、100ng/mlのFGF2を供給した細胞集団では、TITF1マーカー遺伝子の発現が、この分化因子で処理する前の4日目の胚体内胚葉細胞における発現と比較して、7日目、9日目及び10日目に実質的に増大したが、5ng/mlでのFGF2は、未処理の胚体内胚葉と比較して、この遺伝子産物の発現に対してほとんど影響しなかったことを示す。総括すると、図51A~図51Cに示される結果は、候補分化因子が細胞集団に供給される濃度が、*in vitro*での胚体内胚葉細胞の分化最終形に影響を及ぼし得ることを示す。

30

【0312】

[実施例26]

候補分化因子に应答したマーカーアップレギュレーション及びダウンレギュレーション
本明細書中に記載する分化因子スクリーニング方法をさらに例証するために、ヒト胚体内胚葉細胞の集団を、実施例25に記載される手順に類似した手順を使用して候補分化因子を用いてスクリーニングした。

40

【0313】

ヒト胚体内胚葉細胞は、上述の実施例に記載されるように産生した。簡潔に述べると、hESC細胞は、低血清RPMI培地中で100ng/mlのアクチビンAの存在下で4日間成長させ、ここで1日目のウシ胎児血清(FBS)濃度は0%であり、2日目のFBS濃度は0.2%であり、3~4日のFBS濃度は2%であった。5日目に始まり、10日目に終了する胚体内胚葉の形成後に、0.2%FBS含有RPMI中での個々のプレートにおいて維持される細胞集団を、20~50ng/mlでのWnt3A、5ng/mlで

50

の FGF2 又は 100 ng/ml での FGF2 のうちの 1 つで処理した。胚体内胚葉形成後の 5 日目に (hESC からの分化の開始の 9 日後)、BMP4 を 50 ng/ml で培養物すべてに添加した。αフェトプロテイン (AFP)、シトクロム P450 7A (CYP7A)、チロシンアミノトランスフェラーゼ (TAT)、肝細胞核因子 4a (HNF4a)、CXCR4 型ケモカイン受容体 4 (CXCR4)、フォンウィルブランド因子 (VWF)、血管細胞接着分子 - 1 (VACM1)、アポリポタンパク質 A1 (APOA1)、グルコーストランスポーター - 2 (GLUT2)、α - 1 - アンチトリプシン (AAT)、グルコキナーゼ (GLUKO) 及びヒト造血発現ホメオボックス (hHEX) に関するマーカー遺伝子産物 (mRNA) の発現を、Q-PCR を使用して定量した。

【0314】

図 5 2 A 及び図 5 2 B は、AFP 遺伝子産物 (肝前駆体及び肝細胞に関するマーカー) 及び AAT の発現が、5 ng/ml での FGF2 及び 50 ng/ml での BMP4 に応答して、4 日目の胚体内胚葉細胞の発現と比較して、9 日目及び 10 日目で実質的に増大したことを示す。AFP 及び AAT の mRNA の発現は、BMP4 の存在下でさえ、より高濃度の FGF2 (100 ng/ml) により実質的に増大されなかった (図 5 1 A 及び図 5 1 B の 9 日目及び 10 日目)。上記の結果と対照的に、GLUKO、hHEX 及び TAT の mRNA の発現は、4 日目の胚体内胚葉細胞の発現と比較して、9 日目及び 10 日目に 100 ng/ml での FGF2 及び 50 ng/ml での BMP4 の存在下で実質的にアップレギュレートされた。GLUKO の場合、BMP4 有り又は無しで、5 ng/ml での Wnt3A も FGF2 も、このマーカーの発現の増大を引き起こさなかった (図 5 2 C)。しかしながら、5 ng/ml での FGF2 は、BMP の存在下での 100 ng/ml での FGF2 により引き起こされる増大を上回るか、或いはそれに等しい程度に、BMP の存在下で hHEX の発現の増大を引き起こした (図 5 2 D)。胚体内胚葉細胞における発現と比較する場合の 9 日目及び 10 日目の TAT の発現は、試験される因子それぞれにより増大された (図 5 2 E)。さらに、或る特定の細胞マーカーは、Wnt3A の存在下では胚体内胚葉細胞と比較して増大レベルで発現されたが、FGF/BMP の組合せに応答して発現されなかった。特に、HNF4a の mRNA の発現は、Wnt3A 及び BMP4 の組合せに応答して 9 日目及び 10 日目で有意に増大された (図 5 2 F)。さらに、CYP7A は、10 日目に Wnt3A/BMP4 に応答してわずかな増大を示した (図 5 2 G)。

【0315】

多数の異なる細胞型で発現されることが既知であるいくつかのマーカーも観察した。具体的には、マーカー APOA1、GLUT2、VCAM1、VWF 及び CXCR4 を検査した。すでに、これらのマーカーそれぞれの発現が、以下に記載するように特定の細胞型と相関している：マーカー APOA1 及び GLUT2 は、肝臓では高度に発現されて、十二指腸及び小腸では中程度に発現される。マーカー VCAM1 は、肝臓では高レベルで発現され、胃、十二指腸及び小腸では中程度のレベルで発現され、肺及び脾臓ではより低レベルであるが、有意なレベルで発現される。対比して、マーカー VWF 及び CXCR4 は、肺では高レベルで発現されるが、肝臓ではほんの低レベルで発現される。VWF 及び CXCR4 の両方はまた、胃、脾臓、十二指腸及び小腸では中程度～高レベルで発現される。

【0316】

上述のマーカーそれぞれの発現は、Wnt3、FGF2 及び BMP4 の組合せと接触させた胚体内胚葉細胞培養物においてモニタリングされた。上記の結果と一致して、図 5 2 H ~ 図 5 2 J は、GLUT2、APOA1 及び VCAM1 mRNA 発現が、胚体内胚葉における発現と比較して、9 日目及び 10 日目に 5 ng/ml での FGF2 及び BMP4 の組合せに応答して増大されたことを示す。これらのマーカーに関する mRNA 発現は、100 ng/ml での FGF2 及び BMP4 の組合せに応答して実質的に増大されなかった。APOA1 及び VCAM1 マーカー mRNA の場合、9 日目及び 10 日目の発現の最大の増大は、Wnt3A 及び BMP4 の組合せにより媒介された (図 5 2 I 及び図 5 2 J)。

。

10

20

30

40

50

【 0 3 1 7 】

上述の事項に加えて、或る特定の mRNA の発現は、胚体内胚葉における発現と比較して減少された。例えば、胚体内胚葉における発現と比較した場合、VWF 及び CXCR4 mRNA 発現はともに、BMP4 の存在下及び非存在下での Wnt3A との接触後に、並びに BMP4 の存在下及び非存在下での 5 ng / ml での FGF2 との接触後に減少された（図 5 2 K 及び図 5 2 L）。BMP4 の非存在下及び存在下の両方における 100 ng / ml での FGF2 との接触は、これらの 2 つのマーカーの減少速度を大きく低減させた（図 5 2 K 及び図 5 2 L）。実際に、CXCR4 の発現は、10 日目であっても実質的に維持された（図 5 2 L）。

【 0 3 1 8 】

本明細書中に記載される方法、組成物及び装置は、目下、好ましい実施形態を代表するものであり、例示であって、本発明の範囲を限定するものではない。その変更及びその他の使用は当業者に思い付かれ、これらは本発明の精神に包含され、そして開示の範囲により明確にされる。したがって本発明の範囲及び精神を逸脱することなく、本明細書に開示される発明に種々の置換及び修正がなされ得るということは、当業者には明らかである。

【 0 3 1 9 】

特許請求の範囲及び本開示全体を通して用いられる場合、「本質的に～から成る」という語句は、当該語句の後ろに列挙される任意の要素を含むことを意味し、列挙した要素に関する開示において特定される活性又は作用を妨害しないか又は関与しない他の要素に限定される。したがって「本質的に～から成る」という語句は、列挙した要素が必要とされるか又は必須であるが、しかし他の要素は任意であり、それらが列挙した要素の活性又は作用に影響を及ぼすか否かによって、存在することもあり、しないこともあり得る、ということを示す。

【 0 3 2 0 】

[参考文献]

多数の文献及び特許参考文献を、本特許出願中で引用してきた。

【 0 3 2 1 】

いくつかの参考文献に関しては、全引用が文書の本文中に存在する。他の参考文献に関しては、文書の本文中における引用は著者及び年で示しているが、全引用を以下に示す：

10

20

30

【表 3 - 1】

[参考文献一覧 1]

Numerous literature and patent references have been cited in the present patent application.

For some references, the complete citation is in the body of the text. For other references the citation in the body of the text is by author and year, the complete citation being as follows:

Alexander, J., Rothenberg, M., Henry, G. L., and Stainier, D. Y. (1999). Casanova plays an early and essential role in endoderm formation in zebrafish. *Dev Biol* 215, 343-357.

Alexander, J., and Stainier, D. Y. (1999). A molecular pathway leading to endoderm formation in zebrafish. *Curr Biol* 9, 1147-1157.

Aoki, T. O., Mathieu, J., Saint-Etienne, L., Rebagliati, M. R., Peyrieras, N., and Rosa, F. M. (2002). Regulation of nodal signalling and mesendoderm formation by TARAM-A, a TGFbeta-related type I receptor. *Dev Biol* 241, 273-288.

Beck, S., Le Good, J. A., Guzman, M., Ben Haim, N., Roy, K., Beermann, F., and Constam, D. B. (2002). Extra-embryonic proteases regulate Nodal signalling during gastrulation. *Nat Cell Biol* 4, 981-985.

Beddington, R. S., Rashbass, P., and Wilson, V. (1992). Brachyury--a gene affecting mouse gastrulation and early organogenesis. *Dev Suppl*, 157-165.

Bongso, A., Fong, C. Y., Ng, S. C., and Ratnam, S. (1994). Isolation and culture of inner cell mass cells from human blastocysts. *Hum Reprod* 9, 2110-2117.

10

20

30

【表 3 - 2】

[参考文献一覧 2]

Chang, H., Brown, C. W., and Matzuk, M. M. (2002). Genetic analysis of the mammalian transforming growth factor-beta superfamily. *Endocr Rev* 23, 787-823.

Conlon, F. L., Lyons, K. M., Takaesu, N., Barth, K. S., Kispert, A., Herrmann, B., and Robertson, E. J. (1994). A primary requirement for nodal in the formation and maintenance of the primitive streak in the mouse. *Development* 120, 1919-1928.

Dougan, S. T., Warga, R. M., Kane, D. A., Schier, A. F., and Talbot, W. S. (2003). The role of the zebrafish nodal-related genes *squint* and *cyclops* in patterning of mesendoderm. *Development* 130, 1837-1851. 10

Feldman, B., Gates, M. A., Egan, E. S., Dougan, S. T., Rennebeck, G., Sirotkin, H. I., Schier, A. F., and Talbot, W. S. (1998). Zebrafish organizer development and germ-layer formation require nodal-related signals. *Nature* 395, 181-185.

Feng, Y., Broder, C. C., Kennedy, P. E., and Berger, E. A. (1996). HIV-1 entry cofactor: functional cDNA cloning of a seven-transmembrane, G protein-coupled receptor. *Science* 272, 872-877. 20

Futaki, S., Hayashi, Y., Yamashita, M., Yagi, K., Bono, H., Hayashizaki, Y., Okazaki, Y., and Sekiguchi, K. (2003). Molecular basis of constitutive production of basement membrane components: Gene expression profiles of engelbreth-holm-swarm tumor and F9 embryonal carcinoma cells. *J Biol Chem*.

Grapin-Botton, A., and Melton, D. A. (2000). Endoderm development: from patterning to organogenesis. *Trends Genet* 16, 124-130.

Harris, T. M., and Childs, G. (2002). Global gene expression patterns during differentiation of F9 embryonal carcinoma cells into parietal endoderm. *Funct Integr Genomics* 2, 105-119. 30

Hogan, B. L. (1996). Bone morphogenetic proteins in development. *Curr Opin Genet Dev* 6, 432-438.

Hogan, B. L. (1997). Pluripotent embryonic cells and methods of making same (U.S.A., Vanderbilt University).

Howe, C. C., Overton, G. C., Sawicki, J., Solter, D., Stein, P., and Strickland, S. (1988). Expression of SPARC/osteonectin transcript in murine embryos and gonads. *Differentiation* 37, 20-25. 40

Hudson, C., Clements, D., Friday, R. V., Stott, D., and Woodland, H. R. (1997). *Xsox17alpha* and *-beta* mediate endoderm formation in *Xenopus*. *Cell* 91, 397-405.

Imada, M., Imada, S., Iwasaki, H., Kume, A., Yamaguchi, H., and Moore, E. E. (1987). Fetomodulin: marker surface protein of fetal development which is modulatable by cyclic AMP. *Dev Biol* 122, 483-491.

【表 3 - 3】

[参考文献一覧 3]

- Kanai-Azuma, M., Kanai, Y., Gad, J. M., Tajima, Y., Taya, C., Kurohmaru, M., Sanai, Y., Yonekawa, H., Yazaki, K., Tam, P. P., and Hayashi, Y. (2002). Depletion of definitive gut endoderm in Sox17-null mutant mice. *Development* 129, 2367-2379.
- Katoh, M. (2002). Expression of human SOX7 in normal tissues and tumors. *Int J Mol Med* 9, 363-368.
- Kikuchi, Y., Agathon, A., Alexander, J., Thisse, C., Waldron, S., Yelon, D., Thisse, B., and Stainier, D. Y. (2001). *casanova* encodes a novel Sox-related protein necessary and sufficient for early endoderm formation in zebrafish. *Genes Dev* 15, 1493-1505.
- Kim, C. H., and Broxmeyer, H. E. (1999). Chemokines: signal lamps for trafficking of T and B cells for development and effector function. *J Leukoc Biol* 65, 6-15.
- Kimelman, D., and Griffin, K. J. (2000). Vertebrate mesendoderm induction and patterning. *Curr Opin Genet Dev* 10, 350-356.
- Kubo A, Shinozaki K, Shannon JM, Kouskoff V, Kennedy M, Woo S, Fehling HJ, Keller G. (2004) Development of definitive endoderm from embryonic stem cells in culture. *Development*. 131,1651-62.
- Kumar, A., Novoselov, V., Celeste, A. J., Wolfman, N. M., ten Dijke, P., and Kuehn, M. R. (2001). Nodal signaling uses activin and transforming growth factor-beta receptor-regulated Smads. *J Biol Chem* 276, 656-661.
- Labosky, P. A., Barlow, D. P., and Hogan, B. L. (1994a). Embryonic germ cell lines and their derivation from mouse primordial germ cells. *Ciba Found Symp* 182, 157-168; discussion 168-178.
- Labosky, P. A., Barlow, D. P., and Hogan, B. L. (1994b). Mouse embryonic germ (EG) cell lines: transmission through the germline and differences in the methylation imprint of insulin-like growth factor 2 receptor (Igf2r) gene compared with embryonic stem (ES) cell lines. *Development* 120, 3197-3204.
- Lickert, H., Kutsch, S., Kanzler, B., Tamai, Y., Taketo, M. M., and Kemler, R. (2002). Formation of multiple hearts in mice following deletion of beta-catenin in the embryonic endoderm. *Dev Cell* 3, 171-181.
- Lu, C. C., Brennan, J., and Robertson, E. J. (2001). From fertilization to gastrulation: axis formation in the mouse embryo. *Curr Opin Genet Dev* 11, 384-392.
- Ma, Q., Jones, D., and Springer, T. A. (1999). The chemokine receptor CXCR4 is required for the retention of B lineage and granulocytic precursors within the bone marrow microenvironment. *Immunity* 10, 463-471.
- McGrath KE, Koniski AD, Maltby KM, McGann JK, Palis J. (1999) Embryonic expression and function of the chemokine SDF-1 and its receptor, CXCR4. *Dev Biol*. 213, 442-56.

10

20

30

40

【表 3 - 4】

[参考文献一覧 4]

Miyazono, K., Kusanagi, K., and Inoue, H. (2001). Divergence and convergence of TGF-beta/BMP signaling. *J Cell Physiol* 187, 265-276.

Nagasawa, T., Hirota, S., Tachibana, K., Takakura, N., Nishikawa, S., Kitamura, Y., Yoshida, N., Kikutani, H., and Kishimoto, T. (1996). Defects of B-cell lymphopoiesis and bone-marrow myelopoiesis in mice lacking the CXC chemokine PBSF/SDF-1. *Nature* 382, 635-638.

10

Niwa, H. (2001). Molecular mechanism to maintain stem cell renewal of ES cells. *Cell Struct Funct* 26, 137-148.

Ogura, H., Aruga, J., and Mikoshiba, K. (2001). Behavioral abnormalities of *Zic1* and *Zic2* mutant mice: implications as models for human neurological disorders. *Behav Genet* 31, 317-324.

Reubinoff, B. E., Pera, M. F., Fong, C. Y., Trounson, A., and Bongso, A. (2000). Embryonic stem cell lines from human blastocysts: somatic differentiation in vitro. *Nat Biotechnol* 18, 399-404.

20

Rodaway, A., and Patient, R. (2001). Mesendoderm. an ancient germ layer? *Cell* 105, 169-172.

Rodaway, A., Takeda, H., Koshida, S., Broadbent, J., Price, B., Smith, J. C., Patient, R., and Holder, N. (1999). Induction of the mesendoderm in the zebrafish germ ring by yolk cell-derived TGF-beta family signals and discrimination of mesoderm and endoderm by FGF. *Development* 126, 3067-3078.

Rohr, K. B., Schulte-Merker, S., and Tautz, D. (1999). Zebrafish *zic1* expression in brain and somites is affected by BMP and hedgehog signalling. *Mech Dev* 85, 147-159.

30

Schier, A. F. (2003). Nodal signaling in vertebrate development. *Annu Rev Cell Dev Biol* 19, 589-621.

Schoenwolf, G. C., and Smith, J. L. (2000). Gastrulation and early mesodermal patterning in vertebrates. *Methods Mol Biol* 135, 113-125.

Shamblott, M. J., Axelman, J., Wang, S., Bugg, E. M., Littlefield, J. W., Donovan, P. J., Blumenthal, P. D., Huggins, G. R., and Gearhart, J. D. (1998). Derivation of pluripotent stem cells from cultured human primordial germ cells. *Proc Natl Acad Sci U S A* 95, 13726-13731.

40

Shapiro, A. M., Lakey, J. R., Ryan, E. A., Korbitt, G. S., Toth, E., Warnock, G. L., Kneteman, N. M., and Rajotte, R. V. (2000). Islet transplantation in seven patients with type 1 diabetes mellitus using a glucocorticoid-free immunosuppressive regimen. *N Engl J Med* 343, 230-238.

【表 3 - 5】

[参考文献一覧 5]

- Shapiro, A. M., Ryan, E. A., and Lakey, J. R. (2001a). Pancreatic islet transplantation in the treatment of diabetes mellitus. *Best Pract Res Clin Endocrinol Metab* 15, 241-264.
- Shapiro, J., Ryan, E., Warnock, G. L., Kneteman, N. M., Lakey, J., Korbitt, G. S., and Rajotte, R. V. (2001b). Could fewer islet cells be transplanted in type 1 diabetes? Insulin independence should be dominant force in islet transplantation. *Bmj* 322, 861. 10
- Shiozawa, M., Hiraoka, Y., Komatsu, N., Ogawa, M., Sakai, Y., and Aiso, S. (1996). Cloning and characterization of *Xenopus laevis* xSox7 cDNA. *Biochim Biophys Acta* 1309, 73-76.
- Smith, J. (1997). Brachyury and the T-box genes. *Curr Opin Genet Dev* 7, 474-480.
- Smith, J. C., Armes, N. A., Conlon, F. L., Tada, M., Umbhauer, M., and Weston, K. M. (1997). Upstream and downstream from Brachyury, a gene required for vertebrate mesoderm formation. *Cold Spring Harb Symp Quant Biol* 62, 337-346. 20
- Takash, W., Canizares, J., Bonneaud, N., Poulat, F., Mattei, M. G., Jay, P., and Berta, P. (2001). SOX7 transcription factor: sequence, chromosomal localisation, expression, transactivation and interference with Wnt signalling. *Nucleic Acids Res* 29, 4274-4283.
- Taniguchi, K., Hiraoka, Y., Ogawa, M., Sakai, Y., Kido, S., and Aiso, S. (1999). Isolation and characterization of a mouse SRY-related cDNA, mSox7. *Biochim Biophys Acta* 1445, 225-231.
- Technau, U. (2001). Brachyury, the blastopore and the evolution of the mesoderm. *Bioessays* 23, 788-794. 30
- Thomson, J. A., Itskovitz-Eldor, J., Shapiro, S. S., Waknitz, M. A., Swiergiel, J. J., Marshall, V. S., and Jones, J. M. (1998). Embryonic stem cell lines derived from human blastocysts. *Science* 282, 1145-1147.
- Tremblay, K. D., Hoodless, P. A., Bikoff, E. K., and Robertson, E. J. (2000). Formation of the definitive endoderm in mouse is a Smad2-dependent process. *Development* 127, 3079-3090.
- Vandesompele, J., De Preter, K., Pattyn, F., Poppe, B., Van Roy, N., De Paepe, A., and Speleman, F. (2002). Accurate normalization of real-time quantitative RT-PCR data by geometric averaging of multiple internal control genes. *Genome Biol* 3, RESEARCH0034. 40
- Varlet, I., Collignon, J., and Robertson, E. J. (1997). nodal expression in the primitive endoderm is required for specification of the anterior axis during mouse gastrulation. *Development* 124, 1033-1044.

【表 3 - 6】

[参考文献一覧 6]

Vincent, S. D., Dunn, N. R., Hayashi, S., Norris, D. P., and Robertson, E. J. (2003). Cell fate decisions within the mouse organizer are governed by graded Nodal signals. *Genes Dev* 17, 1646-1662.

Weiler-Guettler, H., Aird, W. C., Rayburn, H., Husain, M., and Rosenberg, R. D. (1996). Developmentally regulated gene expression of thrombomodulin in postimplantation mouse embryos. *Development* 122, 2271-2281.

10

Weiler-Guettler, H., Yu, K., Soff, G., Gudas, L. J., and Rosenberg, R. D. (1992). Thrombomodulin gene regulation by cAMP and retinoic acid in F9 embryonal carcinoma cells. *Proceedings Of The National Academy Of Sciences Of The United States Of America* 89, 2155-2159.

Wells, J. M., and Melton, D. A. (1999). Vertebrate endoderm development. *Annu Rev Cell Dev Biol* 15, 393-410.

Wells, J. M., and Melton, D. A. (2000). Early mouse endoderm is patterned by soluble factors from adjacent germ layers. *Development* 127, 1563-1572.

20

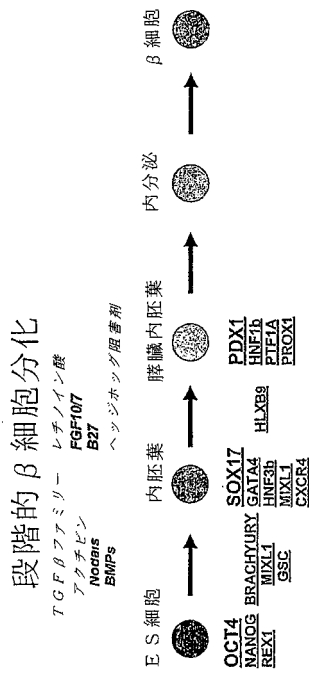
Willison, K. (1990). The mouse Brachyury gene and mesoderm formation. *Trends Genet* 6, 104-105.

Zhao, G. Q. (2003). Consequences of knocking out BMP signaling in the mouse. *Genesis* 35, 43-56.

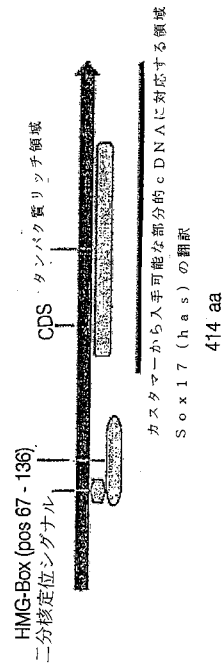
Zhou, X., Sasaki, H., Lowe, L., Hogan, B. L., and Kuehn, M. R. (1993). Nodal is a novel TGF-beta-like gene expressed in the mouse node during gastrulation. *Nature* 361, 543-547.

30

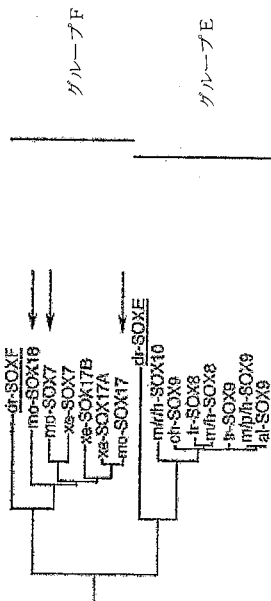
【図 1】



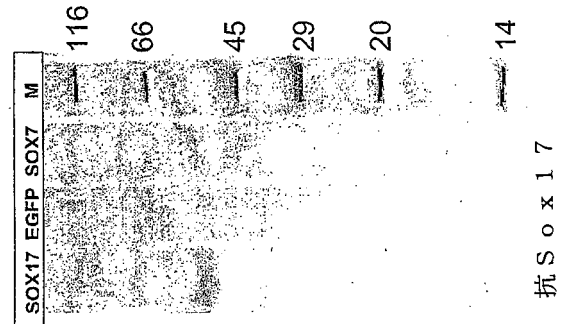
【図 2】



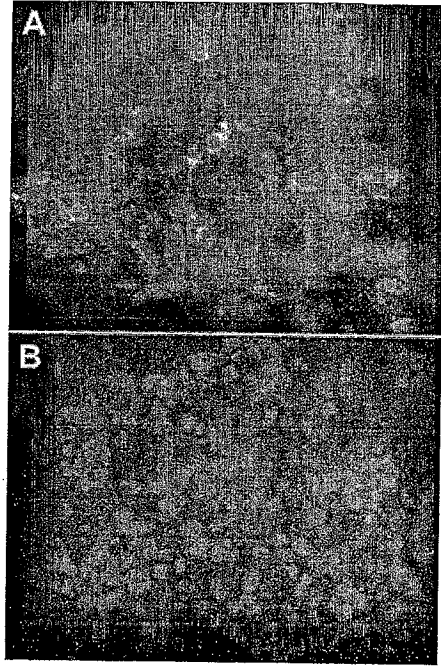
【図 3】



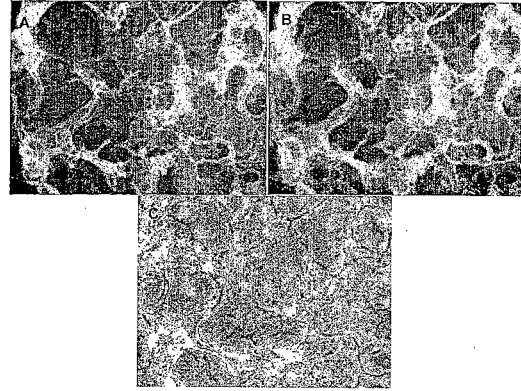
【図 4】



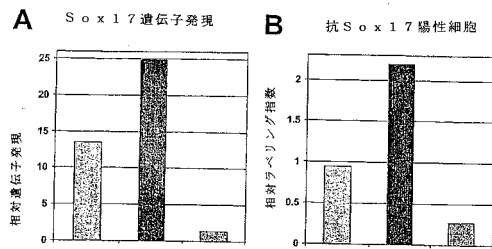
【図 5】



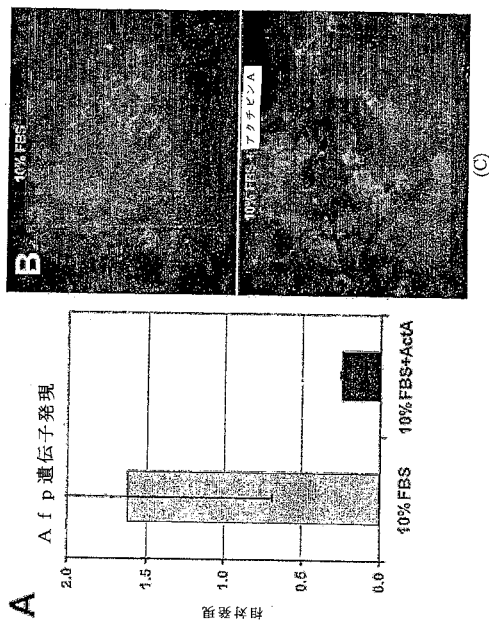
【図 6】



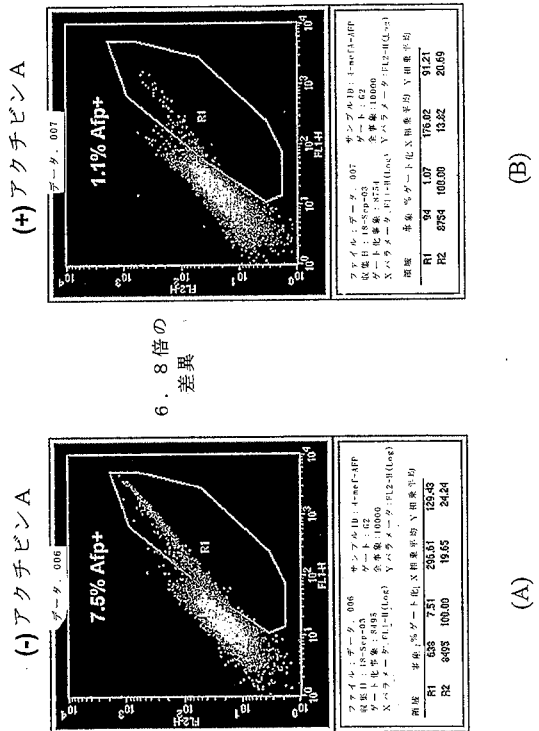
【図 7】



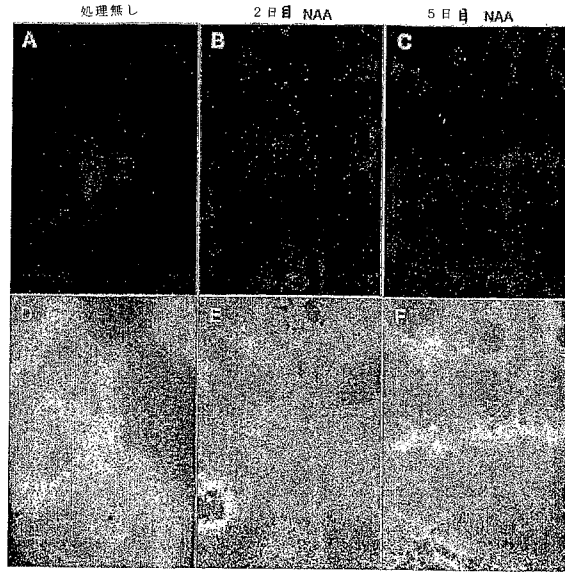
【図 8】



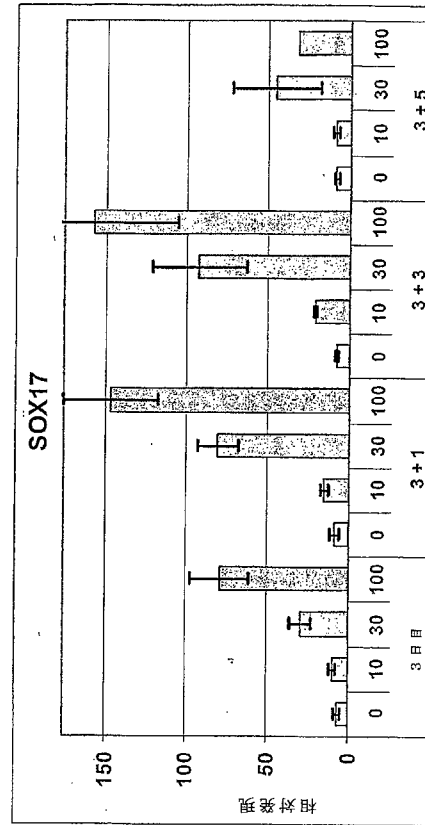
【図 9】



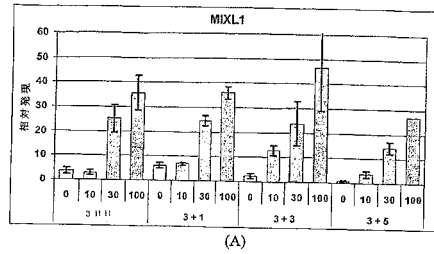
【図 10】



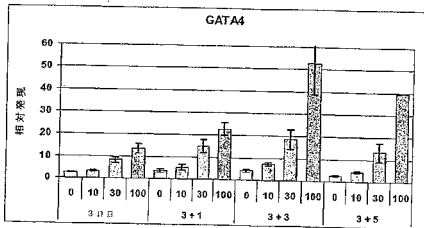
【図 11】



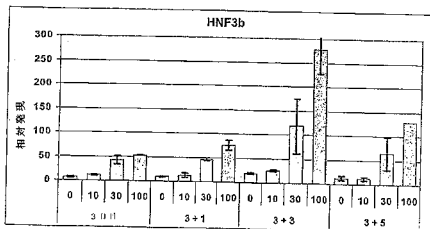
【図 12】



(A)

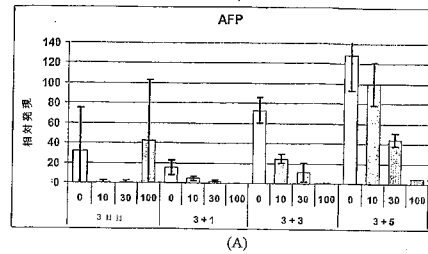


(B)

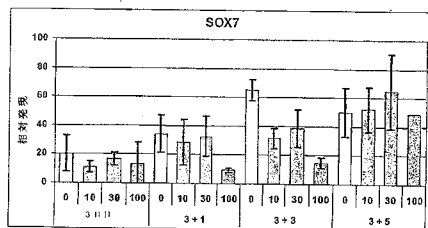


(C)

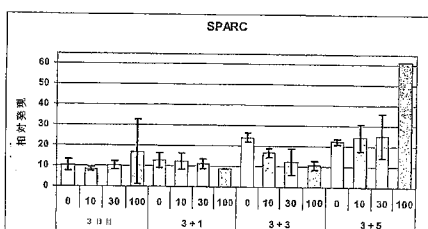
【図 13】



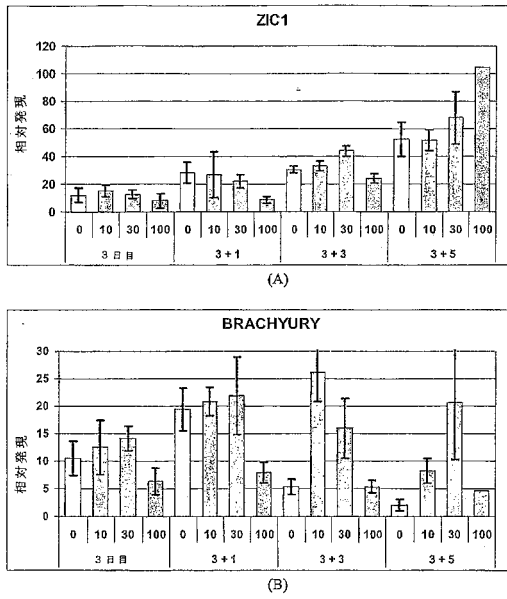
(A)



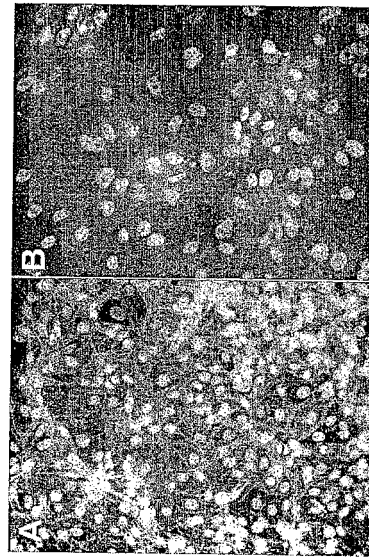
(B)



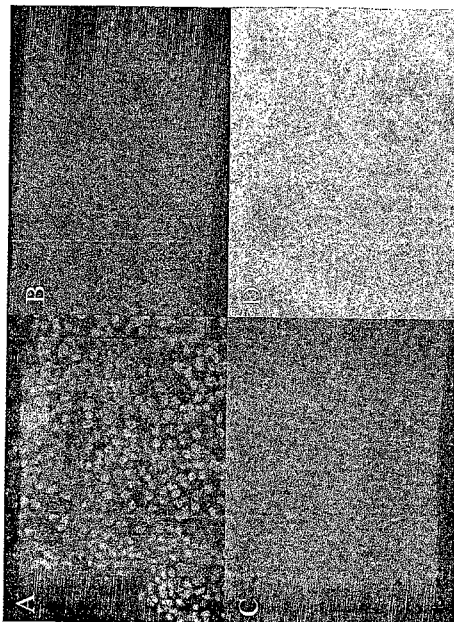
【図 14】



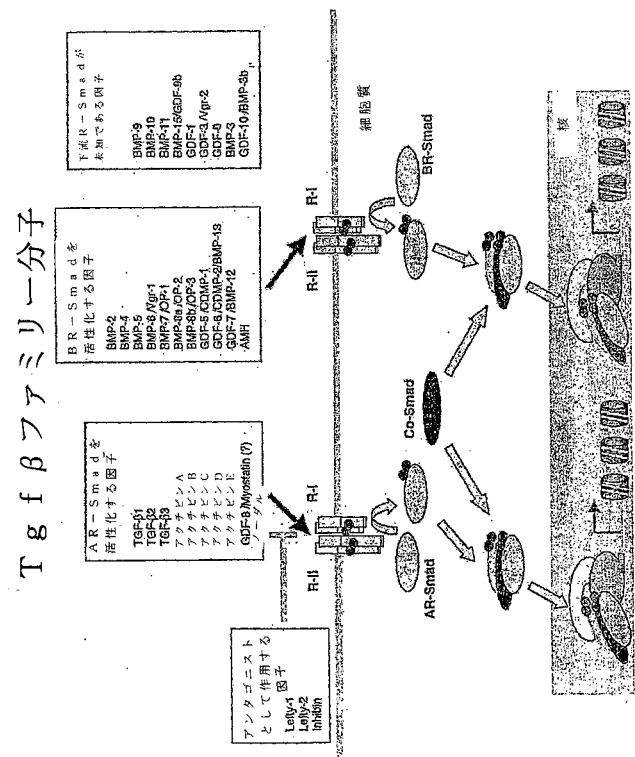
【図 15】



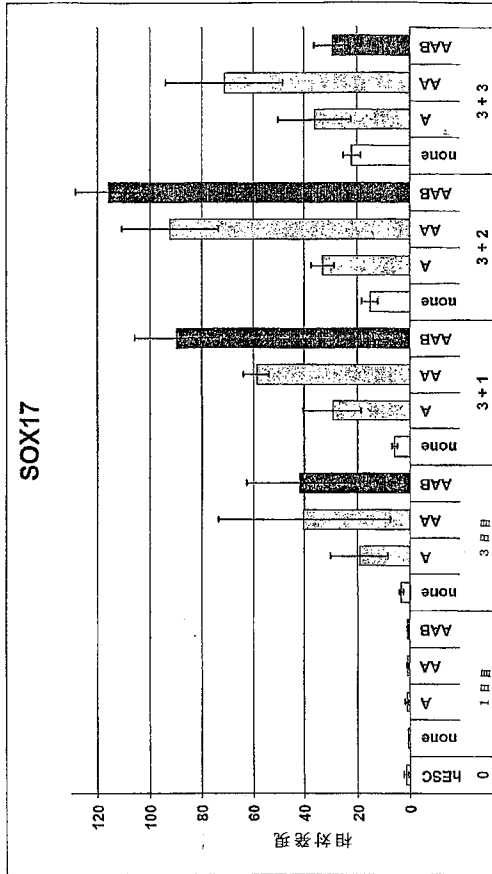
【図 16】



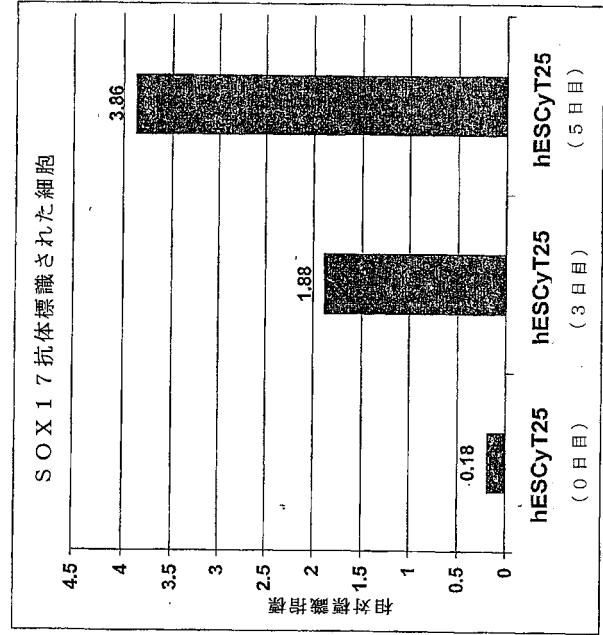
【図 18】



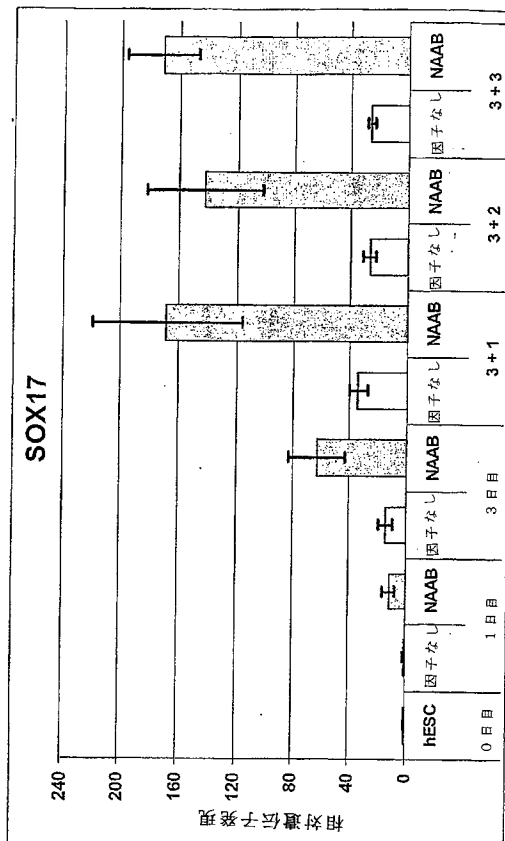
【図 19】



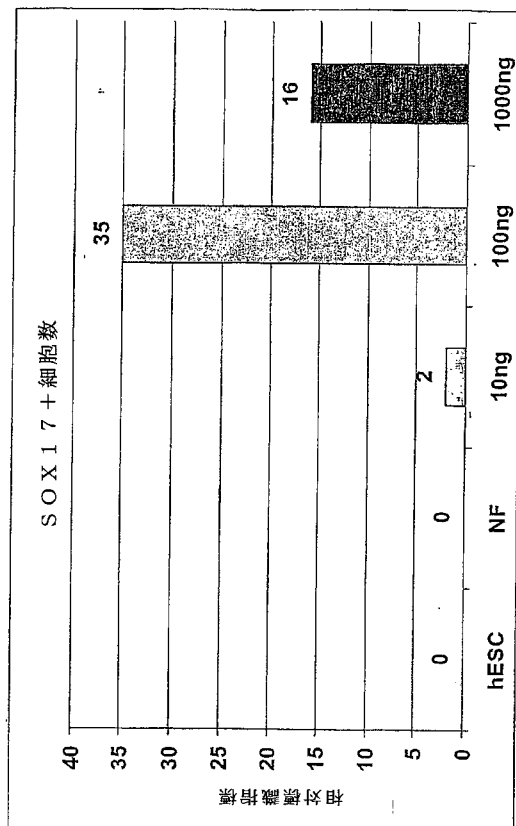
【図 20】



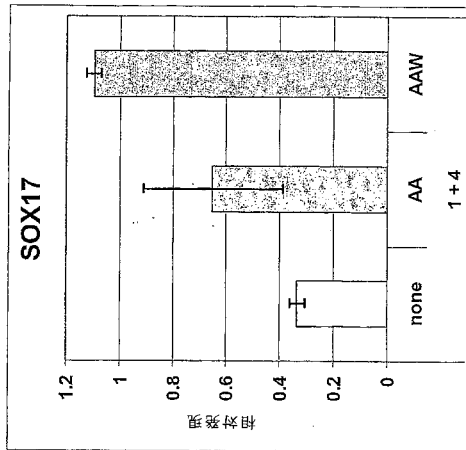
【図 21】



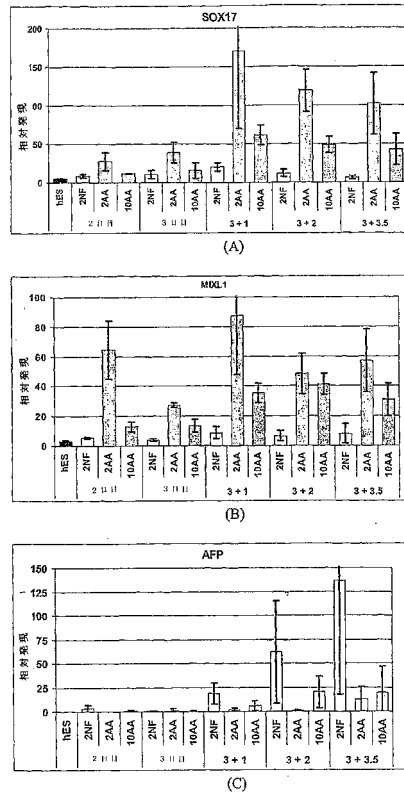
【図 22】



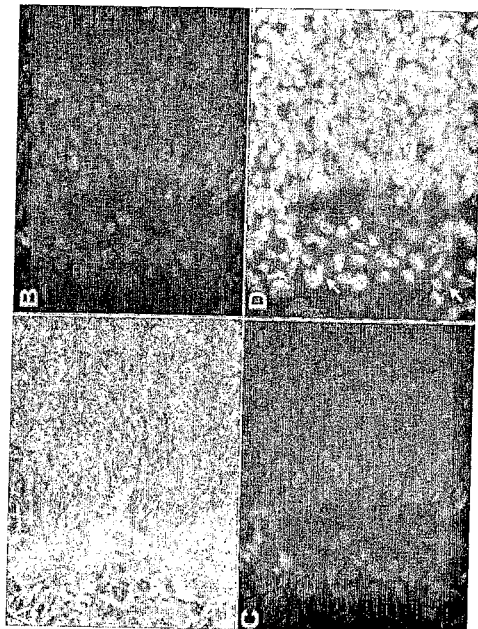
【図 2 3】



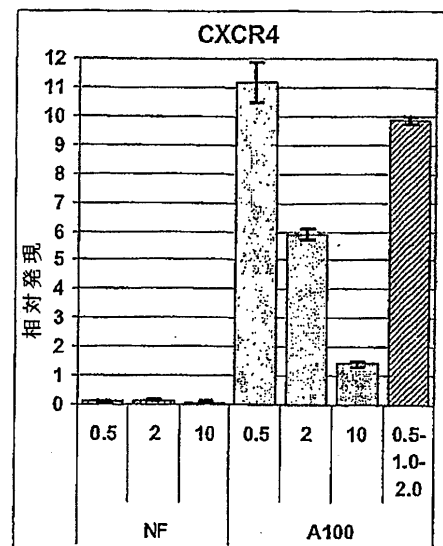
【図 2 4】



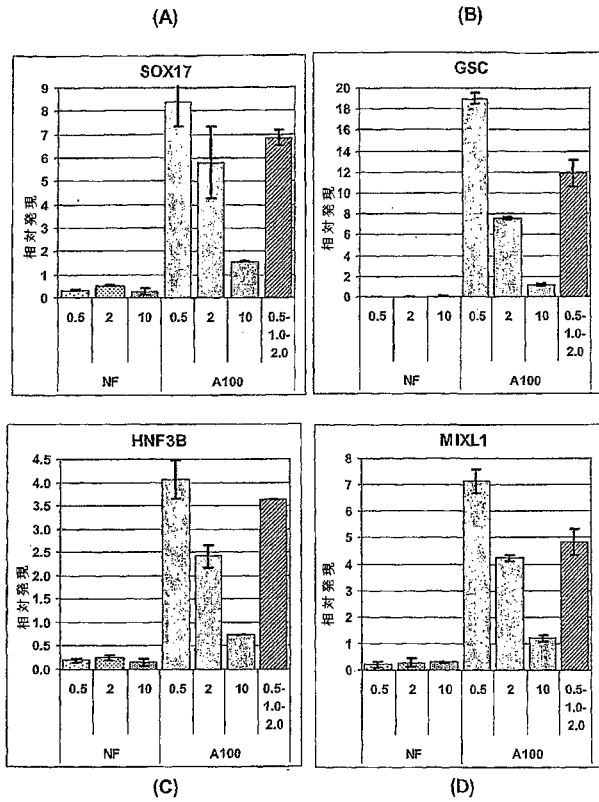
【図 2 5】



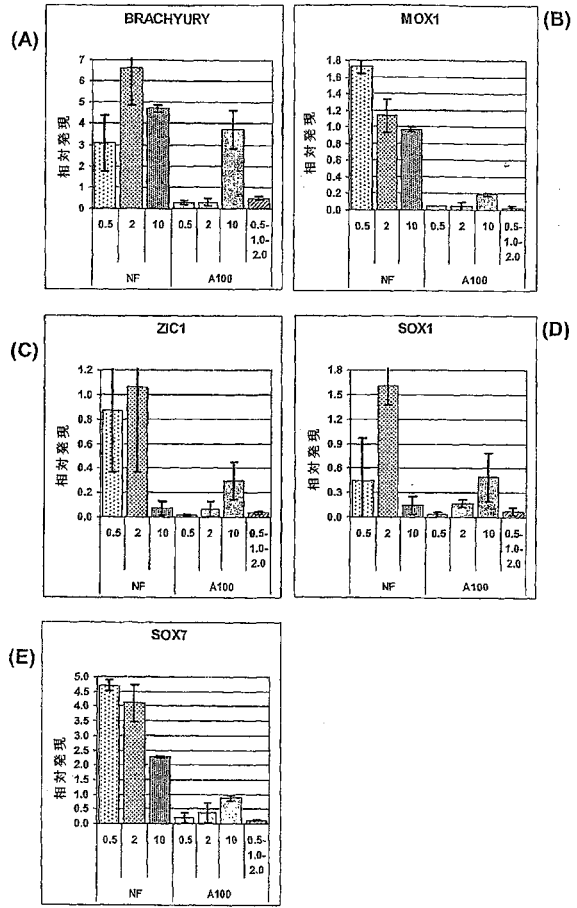
【図 2 6】



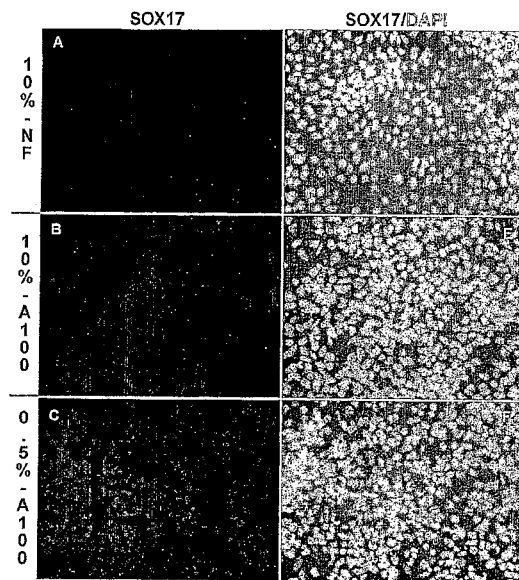
【図 27】



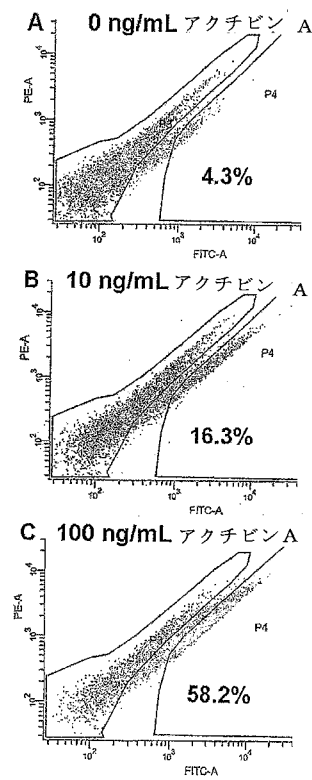
【図 28】



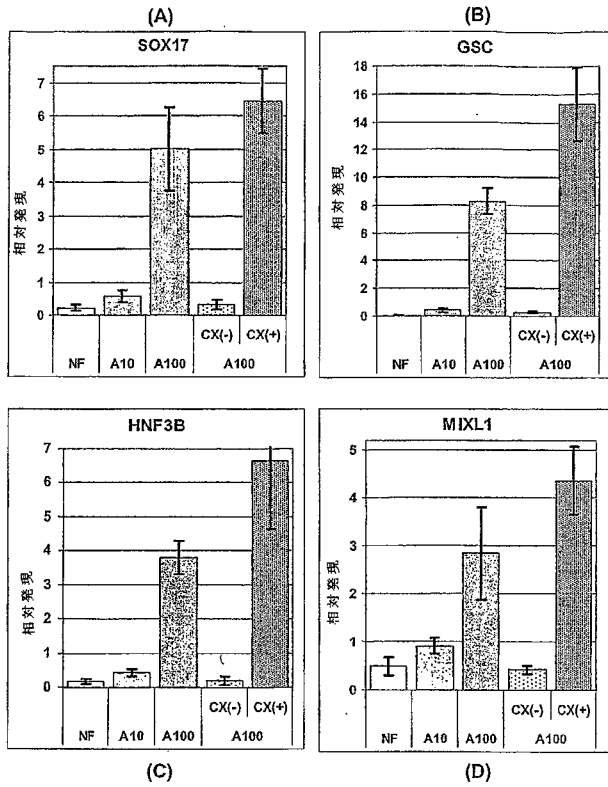
【図 29】



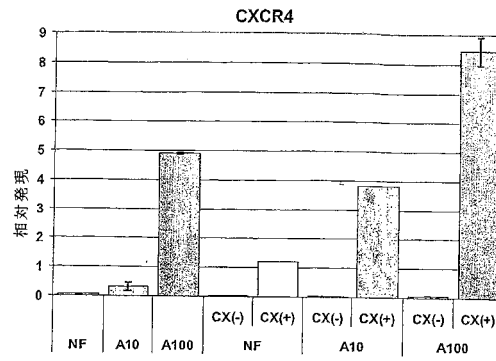
【図 30】



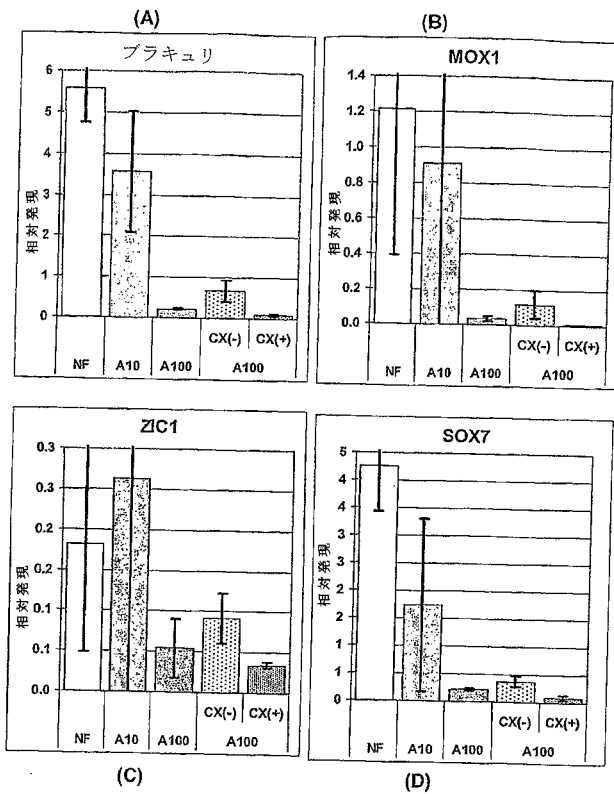
【図 3 1】



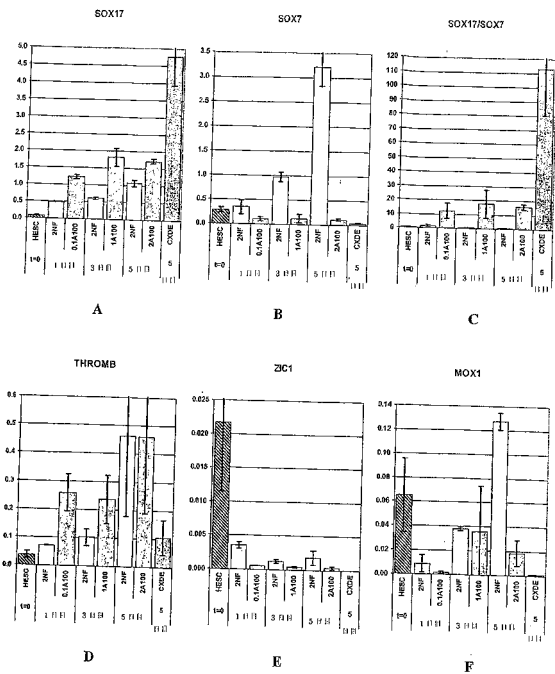
【図 3 2】



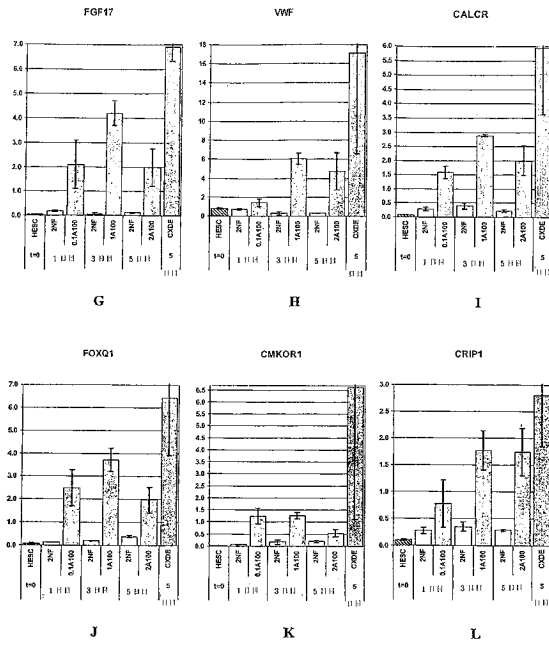
【図 3 3】



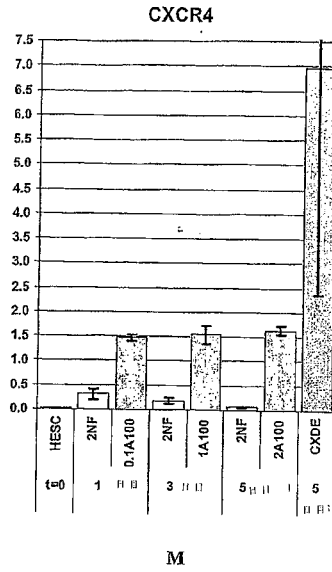
【図 3 4 - 1】



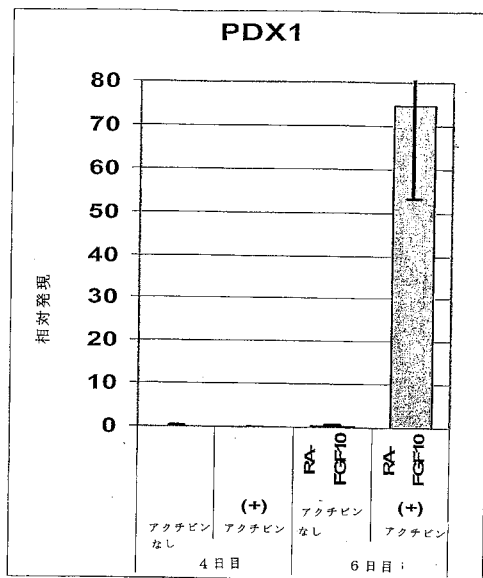
【図 3 4 - 2】



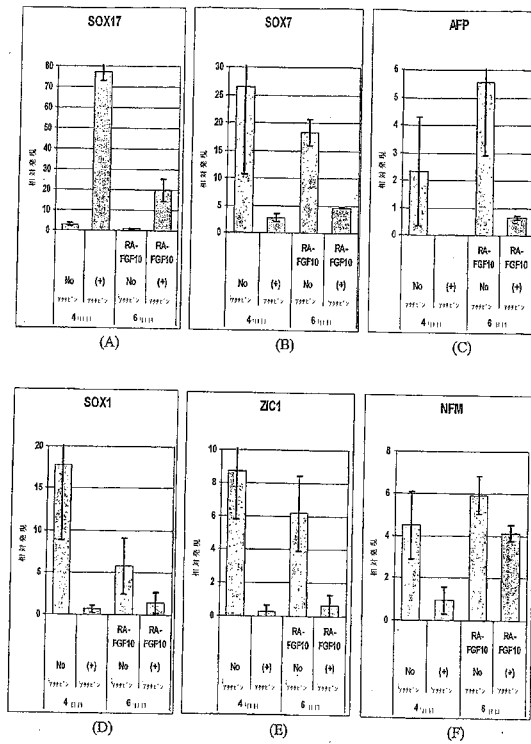
【図 3 4 - 3】



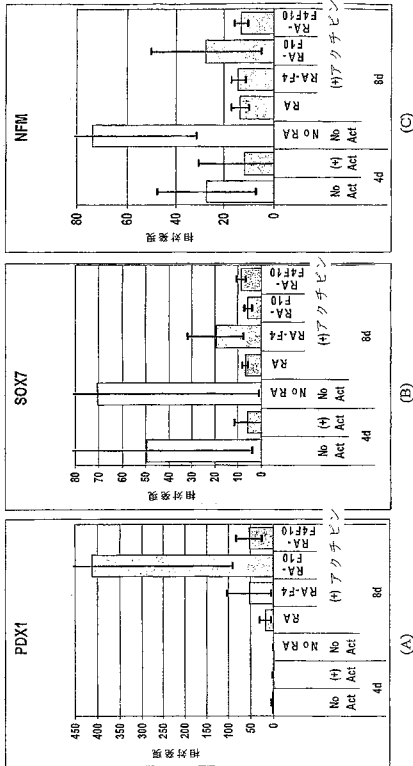
【図 3 5】



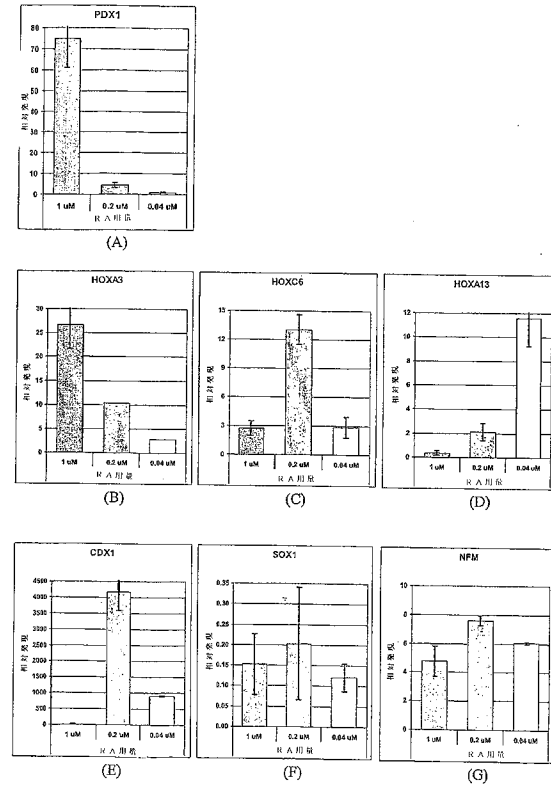
【図 3 6】



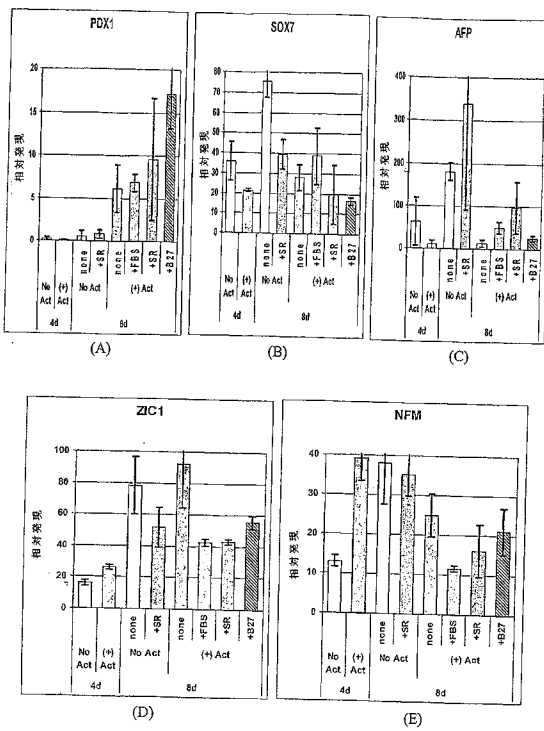
【図 37】



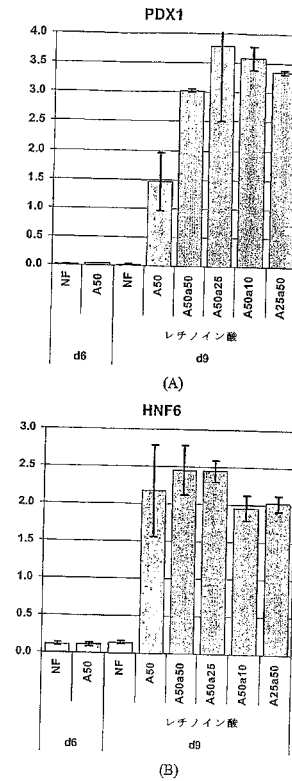
【図 38】



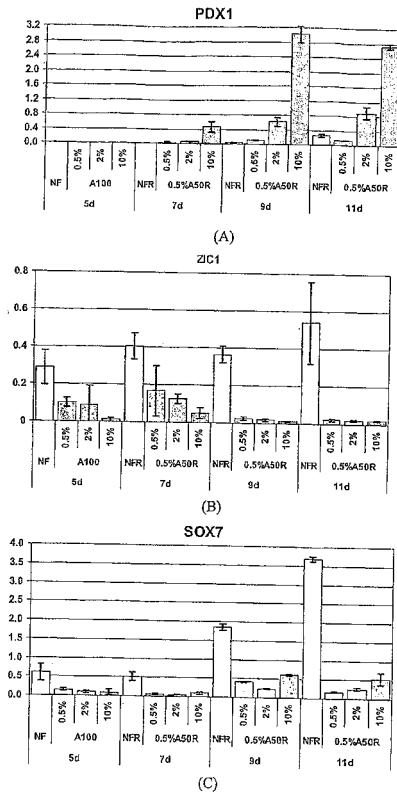
【図 39】



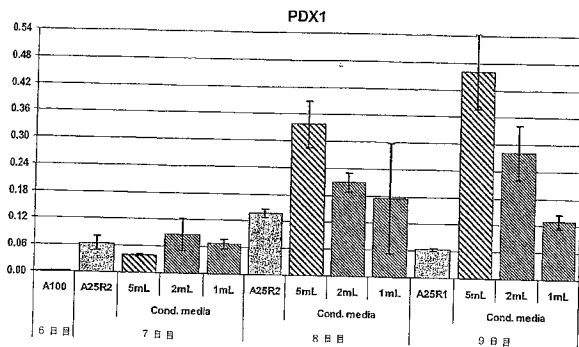
【図 40】



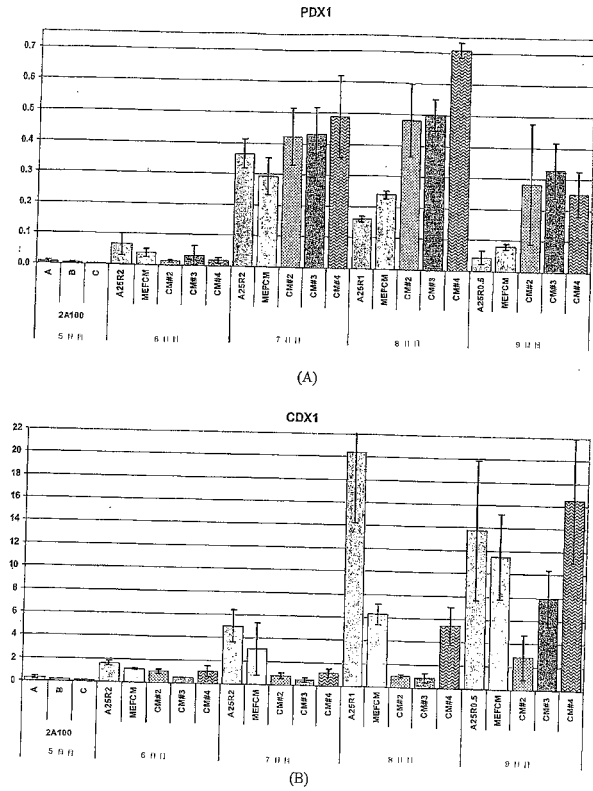
【図 4 1】



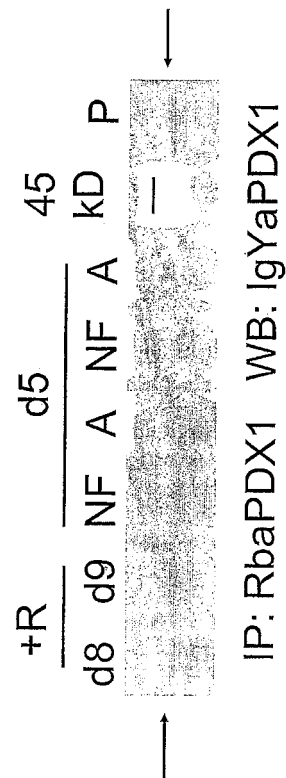
【図 4 3】



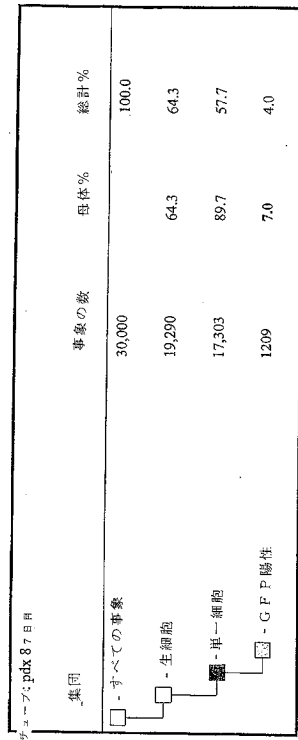
【図 4 2】



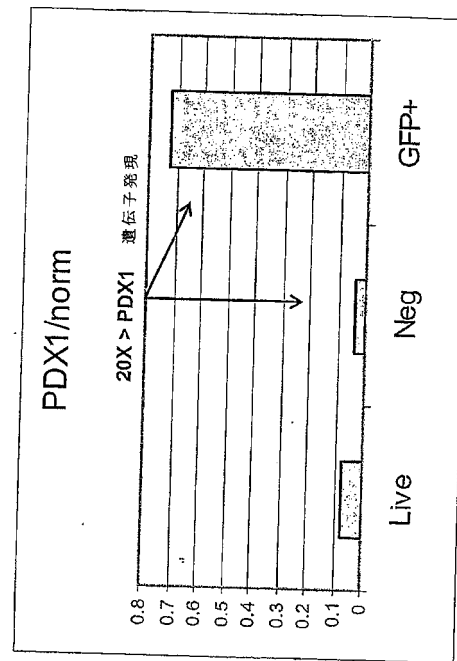
【図 4 4】



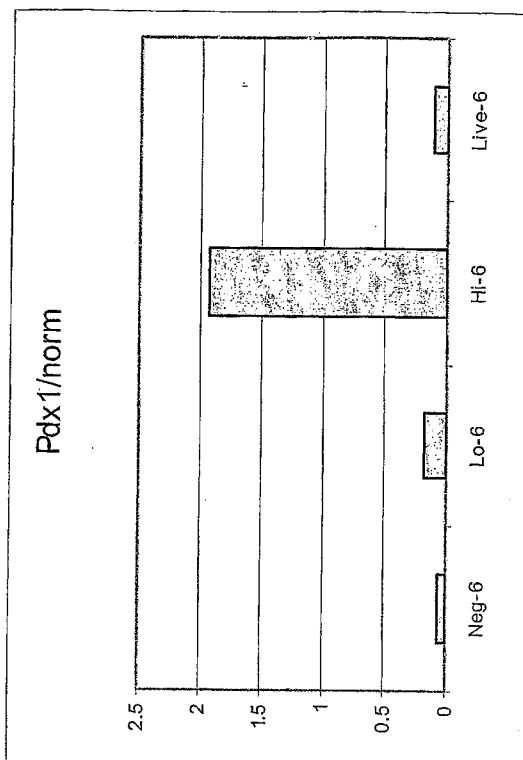
【図 45】



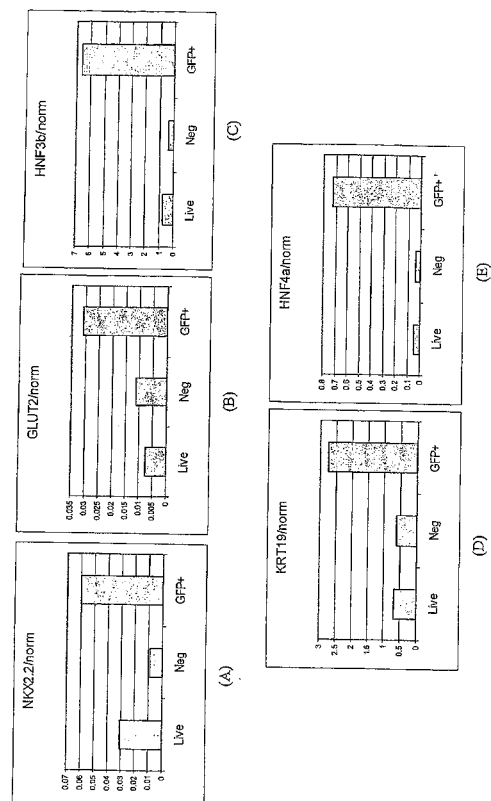
【図 46】



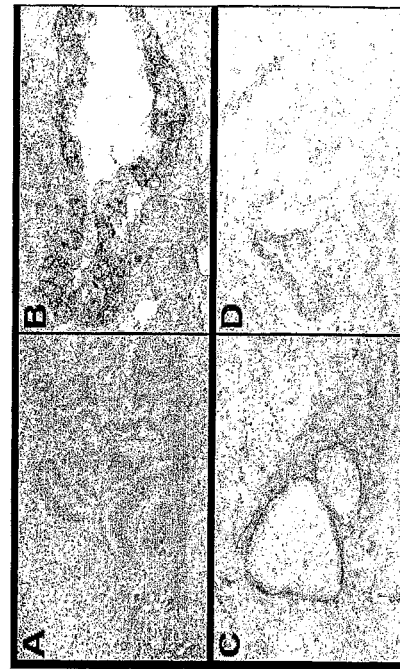
【図 47】



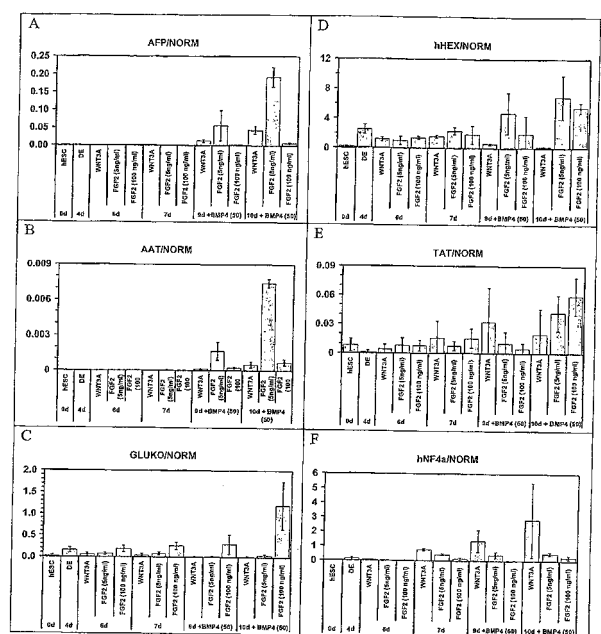
【図 48】



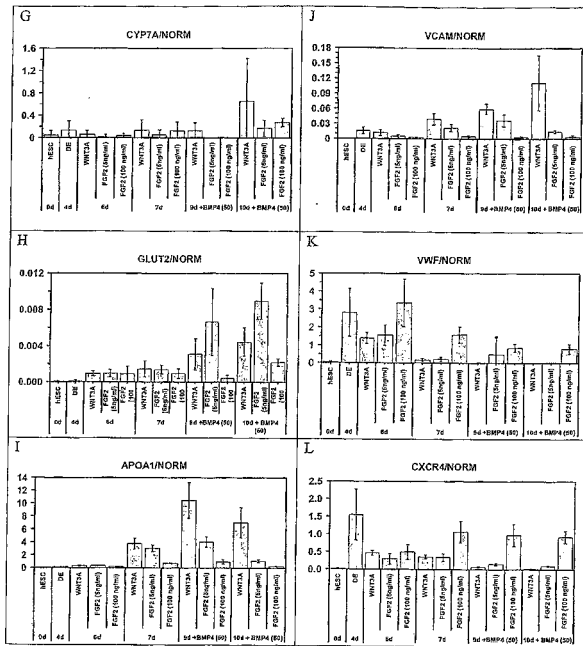
【 図 5 0 】



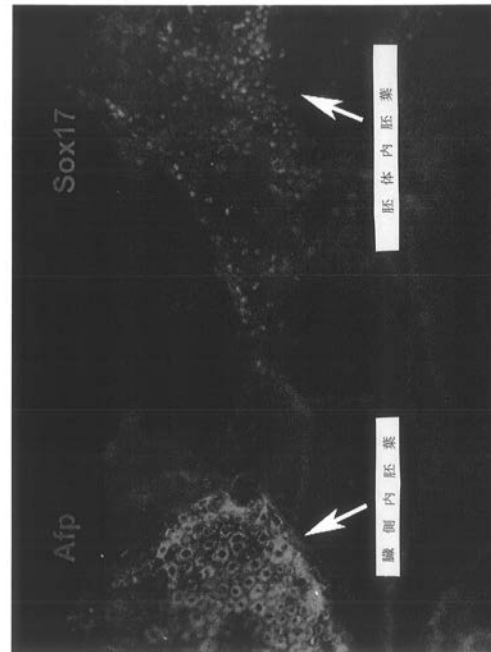
【 図 5 2 - 1 】



【図 52 - 2】



【図 17】



【配列表】

2016105712000001.app

【手続補正書】

【提出日】平成28年1月25日(2016.1.25)

【手続補正1】

【補正対象書類名】特許請求の範囲

【補正対象項目名】全文

【補正方法】変更

【補正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項1】

ヒト多能性細胞及びTGFβスーパーファミリー成長因子を含むインビトロ組成物。

【請求項2】

OCT4を発現する細胞及びTGFβスーパーファミリー成長因子を含むインビトロ組成物。

【請求項3】

ヒト多能性細胞、TGFβスーパーファミリー成長因子、及びWNTタンパク質を含むインビトロ組成物。

【請求項4】

WNTタンパク質がWnt3Aである、請求項3に記載の組成物。

【請求項5】

血清代替物を含まない、請求項1～4のいずれか1項に記載の組成物。

【請求項6】

TGFβスーパーファミリー成長因子がアクチビンAである、請求項1～5のいずれか1項に記載の組成物。

【請求項 7】

ヒト多能性細胞がヒト胚性幹細胞である、請求項 1 ～ 6 のいずれか 1 項に記載の組成物。

【請求項 8】

B 2 7 を欠いている、請求項 1 ～ 7 のいずれか 1 項に記載の組成物。

【請求項 9】

グルコースをさらに含む、請求項 1 ～ 8 のいずれか 1 項に記載の組成物。

【請求項 10】

組成物が 10 % (v / v) 未満の血清を含む、請求項 1 ～ 9 のいずれか 1 項に記載の組成物。

【請求項 11】

組成物が 2 % (v / v) 未満の血清を含む、請求項 1 ～ 9 のいずれか 1 項に記載の組成物。

【請求項 12】

組成物が 0 . 5 % (v / v) 未満の血清を含む、請求項 1 ～ 9 のいずれか 1 項に記載の組成物。

【請求項 13】

30 ng / ml 以上のアクチビン A が存在する、請求項 1 ～ 12 のいずれか 1 項に記載の組成物。

【請求項 14】

アクチビン A、アクチビン B 及び Wnt 3 A が存在する、請求項 1 ～ 13 のいずれか 1 項に記載の組成物。

フロントページの続き

(31)優先権主張番号 11/115,868

(32)優先日 平成17年4月26日(2005.4.26)

(33)優先権主張国 米国(US)

(72)発明者 アグルニック, アラン ディー

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 2 0 6 9 サン マルコス ストラットフォード コート
1 2 5 9

(72)発明者 エリアゼル, スーザン

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 2 1 2 6 サン ディエゴ カミニト アルバレス 1 0 3
7 2

(72)発明者 ベートゲ, エマニュエル

アメリカ合衆国 カリフォルニア 9 2 0 2 4 エンシニタス サンセット ドライブ 3 0 8

F ターム(参考) 2G045 AA40 CB01 DA36

4B024 AA11 AA15 CA04 CA12 GA27 GA30 HA14

4B063 QA01 QA18 QQ08 QQ42 QQ52 QQ79 QR32 QR35 QR48 QR62

QR77 QS25 QS35

4B065 AA93X AC20 BA25 BB04 BB19 BB20 BB40 BC50 CA44

专利名称(译)	鉴定用于区分定形内胚层的因子的方法		
公开(公告)号	JP2016105712A	公开(公告)日	2016-06-16
申请号	JP2015252389	申请日	2015-12-24
申请(专利权)人(译)	通过该网站，公司		
[标]发明人	ダムールケヴィンアレン アグルニックアランディー エリアゼルスーザン ベートゲエマニュエル		
发明人	ダムール,ケヴィン アレン アグルニック,アラン ディー エリアゼル,スーザン ベートゲ,エマニュエル		
IPC分类号	C12Q1/02 C12N5/073 C12N15/09 G01N33/68 G01N33/53 C07K14/71 C12N5/00 C12N5/071 C12N5/0735		
CPC分类号	A61K35/12 C12N5/0018 C12N5/0603 C12N5/0606 C12N5/0676 C12N5/0679 C12N15/1086 C12N2500/90 C12N2501/115 C12N2501/119 C12N2501/155 C12N2501/16 C12N2501/385 C12N2501/415 C12N2502/02 C12N2502/13 C12N2503/00 C12N2506/02 C12N2510/00 C12Q1/6881 C12Q2600/158		
FI分类号	C12Q1/02.ZNA C12N5/073 C12N15/00.A G01N33/68 G01N33/53.Y C12N15/10.P C12N15/10.Z C12N5/071 C12N5/0735.ZNA C12Q1/6881.C C12Q1/6881.Z		
F-TERM分类号	2G045/AA40 2G045/CB01 2G045/DA36 4B024/AA11 4B024/AA15 4B024/CA04 4B024/CA12 4B024/GA27 4B024/GA30 4B024/HA14 4B063/QA01 4B063/QA18 4B063/QQ08 4B063/QQ42 4B063/QQ52 4B063/QQ79 4B063/QR32 4B063/QR35 4B063/QR48 4B063/QR62 4B063/QR77 4B063/QS25 4B063/QS35 4B065/AA93X 4B065/AC20 4B065/BA25 4B065/BB04 4B065/BB19 4B065/BB20 4B065/BB40 4B065/BC50 4B065/CA44		
代理人(译)	川口义行		
优先权	60/586566 2004-07-09 US 60/587942 2004-07-14 US 11/021618 2004-12-23 US 11/115868 2005-04-26 US		
其他公开文献	JP6389453B2		
外部链接	Espacenet		

摘要(译)

要解决的问题：提供用于诱导hESC的有效定向分化的方法，其作为用于产生细胞的起始材料，其用于细胞治疗应用。解决方案：鉴定分化因子的方法，其使得可以促进人的分化胚胎内胚层细胞的方法包括：获得包括人胚胎内胚层细胞的细胞群的过程;向细胞群提供候选分化因子的过程;测量标记物的表达的过程所述细胞群在第一点;在第二点测量细胞群体中相同标志物的表达的过程;以及确定在第二点的细胞群体中标志物的表达是否相对于在第一点的细胞群体中的标志物的表达增加或降低的过程，其中在第一点的细胞群体中的标志物的表达增加或减少，评估细胞群体中的标志物，所述候选分化因子能够促进人胚胎内胚层细胞的分化。选择图：数字

段階的β細胞分化

