



**【特許請求の範囲】****【請求項 1】**

- (a) 配列番号 4 - 10 の何れか一の C D R - L 1 配列、
- (b) 配列番号 11 - 16 の何れか一の C D R - L 2 配列、
- (c) 配列番号 17 - 24 の何れか一の C D R - L 3 配列、
- (d) 配列番号 25 - 32 又は 67 の何れか一の C D R - H 1 配列、
- (e) 配列番号 33 - 40 又は 68 の何れか一の C D R - H 2 配列、及び
- (f) 配列番号 41 - 48 又は 69 - 73 の何れか一の C D R - H 3 配列

からなる群より選択された少なくとも一の C D R 配列を含んでなる単離された抗体。

**【請求項 2】**

抗体断片である、請求項 1 に記載の抗体。

10

**【請求項 3】**

キメラ抗体又はヒト化抗体である、請求項 1 に記載の抗体。

**【請求項 4】**

増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項 1 に記載の抗体。

**【請求項 5】**

細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項 1 に記載の抗体。

**【請求項 6】**

細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位元素及び核酸分解酵素からなる群より選択される、請求項 5 に記載の抗体。

20

**【請求項 7】**

細胞障害性剤が毒素である、請求項 5 に記載の抗体。

**【請求項 8】**

毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群より選択されるものである、請求項 7 に記載の抗体。

**【請求項 9】**

毒素がオーリスタチンである、請求項 8 に記載の抗体。

**【請求項 10】**

細菌中で産生される、請求項 1 に記載の抗体。

**【請求項 11】**

C H O 細胞中で産生される、請求項 1 に記載の抗体。

30

**【請求項 12】**

結合する細胞の死を誘発する、請求項 1 に記載の抗体。

**【請求項 13】**

前記細胞が乳癌細胞である、請求項 12 に記載の抗体。

**【請求項 14】**

前記細胞が肺癌細胞である、請求項 12 に記載の抗体。

**【請求項 15】**

検出可能に標識される、請求項 1 に記載の抗体。

**【請求項 16】**

V H 配列及び V L 配列を含み、前記 V L 配列が配列番号 49 - 57 又は 74 に示される何れかである単離された抗体。

40

**【請求項 17】**

V H 配列は配列番号 58 - 66 又は 75 - 79 に示される何れかである、請求項 16 に記載の単離された抗体。

**【請求項 18】**

V L 配列は配列番号 49 であり、及び V H 配列は配列番号 58 である、請求項 17 に記載の単離された抗体。

**【請求項 19】**

V L 配列は配列番号 50 であり、及び V H 配列は配列番号 59 である、請求項 17 に記

50

載の単離された抗体。

【請求項 20】

V L 配列は配列番号 5 1 であり、及び V H 配列は配列番号 6 0 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 21】

V L 配列は配列番号 5 2 であり、及び V H 配列は配列番号 6 1 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 22】

V L 配列は配列番号 5 3 であり、及び V H 配列は配列番号 6 2 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 23】

V L 配列は配列番号 5 4 であり、及び V H 配列は配列番号 6 3 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 24】

V L 配列は配列番号 5 5 であり、及び V H 配列は配列番号 6 4 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 25】

V L 配列は配列番号 5 6 であり、及び V H 配列は配列番号 6 5 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 26】

V L 配列は配列番号 5 7 であり、及び V H 配列は配列番号 6 6 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 27】

請求項 1 に記載の抗体を産生する細胞。

【請求項 28】

請求項 1 に記載の抗体をコードする単離された核酸。

【請求項 29】

請求項 1 に記載の抗体である第二の抗体が結合した T A T 1 9 4 抗原性エピトープに結合する第一の抗体を同定する方法であって、前記方法が、前記第二の抗体の T A T 1 9 4 ポリペプチドへの結合を遮断する前記第一の抗体の能力を決定することを含み、前記第二の抗体の前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドへの結合を遮断する前記第一の抗体の能力が、等しい抗体濃度で少なくとも 4 0 % であった場合に、前記第二の抗体が結合したエピトープへ結合することができる前記第一の抗体を示す方法。

【請求項 30】

T A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞の増殖を阻害する方法であって、前記細胞に、請求項 1 に記載の抗体を接触させることを含み、前記抗体の前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドへの結合が、前記細胞の増殖の阻害を引き起こす方法。

【請求項 31】

前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドが配列番号 2 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 3 0 に記載の方法。

【請求項 32】

前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドが配列番号 3 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 3 0 に記載の方法。

【請求項 33】

前記細胞が乳癌細胞である、請求項 3 0 に記載の方法。

【請求項 34】

前記細胞が肺癌細胞である、請求項 3 0 に記載の方法。

【請求項 35】

T A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞を含む癌性腫瘍を有する哺乳動物を治療的に処置する方法であって、前記方法が、前記哺乳動物に対して、請求項 1 に記載の抗体の治

10

20

30

40

50

療的有効量を投与することにより、前記哺乳動物を効果的に処置することを含む方法。

【請求項 36】

前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドが配列番号 2 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 35 に記載の方法。

【請求項 37】

前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドが配列番号 3 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 35 に記載の方法。

【請求項 38】

前記細胞が乳癌細胞である、請求項 35 に記載の方法。

【請求項 39】

前記細胞が肺癌細胞である、請求項 35 に記載の方法。

【請求項 40】

T A T 1 9 4 タンパク質を含むと疑われる試料中における前記タンパク質の存在を決定する方法であって、前記方法が、請求項 1 に記載の抗体に前記試料を曝露し、前記試料中において前記タンパク質への前記抗体の結合を決定することを含み、前記タンパク質への抗体の結合が、前記試料中における前記タンパク質の存在を示す方法。

【請求項 41】

前記試料が、前記タンパク質を発現すると疑われる細胞を含む、請求項 40 に記載の方法。

【請求項 42】

前記細胞が乳癌細胞である、請求項 41 に記載の方法。

【請求項 43】

前記細胞が肺癌細胞である、請求項 41 に記載の方法。

【請求項 44】

前記抗体が検出可能に標識される、請求項 40 に記載の方法。

【請求項 45】

哺乳動物において腫瘍の存在を診断する方法であって、前記方法が、前記哺乳動物から採取した組織細胞の試験試料、及び同じ組織起源の既知の正常細胞のコントロール試料における、T A T 1 9 4 ポリペプチドをコードする遺伝子の発現レベルを決定することを含み、コントロール試料と比較して試験試料における前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドの発現レベルがより高い場合に、試験試料を採取した哺乳動物における腫瘍の存在を示す方法。

【請求項 46】

前記ポリペプチドをコードする遺伝子の発現レベルを決定する工程が、インシットハイブリダイゼーション又は R T - P C R 分析においてオリゴヌクレオチドを使用することを含む、請求項 45 に記載の方法。

【請求項 47】

前記タンパク質をコードする遺伝子の発現レベルを決定する工程が、免疫組織化学分析又はウエスタンブロット分析において抗体を使用することを含む、請求項 45 に記載の方法。

【請求項 48】

前記腫瘍が乳房腫瘍又は肺腫瘍である、請求項 45 に記載の方法。

【請求項 49】

前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドが配列番号 2 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 45 に記載の方法。

【請求項 50】

前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドが配列番号 3 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 45 に記載の方法。

【請求項 51】

哺乳動物における腫瘍の存在を診断する方法であって、前記方法が、前記哺乳動物から採取した組織細胞の試験試料を請求項 1 に記載の抗体と接触させて、試験試料中での前記

10

20

30

40

50

抗体とT A T 1 9 4 タンパク質との複合体の形成を検出することを含み、複合体の形成が、前記哺乳動物における腫瘍の存在を示す方法。

【請求項 5 2】

前記組織細胞からなる試験試料が、癌性腫瘍を有することが疑われる個体から得られたものである、請求項 5 1 に記載の方法。

【請求項 5 3】

前記癌性腫瘍が乳房腫瘍又は肺腫瘍である、請求項 5 2 に記載の方法。

【請求項 5 4】

前記 T A T 1 9 4 タンパク質が配列番号 2 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 5 1 に記載の方法。

10

【請求項 5 5】

前記 T A T 1 9 4 タンパク質が配列番号 3 のアミノ酸配列又はその細胞外ドメインを含む、請求項 5 1 に記載の方法。

【請求項 5 6】

T A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞に細胞障害性剤又は診断薬を送達する方法であって、前記 T A T 1 9 4 ポリペプチドに結合して抗体 - 薬剤コンジュゲートを形成する抗体にコンジュゲートした細胞障害性剤又は診断薬を提供すること、及び抗体 - 薬剤コンジュゲートに前記細胞を曝露することを含む、方法。

【請求項 5 7】

V L 配列は配列番号 7 4 であり、V H 配列は配列番号 7 5 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

20

【請求項 5 8】

V L 配列は配列番号 7 4 であり、V H 配列は配列番号 7 6 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 5 9】

V L 配列は配列番号 7 4 であり、V H 配列は配列番号 7 7 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 6 0】

V L 配列は配列番号 7 4 であり、V H 配列は配列番号 7 8 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

30

【請求項 6 1】

V L 配列は配列番号 7 4 であり、V H 配列は配列番号 7 9 である、請求項 1 7 に記載の単離された抗体。

【請求項 6 2】

- ( a ) 配列番号 6 の C D R - L 1 配列 ;
- ( b ) 配列番号 1 3 の C D R - L 2 配列 ;
- ( c ) 配列番号 1 9 の C D R - L 3 配列 ;
- ( d ) 配列番号 6 7 の C D R - H 1 配列 ;
- ( e ) 配列番号 6 8 の C D R - H 2 配列 ; 及び
- ( f ) 配列番号 6 9 の C D R - H 3 配列

40

を含む、請求項 1 に記載の単離された抗体。

【請求項 6 3】

- ( a ) 配列番号 6 の C D R - L 1 配列 ;
- ( b ) 配列番号 1 3 の C D R - L 2 配列 ;
- ( c ) 配列番号 1 9 の C D R - L 3 配列 ;
- ( d ) 配列番号 6 7 の C D R - H 1 配列 ;
- ( e ) 配列番号 6 8 の C D R - H 2 配列 ; 及び
- ( f ) 配列番号 7 0 の C D R - H 3 配列

を含む、請求項 1 に記載の単離された抗体。

【請求項 6 4】

50

( a ) 配列番号 6 の C D R - L 1 配列 ;  
 ( b ) 配列番号 1 3 の C D R - L 2 配列 ;  
 ( c ) 配列番号 1 9 の C D R - L 3 配列 ;  
 ( d ) 配列番号 6 7 の C D R - H 1 配列 ;  
 ( e ) 配列番号 6 8 の C D R - H 2 配列 ; 及び  
 ( f ) 配列番号 7 1 の C D R - H 3 配列  
 を含む、請求項 1 に記載の単離された抗体。

【請求項 6 5】

( a ) 配列番号 6 の C D R - L 1 配列 ;  
 ( b ) 配列番号 1 3 の C D R - L 2 配列 ;  
 ( c ) 配列番号 1 9 の C D R - L 3 配列 ;  
 ( d ) 配列番号 6 7 の C D R - H 1 配列 ;  
 ( e ) 配列番号 6 8 の C D R - H 2 配列 ; 及び  
 ( f ) 配列番号 7 2 の C D R - H 3 配列  
 を含む、請求項 1 に記載の単離された抗体。

10

【請求項 6 6】

( a ) 配列番号 6 の C D R - L 1 配列 ;  
 ( b ) 配列番号 1 3 の C D R - L 2 配列 ;  
 ( c ) 配列番号 1 9 の C D R - L 3 配列 ;  
 ( d ) 配列番号 6 7 の C D R - H 1 配列 ;  
 ( e ) 配列番号 6 8 の C D R - H 2 配列 ; 及び  
 ( f ) 配列番号 7 3 の C D R - H 3 配列  
 を含む、請求項 1 に記載の単離された抗体。

20

【発明の詳細な説明】

【発明の開示】

【0001】

関連出願の相互参照

本出願は、2012年5月14日に提出された米国仮出願第61/646,803号、及び2013年3月11日に提出された同第61/776,603号の利益を主張し、その出願は、参照によりその全体が本明細書に援用される。

30

【0002】

配列表

本出願は、EFS-Web経由でASCIIフォーマットで提出された配列表を含み、その全体が本明細書中で参照することにより援用される。前記ASCIIコピーは、2013年3月11日に作成され、P5043R1WO\_PCT配列表と命名され、大きさは62928バイトである。

【0003】

発明の分野

本発明は、哺乳動物における腫瘍の診断と治療に有用な物質の組成物と、同用途のために該物質の組成物を使用する方法に関する。

40

【0004】

発明の背景

悪性腫瘍（癌）は、米国において心臓疾患に続き第2の主要な死亡原因である（Boring等, CA Cancer J. Clin. 43:7(1993)）。癌は、正常な組織から誘導されて腫瘍塊を形成する異常な又は腫瘍形成性の細胞の数の増加、これらの腫瘍形成性腫瘍細胞による隣接組織の侵襲、及び最終的に血液やリンパ系を介して局所のリンパ節や遠くの部位に転移と呼ばれる過程を介して広がる悪性細胞の生成を特徴とする。癌性状態においては、正常細胞が成長しない条件下で細胞が増殖する。癌自体は、異なる侵襲及び攻撃性の程度で特徴付けられる広範な種々の形態で顕現する。

【0005】

50

癌の診断及び治療に効果的な細胞標的を発見する試みでは、研究者達は、一又は複数の正常な非癌性細胞と比較し、一又は複数の特定の型の癌細胞の表面に特に発現する膜貫通又はさもなければ膜結合型のポリペプチドの同定を探求してきた。しばしば、このような膜結合ポリペプチドは非癌性細胞の表面と比べて癌細胞の表面により豊富に発現される。このような腫瘍関連細胞表面抗原ポリペプチドの同定は、抗体ベースの治療を介する癌細胞を標的として特異的に破壊する能力を生み出す。この点、抗体ベースの治療が、ある種の癌の治療において非常に効果的であることが証明されていることが留意される。例えば、ハーセプチン（登録商標）及びリツキサン（登録商標）（双方共にジェネンテック社、サウス サンフランシスコ、カリフォルニア）は、それぞれ乳癌及び非ホジキンリンパ腫を治療するのに成功裏に用いられている抗体である。より具体的には、ハーセプチン（登録商標）は、ヒト上皮成長因子レセプター2（HER2）プロト-オンコジーンの細胞外ドメインに選択的に結合する組換えDNA誘導ヒトモノクローナル抗体である。HER2タンパク質の過剰発現は、25 - 30%の原発性乳癌に観察される。リツキサン（登録商標）は、正常及び悪性Bリンパ球の表面に見出されるCD20抗原に対する遺伝子操作キメラマウス/ヒトモノクローナル抗体である。これら抗体の双方共、CHO細胞中で組換え操作によって産生される。

10

20

30

40

50

#### 【0006】

哺乳動物の癌治療は上記のような進歩を見ているが、それぞれ哺乳動物における腫瘍の存在を検出することができ、腫瘍性の細胞増殖を有効に抑制するためのさらなる診断薬及び治療薬に対する需要は依然大きい。従って、本発明の目的は、正常細胞又は他の癌細胞と比較して、1以上の種類の癌細胞に大量に発現する細胞膜随伴ポリペプチドを同定すること、及び、それらポリペプチドとそれらがコードする核酸を使用して哺乳動物の癌の治療的処置及び診断的検出に有用な組成物を生成することである。

#### 【発明の概要】

#### 【0007】

本明細書において、本出願人は、正常な非癌細胞の一又は複数の型の表面より、癌細胞の一又は複数の型の表面で多く発現される細胞性ポリペプチド（及びそれらのコード核酸又はその断片）の同定を最初に記載する。このようなポリペプチドは、本明細書で腫瘍関連抗原性標的（Tumor-associated Antigenic Target）ポリペプチド（「TAT」ポリペプチド）と呼ばれ、哺乳動物における癌治療及び診断の効果的な標的となることが予想される。

#### 【0008】

従って、本発明の一実施態様では、本発明は、腫瘍関連抗原性標的ポリペプチド又はその断片（「TAT」ポリペプチド）をコードするヌクレオチド配列を有する単離された核酸分子を提供する。

#### 【0009】

ある態様では、単離された核酸分子は、（a）ここで開示されるアミノ酸配列を有する完全長TATポリペプチド、ここで開示されるシグナルペプチドを欠くTATポリペプチドアミノ酸配列、本明細書に開示される膜貫通TATポリペプチドの細胞外ドメインで、シグナルペプチドを含む又は含まないもの、又は本明細書に開示される完全長TATポリペプチドアミノ酸配列の任意の他の具体的に定まった断片をコードするDNA分子、又は（b）（a）のDNA分子の相補鎖に対して、少なくとも約80%の核酸配列同一性、あるいは少なくとも約81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、99%又は100%の核酸配列同一性を有するヌクレオチド配列を含む。

#### 【0010】

他の態様では、単離された核酸分子は、（a）ここで開示される完全長TATポリペプチドcDNAのコード化配列、ここで開示されるシグナルペプチドを欠くTATポリペプチドのコード化配列、本明細書に開示される膜貫通TATポリペプチドの細胞外ドメインのシグナルペプチドを含む又は含まないコード化配列、又は本明細書に開示される完全長

T A Tポリペプチドアミノ酸配列の任意の他の具体的に定まった断片のコード化配列、又は(b)(a)のDNA分子の相補鎖に対して、少なくとも約80%の核酸配列同一性、あるいは少なくとも約81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、99%又は100%の核酸配列同一性を有するヌクレオチド配列を含む。

【0011】

本発明の他の態様は、膜貫通ドメイン欠損又は膜貫通ドメイン不活性化のいずれかである、又はそのようなコード化ヌクレオチド配列と相補的であるT A Tポリペプチドをコードするヌクレオチド配列を含む単離された核酸分子を提供し、そのようなポリペプチドの膜貫通ドメインはここで開示されている。従って、ここに記載のT A Tポリペプチドの可溶性細胞外ドメインが考慮される。

10

【0012】

他の態様では、本発明は、(a)ここで開示される完全長アミノ酸配列を有するT A Tポリペプチド、ここで開示されるシグナルペプチドを欠くT A Tポリペプチドアミノ酸配列、本明細書に開示される膜貫通T A Tポリペプチドの細胞外ドメインで、シグナルペプチドを伴う又は伴わないもの、又はここで開示される完全長T A Tポリペプチドアミノ酸配列の任意の他の具体的に定まった断片をコードするヌクレオチド配列、又は(b)(a)のヌクレオチド配列の相補鎖とハイブリダイズする単離された核酸分子に関する。この点に関して、本発明の実施態様は、例えば、診断用プローブ、PCRプライマー、アンチセンスオリゴヌクレオチドプローブとして有用なハイブリダイゼーションプローブとしての用途を見出し得る、本明細書に開示される、完全長T A Tポリペプチドコード化配列の断片、又はその相補鎖、又は抗T A Tポリペプチド抗体の結合部位を含むポリペプチドを任意にコードし得る完全長T A Tポリペプチドのコード化断片に関する。このような核酸断片は、通常は少なくとも約5のヌクレオチド長、あるいは少なくとも約6、7、8、9、10、11、12、13、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、35、40、45、50、55、60、65、70、75、80、85、90、95、100、105、110、115、120、125、130、135、140、145、150、155、160、165、170、175、180、185、190、195、200、210、220、230、240、250、260、270、280、290、300、310、320、330、340、350、360、370、380、390、400、410、420、430、440、450、460、470、480、490、500、510、520、530、540、550、560、570、580、590、600、610、620、630、640、650、660、670、680、690、700、710、720、730、740、750、760、770、780、790、800、810、820、830、840、850、860、870、880、890、900、910、920、930、940、950、960、970、980、990、又は1000ヌクレオチド長であり、この文脈において「約」という用語は、表示ヌクレオチド配列長にその表示長の10%を加えるか又は減じたものを意味する。更に、このような核酸断片は、通常、T A Tポリペプチド又はその相補鎖の完全長コード化配列から得られる連続するヌクレオチドからなる。T A Tポリペプチド又はその相補鎖のコード化ヌクレオチド配列の新規な断片は、よく知られた配列アラインメントプログラムの任意のものを使用してT A Tポリペプチドコード化ヌクレオチド配列を他の既知のヌクレオチド配列にアラインメントさせ、どのT A Tポリペプチドコード化ヌクレオチド配列断片、又はその相補鎖が新規であるかを決定することによって、常套的に決定しうることが知られている。そのようなT A Tポリペプチドコード化ヌクレオチド配列の新規な断片の全て、又はその相補鎖がここで考慮される。また考慮されるものは、これらのヌクレオチド分子断片によりコードされるT A Tポリペプチド断片、好ましくは抗T A T抗体に対する結合部位を含んでなるT A Tポリペプチド断片である。

20

30

40

【0013】

50

他の実施態様では、本発明は上記において特定した単離された核酸配列の何れかによりコードされる単離されたT A Tポリペプチドを提供する。

【0014】

ある態様では、本発明は、本明細書に開示される完全長アミノ酸配列を有するT A Tポリペプチド、本明細書に開示されるシグナルペプチドを欠くT A Tポリペプチドアミノ酸配列、本明細書に開示されるシグナルペプチドを有するか又は有しない膜貫通T A Tポリペプチドタンパク質の細胞外ドメイン、本明細書に開示される核酸配列の任意のもの、又は本明細書に開示される完全長T A Tポリペプチドアミノ酸配列でその他の具体的に定まった断片によってコードされているアミノ酸配列に対して、少なくとも約80%のアミノ酸配列同一性、あるいは少なくとも約81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、99%又は100%のアミノ酸配列同一性を有するアミノ酸配列を含む単離されたT A Tポリペプチドに関する。

10

【0015】

更なる態様において、本発明は単離されたT A Tポリペプチドに関し、本単離されたT A Tポリペプチドは、(a)本明細書に開示される完全長アミノ酸配列を有するT A Tポリペプチド、(b)本明細書に開示されるシグナルペプチドを欠くT A Tポリペプチドアミノ酸配列、(c)シグナルペプチドを有するか又は欠く、本明細書に開示される膜貫通T A Tポリペプチドタンパク質の細胞外ドメイン、(d)本明細書に開示される核酸配列のいずれかによってコードされるアミノ酸配列、又は(e)本明細書に開示される完全長T A Tポリペプチドアミノ酸配列の、特に規定された他のいずれかの断片、をコードするD N A分子の相補鎖にハイブリダイズする核酸配列によりコードされるアミノ酸配列を含む。

20

【0016】

特定の態様では、本発明は、N末端シグナル配列及び/又は開始メチオニンを持たない単離されたT A Tポリペプチドを提供し、それは上述したそのようなアミノ酸配列をコードするヌクレオチド配列によってコードされている。これを製造する方法もまたここに開示され、これらの方法には、T A Tポリペプチドの発現に適した条件下で適切なコード化核酸分子を含有するベクターを含む宿主細胞を培養し、細胞培養物からT A Tポリペプチドを回収することを含む。

30

【0017】

本発明の他の態様は、膜貫通ドメインが欠失したか又は膜貫通ドメインが不活性化している単離されたT A Tポリペプチドを提供する。これを製造する方法もまたここに開示され、これらの方法には、T A Tポリペプチドの発現に適した条件下で適切なコード化核酸分子を含むベクターを含む宿主細胞を培養し、細胞培養物からT A Tポリペプチドを回収することを含む。

【0018】

本発明の他の実施態様では、本発明は、ここで記載されているポリペプチドの何れかをコードするD N Aを含むベクターを提供する。任意のそのようなベクターを含む宿主細胞も提供される。例を挙げると、宿主細胞はC H O細胞、大腸菌、又は酵母菌であり得る。ここに開示されているポリペプチドの何れかの製造方法がさらに提供され、所望するポリペプチドの発現に適した条件下で宿主細胞を培養し、細胞培養物からその所望するポリペプチドを回収することを含んでなる。

40

【0019】

他の実施態様では、本発明は、異種(非-T A T)ポリペプチドに融合した、ここに開示のT A Tポリペプチドの何れかを含む単離したキメラポリペプチドを提供する。そのようなキメラ分子の例は、例えば、エプープタグ配列又は免疫グロブリンのF c領域等の異種ポリペプチドと融合したここに開示のT A Tポリペプチドの何れかを含む。

【0020】

その他の実施態様では、本発明は、上記又は下記のポリペプチドの何れかと、好ましく

50

は特異的に結合する抗体を提供する。場合によっては、その抗体はモノクローナル抗体、抗体断片、キメラ抗体、ヒト化抗体、二重特異性抗体、一本鎖抗体又は抗TATポリペプチド抗体がその各抗原性エピトープと結合するのを競合的に阻害する抗体である。本発明の抗体は、例えば、メイタンシノイド又はカリケアマイシン又はオーリスタチンを含む毒素のような増殖阻害剤又は細胞障害性剤、抗生物質、放射性同位体、核酸分解酵素等と場合によってはコンジュゲートし得る。本発明の抗体は、場合によってはCHO細胞又は細菌細胞で産生され、好ましくは、それが結合する細胞の成長又は増殖を阻害するか、又は死を誘導する。診断の目的に対しては、本発明の抗体は、検出可能に標識されたり、固体支持体に付着されたりする。

#### 【0021】

本発明の他の実施態様では、本発明はここで開示されている抗体の何れかをコードするDNAを含むベクターを提供する。任意のそのようなベクターを含む宿主細胞も提供される。例を挙げると、この宿主細胞はCHO細胞、大腸菌、又は酵母菌であり得る。ここに記載されている抗体の製造方法が更に提供され、所望する抗体の発現に適切な条件下で宿主細胞を培養し、細胞培養物からその所望する抗体を回収することを含んでなる。

#### 【0022】

更なる実施態様において、本発明は、担体と組合わされて、本明細書に記載されるTATポリペプチド、本明細書に記載されるキメラTATペプチド、又は本明細書に記載される抗TAT抗体を含む物質の組成物に関する。場合によっては、担体は、薬学的に許容される担体である。

#### 【0023】

更なる別の実施態様において、本発明は、容器及び容器内に収容された組成物を含む製造品に関し、その組成物には、本明細書に記載のTATポリペプチド、本明細書に記載のキメラTATポリペプチド、又は本明細書に記載の抗TAT抗体が含まれ得る。製造品は、更に場合によっては、腫瘍の治療的処置又は診断的検出のためのこの組成物の使用に言及する、容器に添付したラベル、又は容器内に含まれるパッケージ挿入物を含みうる。

#### 【0024】

本発明の他の実施態様は、TATポリペプチド、キメラTATポリペプチド、又は抗TATポリペプチド抗体に反応する症状の治療に有用な医薬の調製のための、本明細書に記載のTATポリペプチド、本明細書に記載のキメラTATポリペプチド、又は本明細書に記載の抗TATポリペプチド抗体の使用に関する。

#### 【0025】

本発明の他の実施態様は、本明細書に開示するCDR-L1、CDR-L2、CDR-L3、CDR-H1、CDR-H2、又はCDR-H3、又はVH又はVL配列の内の1以上を含む単離された任意の抗体、或いはそのような抗体と同じエピトープに結合する任意の抗体を目的とする。

#### 【0026】

本発明の他の実施態様は、TATポリペプチドを発現する細胞の成長を阻害する方法に関し、該方法は、細胞を、TATポリペプチドと結合する抗体と接触させることを含み、ここでTATポリペプチドへの抗体の結合がTATポリペプチドを発現する細胞の成長の阻害を引き起こす。好適な実施態様では、細胞は例えば乳癌細胞又は肺癌細胞などの癌細胞であり、TATポリペプチドへの抗体の結合がTATポリペプチドを発現する前記癌細胞の死を引き起こす。場合によっては、抗体は、モノクローナル抗体、抗体断片、キメラ抗体、ヒト化抗体、二重特異性抗体、又は一本鎖抗体である。本発明の方法に用いられる抗体は、例えば、メイタンシノイド又はカリケアマイシン又はオーリスタチンを含む毒素のような増殖阻害剤又は細胞障害性剤、抗生物質、放射性同位体、核酸分解酵素等と場合によってはコンジュゲートし得る。本発明の方法に用いられる抗体は、場合によってはCHO細胞又は細菌細胞中で産生され得る。

#### 【0027】

本発明の更に他の実施態様は、TATポリペプチドを発現する細胞を含む、例えば乳癌

10

20

30

40

50

腫瘍又は肺癌腫瘍などの癌性細胞を持つ哺乳動物を治療的に処置する方法に関し、該方法は、T A Tポリペプチドと結合する抗体の治療的に有効な量を哺乳動物に投与することを含み、それによって腫瘍の効果的な治療的処置が達成される。場合によっては、抗体は、モノクローナル抗体、抗体断片、キメラ抗体、ヒト化抗体、二重特異性抗体又は一本鎖抗体である。本発明の方法に用いられる抗体は、例えば、メイタンシノイド又はカリケアマイシン又はオーリスタチンを含む毒素のような増殖阻害剤又は細胞障害性剤、抗生物質、放射性同位体、核酸分解酵素等と場合によってはコンジュゲートされ得る。本発明の方法に用いられる抗体は、場合によってはC H O細胞又は細菌細胞中で産生され得る。

**【0028】**

本発明の更に他の実施態様は、T A Tポリペプチドを含むと思われる試料中のT A Tポリペプチドの存在を決定する方法に関し、該方法は、試料をT A Tポリペプチドと結合する抗体に曝して（又は試料をT A Tポリペプチドと結合する抗体と接触させ）、試料中のT A Tポリペプチドへの抗体の結合を定量し又は検出することを含み、そのような結合の存在が、試料中のT A Tポリペプチドの存在を示す。場合によっては、試料は、T A Tポリペプチドを発現すると思われる細胞（癌細胞であり得る）を含み得る。この方法で用いる抗体は、場合によっては検出可能なように標識されたり、固体支持体に付着させられたりする。

10

**【0029】**

本発明の更なる実施態様は、哺乳動物における腫瘍の存在を診断する方法に関し、該方法は、（a）前記哺乳動物から得られた組織細胞の試験試料、及び（b）同じ組織源又は型の既知の正常な非癌性細胞のコントロール試料中における、T A Tポリペプチドをコードする遺伝子の発現のレベルを検出することを含んでなり、コントロール試料と比較して、試験試料中のT A Tポリペプチドのより高いレベルの発現が、試験試料が得られた哺乳動物での腫瘍の存在を示す。

20

**【0030】**

本発明の他の実施態様は、哺乳動物における腫瘍の存在を診断する方法に関し、該方法は、（a）哺乳動物から得られた組織細胞の試験試料を、T A Tポリペプチドと結合する抗体と接触させ、（b）試験試料中での、抗体とT A Tポリペプチドの間で形成される複合体を検出することを含んでなり、複合体の形成が、哺乳動物での腫瘍の存在を示す。場合によっては、用いられる抗体は、検出可能に標識されたり、固体支持体に付着されたりするか、及び/又は組織細胞の試験試料が癌性腫瘍を有すると思われる個体から得られる。

30

**【0031】**

本発明の更に他の実施態様は、T A Tポリペプチドの改変、好ましくは増加された発現又は活性に関連した細胞増殖性疾患を治療又は防止する方法に関し、該方法はそのような治療を必要とする患者に、有効量のT A Tポリペプチドのアンタゴニストを投与することを含んでなる。好ましくは、細胞増殖性疾患は癌であり、T A Tポリペプチドのアンタゴニストは抗T A Tポリペプチド抗体、又はアンチセンスオリゴヌクレオチドである。細胞増殖性疾患の効果的な治療又は防止はT A Tポリペプチドを発現する細胞の直接の死滅化又は増殖阻害の結果又はT A Tポリペプチドの細胞増殖増強活性のアンタゴナイズによるものでありうる。

40

**【0032】**

本発明の更に他の実施態様はT A Tポリペプチドを発現する細胞へ抗体を結合させる方法に関し、該方法は、T A Tポリペプチドを発現する細胞を、前記抗体が前記T A Tポリペプチドに結合するのに適した条件下で接触させ、それらの結合を可能にすることを含んでなる。好ましい実施態様では、抗体の細胞に対する結合の位置及び/又は量の、定性的及び/又は定量的な決定に有用な化合物又は分子を用いて抗体を標識する。

**【0033】**

本発明の更に別の実施態様は、T A Tポリペプチドを発現する細胞に細胞障害性剤又は診断薬を送達する方法を対象とし、その方法は、前記T A Tポリペプチドに結合して抗体

50

- 薬剤コンジュゲートを形成する抗体にコンジュゲートした細胞障害性剤又は診断薬を提供すること、及び抗体-薬剤コンジュゲートに細胞を曝露することを含む。任意で、抗体はモノクローナル抗体、抗体断片、キメラ抗体、ヒト化抗体、又は一本鎖抗体である。

【0034】

本発明の他の実施態様は、TATポリペプチド、TATポリペプチドをコードする核酸又はその核酸を含むベクター又は宿主細胞、抗TATポリペプチド抗体の、(i)癌又は腫瘍の治療的処置又は診断的検出、又は(ii)細胞増殖性疾患の治療的処置又は防止に有用な医薬の製造における使用に関する。

【0035】

本発明の他の実施態様は、癌細胞の増殖を阻害する方法に関し、ここで、上記癌細胞の増殖はTATポリペプチドの増殖増強効果に少なくとも部分的に依存し(ここで、TATポリペプチドは癌細胞自体又は癌細胞に増殖増強効果を有するポリペプチドを産生する細胞の何れかによって発現されうる)、該方法は、TATポリペプチドに結合する抗体にTATポリペプチドを接触させることを含んでなり、それによってTATポリペプチドの増殖増強活性をアンタゴナイズし、次には癌細胞の増殖を阻害する。好ましくは癌細胞の増殖は完全に阻害される。更により好ましくは、TATポリペプチドへの抗体の結合は癌細胞の死を誘導する。場合によっては、抗体はモノクローナル抗体、抗体断片、キメラ抗体、ヒト化抗体、二重特異性抗体又は一本鎖抗体である。本発明の方法において使用される抗体は、例えば、メイタンシノイド又はカリケアマイシン又はオーリスタチンを含む毒素のような増殖阻害剤又は細胞障害性剤、抗生物質、放射性同位体、核酸分解酵素等と場合

10

20

【0036】

本発明の更に他の実施態様は、哺乳動物において腫瘍を治療的に処置する方法に関し、ここで、上記腫瘍の増殖はTATポリペプチドの増殖増強効果に少なくとも部分的に依存し、該方法は、TATポリペプチドに結合する抗体を哺乳動物に投与することを含んでなり、それによって上記TATポリペプチドの増殖増強活性をアンタゴナイズし、腫瘍の効果的な治療的処置をもたらす。場合によっては、抗体はモノクローナル抗体、抗体断片、キメラ抗体、ヒト化抗体、二重特異性抗体又は一本鎖抗体である。本発明の方法において使用される抗体は、例えば、メイタンシノイド又はカリケアマイシン又はオーリスタチンを含む毒素のような増殖阻害剤又は細胞障害性剤、抗生物質、放射性同位体、核酸分解酵素等と場合によってはコンジュゲートされうる。本発明の方法に用いられる抗体は、場合によってはCHO細胞又は細菌細胞中で産生され得る。

30

【0037】

更なる実施態様において、本発明は、今回又は将来のアプリケーションのために可能性のある以下の特許請求の範囲の一式に関する。

1. (a) 配列番号2に示されたアミノ酸配列をコードするDNA分子、
  - (b) 配列番号2に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチドを欠くものをコードするDNA分子、
  - (c) 配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つものをコードするDNA分子、
  - (d) 配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くものをコードするDNA分子、
  - (e) 配列番号1に示されたヌクレオチド配列、
  - (f) 配列番号1に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域、又は
  - (g) (a)、(b)、(c)、(d)、(e)又は(f)の相補鎖、
- に対して少なくとも80%の核酸配列同一性を有するヌクレオチド配列を有する単離された核酸。

40

2. (a) 配列番号2に示されたアミノ酸配列をコードするヌクレオチド配列、
- (b) 配列番号2に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチドを欠く

50

ものをコードするヌクレオチド配列、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つものをコードするヌクレオチド配列、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くものをコードするヌクレオチド配列、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列、

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域、又は

(g) (a)、(b)、(c)、(d)、(e) 又は (f) の相補鎖、

を有する単離された核酸。

3. (a) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列をコードする核酸、

(b) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチドを欠くものをコードする核酸、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つものをコードする核酸、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くものをコードする核酸、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列、

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域、又は

(g) (a)、(b)、(c)、(d)、(e) 又は (f) の相補鎖、

にハイブリダイズする単離された核酸。

4. ストリンジェントな条件下でハイブリダイゼーションが起こる、請求項 3 に記載の核酸。

5. 少なくとも約 5 ヌクレオチド長である、請求項 3 に記載の核酸。

6. 請求項 1、2、又は 3 に記載の核酸を有する発現ベクター。

7. 前記核酸が、前記ベクターを用いて形質転換された宿主細胞により認識される制御配列に作用可能に結合する、請求項 6 に記載の発現ベクター。

8. 請求項 7 に記載の発現ベクターを有する宿主細胞。

9. CHO 細胞、大腸菌細胞、又は酵母細胞である、請求項 8 に記載の宿主細胞。

10. 前記ポリペプチドの発現に適した条件下で請求項 8 に記載の宿主細胞を培養し、細胞培養物から前記ポリペプチドを回収することを含むポリペプチドの生産方法。

11. (a) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、

(b) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して少なくとも 80% のアミノ酸配列同一性を有する単離されたポリペプチド。

12. (a) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列、

(b) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされ

10

20

30

40

50

るアミノ酸配列、

を有する単離されたポリペプチド。

13．異種ポリペプチドに融合した請求項11又は12に記載のポリペプチドを有するキメラポリペプチド。

14．前記異種ポリペプチドが免疫グロブリンのエピトープタグ配列又はFc領域である、請求項13に記載のキメラポリペプチド。

15．(a)配列番号2に示されたポリペプチド、

(b)配列番号2に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(c)配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

(d)配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(e)配列番号1に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

(f)配列番号1に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して少なくとも80%のアミノ酸配列同一性を有するポリペプチドに結合する単離された抗体。

16．(a)配列番号2に示されたアミノ酸配列、

(b)配列番号2に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(c)配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

(d)配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(e)配列番号1に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

(f)配列番号1に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるアミノ酸配列、

を有するポリペプチドに結合する単離された抗体。

17．モノクローナル抗体である、請求項15又は16に記載の抗体。

18．抗体断片である、請求項15又は16に記載の抗体。

19．キメラ又はヒト化抗体である、請求項15又は16に記載の抗体。

20．増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項15又は16に記載の抗体。

21．細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項15又は16に記載の抗体。

22．細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位体及び核酸分解酵素からなる群から選択される、請求項21に記載の抗体。

23．細胞障害性剤が毒素である、請求項21に記載の抗体。

24．毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群から選択される、請求項23に記載の抗体。

25．毒素がオーリスタチンである、請求項23に記載の抗体。

26．細菌中で産生される、請求項15又は16に記載の抗体。

27．CHO細胞中で産生される、請求項15又は16に記載の抗体。

28．結合する細胞に死を誘発する、請求項15又は16に記載の抗体。

29．検出可能に標識される、請求項15又は16に記載の抗体。

30．請求項15又は16に記載の抗体をコードするヌクレオチド配列を有する単離された核酸。

31．前記ベクターを用いて形質転換された宿主細胞により認識される制御配列に作用可能に結合する、請求項30に記載の核酸を有する発現ベクター。

32．請求項31に記載の発現ベクターを有する宿主細胞。

33．CHO細胞、大腸菌細胞、又は酵母細胞である、請求項32に記載の宿主細胞。

10

20

30

40

50

34. 前記抗体の発現に適した条件下で請求項32に記載の宿主細胞を培養し、細胞培養物から前記抗体を回収することを含む抗体の生産方法。
35. 担体と組み合わされて、(a)請求項11に記載のポリペプチド、(b)請求項12に記載のポリペプチド、(c)請求項13に記載のキメラポリペプチド、(d)請求項15に記載の抗体、又は(e)請求項16に記載の抗体を含有する組成物。
36. 前記担体が薬学的に許容される担体である、請求項35に記載の組成物。
37. (a)容器；及び  
(b)前記容器に収容された請求項35に記載の組成物を含んでなる製造品。
38. 癌の治療的処置又は診断的検出のための前記組成物の使用に言及した、前記容器に貼付されたラベル、又は前記容器に含められたパッケージ挿入物を更に含む、請求項37に記載の製造品。
39. (a)配列番号2に示されたポリペプチド、  
(b)配列番号2に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、  
(c)配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、  
(d)配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、  
(e)配列番号1に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は  
(f)配列番号1に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、  
に対して少なくとも80%のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質を発現する細胞の増殖を阻害する方法であって、前記タンパク質に結合する抗体に前記細胞を接触させ、前記タンパク質に前記抗体が結合することにより前記細胞の増殖が阻害される方法。
40. 前記抗体がモノクローナル抗体である、請求項39に記載の方法。
41. 前記抗体が抗体断片である、請求項39に記載の方法。
42. 前記抗体がキメラ又はヒト化抗体である、請求項39に記載の方法。
43. 前記抗体が増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項39に記載の方法。
44. 前記抗体が細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項39に記載の方法。
45. 細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位元素及び核酸分解酵素からなる群から選択される、請求項44に記載の方法。
46. 細胞障害性剤が毒素である、請求項44に記載の方法。
47. 毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群から選択される、請求項46に記載の方法。
48. 毒素がオーリスタチンである、請求項46に記載の方法。
49. 前記抗体が細菌中で産生される、請求項39に記載の方法。
50. 前記抗体がCHO細胞中で産生される、請求項39に記載の方法。
51. 前記細胞が癌細胞である、請求項39に記載の方法。
52. 前記癌細胞に更に放射線治療又は化学療法薬が施される、請求項51に記載の方法。
53. 前記癌細胞が、乳癌細胞、直腸結腸癌細胞、肺癌細胞、卵巣癌細胞、中枢神経系癌細胞、肝臓癌細胞、膀胱癌細胞、膵臓癌細胞、子宮頸部癌細胞、黒色腫細胞、及び白血病細胞からなる群から選択される、請求項71に記載の方法。
54. 前記癌細胞が、同じ組織由来の正常細胞と比較して前記タンパク質を大量に発現する、請求項51に記載の方法。
55. 前記細胞の死を誘発する、請求項39に記載の方法。
56. 前記タンパク質が、(a)配列番号2に示されたアミノ酸配列、  
(b)配列番号2に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるアミノ酸配列、

を有する、請求項 39 に記載の方法。

57. (a) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、

(b) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対し、少なくとも 80% のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質を発現する細胞を含む癌性腫瘍を有する哺乳動物の治療方法であって、前記タンパク質に結合する抗体の治療的有効量を前記哺乳動物に投与することにより前記哺乳動物を有効に治療する方法。

58. 前記抗体がモノクローナル抗体である、請求項 57 に記載の方法。

59. 前記抗体が抗体断片である、請求項 57 に記載の方法。

60. 前記抗体がキメラ又はヒト化抗体である、請求項 57 に記載の方法。

61. 前記抗体が増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項 57 に記載の方法。

62. 前記抗体が細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項 57 に記載の方法。

63. 細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位元素及び核酸分解酵素からなる群から選択される、請求項 62 に記載の方法。

64. 細胞障害性剤が毒素である、請求項 62 に記載の方法。

65. 毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群から選択される、請求項 64 に記載の方法。

66. 毒素がオーリスタチンである、請求項 64 に記載の方法。

67. 前記抗体が細菌中で産生される、請求項 57 に記載の方法。

68. 前記抗体が CHO 細胞中で産生される、請求項 57 に記載の方法。

69. 前記腫瘍に更に放射線治療又は化学療法薬が施される、請求項 57 に記載の方法。

70. 前記腫瘍が、胸部腫瘍、直腸結腸腫瘍、肺腫瘍、卵巣腫瘍、中枢神経系腫瘍、肝臓腫瘍、膀胱腫瘍、膵臓腫瘍、又は子宮頸部腫瘍からなる群から選択される、請求項 57 に記載の方法。

71. 前記腫瘍の癌性細胞が、同じ組織由来の正常細胞と比較して前記タンパク質を大量に発現する、請求項 57 に記載の方法。

72. 前記タンパク質が、

(a) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列、

(b) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされ

10

20

30

40

50

るアミノ酸配列、

を有する、請求項 5 7 に記載の方法。

7 3 . ( a ) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、

( b ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して、少なくとも 8 0 % のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質を含むことが疑われる試料中における前記タンパク質の存在を決定する方法であって、前記タンパク質に結合する前記抗体に前記試料を曝し、前記試料中における前記タンパク質への前記抗体の結合を決定し、前記タンパク質に対する抗体の結合により前記試料中における前記タンパク質の存在が示される方法。

7 4 . 前記試料が前記タンパク質の発現が疑われる細胞を含む、請求項 7 3 に記載の方法。

7 5 . 前記細胞が癌細胞である、請求項 7 4 に記載の方法。

7 6 . 前記抗体が検出可能に標識される、請求項 7 3 に記載の方法。

7 7 . 前記タンパク質が、

( a ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列、

( b ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるアミノ酸配列、

を有する、請求項 7 3 に記載の方法。

7 8 . 哺乳動物における腫瘍の存在を診断する方法であって、

( a ) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、

( b ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して、少なくとも 8 0 % のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質をコードする遺伝子の発現レベルを、前記哺乳動物から採取した組織細胞の試験試料中と、同一組織由来の既知の正常細胞のコントロール試料中で測定することを含み、コントロール試料と比較して試験試料中に前記タンパク質が高いレベルで発現していることが、試験試料を採取した哺乳動物中に腫瘍が存在することを示す方法。

7 9 . 前記タンパク質をコードする遺伝子の発現レベルを測定する工程が、インサイツハ

10

20

30

40

50

イブリダイゼーション又は R T - P C R 分析でオリゴヌクレオチドを使用することを含む、請求項 7 8 に記載の方法。

8 0 . 前記タンパク質をコードする遺伝子の発現レベルを測定する工程が、免疫組織化学分析又はウェスタンブロッティング分析で抗体を使用することを含む、請求項 7 8 に記載の方法。

8 1 . 前記タンパク質が、

( a ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列、

( b ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるアミノ酸配列、

を有する、請求項 7 8 に記載の方法。

8 2 . 哺乳動物における腫瘍の存在を診断する方法であって、

前記タンパク質が、

( a ) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、

( b ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して少なくとも 8 0 % のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質に結合する抗体に対し、前記哺乳動物由来の組織細胞の試験試料を接触させ、試験試料中における、前記抗体と前記タンパク質の複合体の形成を検出することを含み、複合体の形成が哺乳動物中における腫瘍の存在を示す方法。

8 3 . 前記抗体が検出可能に標識される、請求項 8 2 に記載の方法。

8 4 . 前記組織細胞の試験試料が、癌性腫瘍を有することが疑われる個体から得たものである、請求項 8 2 に記載の方法。

8 5 . 前記タンパク質が、

( a ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列、

( b ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるアミノ酸配列、

を有する、請求項 8 2 に記載の方法。

8 6 . ( a ) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、

( b ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠く

10

20

30

40

50

もの、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して少なくとも 80% のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質の発現又は活性の増大に関連する細胞増殖障害を治療又は予防する方法であって、そのような治療を必要とする患者に対し、前記タンパク質のアンタゴニストの治療的有効量を投与することによって、前記細胞増殖障害を有効に治療又は予防する方法。

87. 前記細胞増殖障害が癌である、請求項 86 に記載の方法。

88. 前記アンタゴニストが抗 T A T ポリペプチド抗体、又はアンチセンスオリゴヌクレオチドである、請求項 86 に記載の方法。

89. (a) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、

(b) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(c) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

(d) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

(e) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は

(f) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して少なくとも 80% のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質を発現する細胞に対し、抗体を結合させる方法であって、前記タンパク質に結合する抗体に前記細胞を接触させ、前記細胞に抗体を結合させることにより、前記細胞に抗体を結合させることを含む方法。

90. 前記抗体がモノクローナル抗体である、請求項 89 に記載の方法。

91. 前記抗体が抗体断片である、請求項 89 に記載の方法。

92. 前記抗体がキメラ又はヒト化抗体である、請求項 89 に記載の方法。

93. 前記抗体が増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項 89 に記載の方法。

94. 前記抗体が細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項 89 に記載の方法。

95. 細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位元素及び核酸分解酵素からなる群から選択される、請求項 94 に記載の方法。

96. 細胞障害性剤が毒素である、請求項 94 に記載の方法。

97. 毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群から選択される、請求項 96 に記載の方法。

98. 毒素がオーリスタチンである、請求項 96 に記載の方法。

99. 前記抗体が細菌中で産生される、請求項 89 に記載の方法。

100. 前記抗体が C H O 細胞中で産生される、請求項 89 に記載の方法。

101. 前記細胞が癌細胞である、請求項 89 に記載の方法。

102. 前記癌細胞に更に放射線治療又は化学療法薬が施される、請求項 101 に記載の方法。

103. 前記癌細胞が、乳癌細胞、直腸結腸癌細胞、肺癌細胞、卵巣癌細胞、中枢神経系癌細胞、肝臓癌細胞、膀胱癌細胞、膵臓癌細胞、子宮頸部癌細胞、黒色腫細胞又は白血病細胞からなる群から選択される、請求項 101 に記載の方法。

104. 前記癌性細胞が、同じ組織由来の正常細胞と比較して前記タンパク質を大量に発現する、請求項 103 に記載の方法。

10

20

30

40

50

- 105 . 前記細胞の死を誘発する、請求項 89 に記載の方法。
- 106 . 癌の治療的処置又は診断的検出のための薬剤の調製における、請求項 1 から 5 のいずれか 1 項又は請求項 30 に記載の核酸の使用。
- 107 . 腫瘍の治療のための薬剤の調製における、請求項 1 から 5 のいずれか 1 項又は請求項 30 に記載の核酸の使用。
- 108 . 細胞増殖障害の治療又は予防のための薬剤の調製における、請求項 1 から 5 のいずれか 1 項又は請求項 30 に記載の核酸の使用。
- 109 . 癌の治療的処置又は診断的検出のための薬剤の調製における、請求項 6、7 又は 31 に記載の発現ベクターの使用。
- 110 . 腫瘍の治療のための薬剤の調製における、請求項 6、7 又は 31 に記載の発現ベクターの使用。 10
- 111 . 細胞増殖障害の治療又は予防のための薬剤の調製における、請求項 6、7 又は 31 に記載の発現ベクターの使用。
- 112 . 癌の治療的処置又は診断的検出のための薬剤の調製における、請求項 8、9、32、又は 33 に記載の宿主細胞の使用。
- 113 . 腫瘍の治療のための薬剤の調製における、請求項 8、9、32、又は 33 に記載の宿主細胞の使用。
- 114 . 細胞増殖障害の治療又は予防のための薬剤の調製における、請求項 8、9、32、又は 33 に記載の宿主細胞の使用。
- 115 . 癌の治療的処置又は診断的検出のための薬剤の調製における、請求項 11 から 14 のいずれか 1 項に記載のポリペプチドの使用。 20
- 116 . 腫瘍の治療のための薬剤の調製における、請求項 11 から 14 のいずれか 1 項に記載のポリペプチドの使用。
- 117 . 細胞増殖障害の治療又は予防のための薬剤の調製における、請求項 11 から 14 のいずれか 1 項に記載のポリペプチドの使用。
- 118 . 癌の治療的処置又は診断的検出のための薬剤の調製における、請求項 15 から 29 のいずれか 1 項に記載の抗体の使用。
- 119 . 腫瘍の治療のための薬剤の調製における、請求項 15 から 29 のいずれか 1 項に記載の抗体の使用。
- 120 . 細胞増殖障害の治療又は予防のための薬剤の調製における、請求項 15 から 29 のいずれか 1 項に記載の抗体の使用。 30
- 121 . 癌の治療的処置又は診断的検出のための薬剤の調製における、請求項 35 又は 36 のいずれか 1 項に記載の組成物の使用。
- 122 . 腫瘍の治療のための薬剤の調製における、請求項 35 又は 36 のいずれか 1 項に記載の組成物の使用。
- 123 . 細胞増殖障害の治療又は予防のための薬剤の調製における、請求項 35 又は 36 のいずれか 1 項に記載の組成物の使用。
- 124 . 癌の治療的処置又は診断的検出のための薬剤の調製における、請求項 37 又は 38 のいずれか 1 項に記載の製造品の使用。
- 125 . 腫瘍の治療のための薬剤の調製における、請求項 37 又は 38 のいずれか 1 項に記載の製造品の使用。 40
- 126 . 細胞増殖障害の治療又は予防のための薬剤の調製における、請求項 37 又は 38 のいずれか 1 項に記載の製造品の使用。
- 127 . ( a ) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、  
( b ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、  
( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、  
( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、 50

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は  
( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して少なくとも 80% のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質の増殖増強効果に細胞の増殖が少なくとも部分的に依存する細胞の増殖を阻害する方法であって、前記タンパク質に結合する抗体に対して前記タンパク質を接触させることにより、前記細胞の増殖を阻害する方法。

128 . 前記細胞が癌細胞である、請求項 127 に記載の方法。

129 . 前記細胞が前記タンパク質を発現する、請求項 127 に記載の方法。

130 . 前記タンパク質に対する前記抗体の結合が、前記タンパク質の細胞増殖増強活性をアンタゴナイズする、請求項 127 に記載の方法。 10

131 . 前記タンパク質に対する前記抗体の結合が前記細胞の死を誘発する、請求項 127 に記載の方法。

132 . 前記抗体がモノクローナル抗体である、請求項 127 に記載の方法。

133 . 前記抗体が抗体断片である、請求項 127 に記載の方法。

134 . 前記抗体がキメラ又はヒト化抗体である、請求項 127 に記載の方法。

135 . 前記抗体が増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項 127 に記載の方法。

136 . 前記抗体が細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項 127 に記載の方法

。

137 . 細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位元素及び核酸分解酵素からなる群から選択される、請求項 136 に記載の方法。 20

138 . 細胞障害性剤が毒素である、請求項 136 に記載の方法。

139 . 毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群から選択される、請求項 138 に記載の方法。

140 . 毒素がオーリスタチンである、請求項 138 に記載の方法。

141 . 前記抗体が細菌中で産生される、請求項 127 に記載の方法。

142 . 前記抗体が CHO 細胞中で産生される、請求項 127 に記載の方法。

143 . 前記タンパク質が、

( a ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列、

( b ) 配列番号 2 に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、 30

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は  
( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるアミノ酸配列、

を有する、請求項 127 に記載の方法。

144 . ( a ) 配列番号 2 に示されたポリペプチド、 40

( b ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( c ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを持つもの、

( d ) 配列番号 2 に示されたポリペプチドの細胞外ドメインであって、その関連シグナルペプチドを欠くもの、

( e ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列によりコードされるポリペプチド、又は  
( f ) 配列番号 1 に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるポリペプチド、

に対して少なくとも 80% のアミノ酸配列同一性を有するタンパク質の増殖増強効果に腫 50

瘍の増殖が少なくとも部分的に依存する、哺乳動物の腫瘍の治療的処置法であって、前記タンパク質に結合する抗体に対して前記タンパク質を接触させることにより、前記腫瘍を有効に処置する方法。

145. 前記腫瘍の細胞が前記タンパク質を発現する、請求項144に記載の方法。

146. 前記タンパク質に対する前記抗体の結合が、前記タンパク質の細胞増殖増強活性をアンタゴナイズする、請求項144に記載の方法。

147. 前記抗体がモノクローナル抗体である、請求項144に記載の方法。

148. 前記抗体が抗体断片である、請求項144に記載の方法。

149. 前記抗体がキメラ又はヒト化抗体である、請求項144に記載の方法。

150. 前記抗体が増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項144に記載の方法。

151. 前記抗体が細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項144に記載の方法。

152. 細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位元素及び核酸分解酵素からなる群から選択される、請求項151に記載の方法。

153. 細胞障害性剤が毒素である、請求項151に記載の方法。

154. 毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群から選択される、請求項153に記載の方法。

155. 毒素がオーリスタチンである、請求項153に記載の方法。

156. 前記抗体が細菌中で産生される、請求項144に記載の方法。

157. 前記抗体がCHO細胞中で産生される、請求項144に記載の方法。

158. 前記タンパク質が、

(a) 配列番号2に示されたアミノ酸配列、

(b) 配列番号2に示されたアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(c) 配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を持つもの、

(d) 配列番号2に示されたポリペプチドの細胞外ドメインのアミノ酸配列であって、その関連シグナルペプチド配列を欠くもの、

(e) 配列番号1に示されたヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又は

(f) 配列番号1に示されたヌクレオチド配列の完全長コード化領域によりコードされるアミノ酸配列、

である、請求項144に記載の方法。

159. 請求項15から29の何れか一項に記載の抗体が結合する同じエピトープに結合する単離された抗体。

160. モノクローナル抗体である請求項159に記載の抗体。

161. 抗体断片である、請求項159に記載の抗体。

162. キメラ抗体又はヒト化抗体である、請求項159に記載の抗体。

163. 増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項159に記載の抗体。

164. 細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項159に記載の抗体。

165. 細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位元素及び核酸分解酵素からなる群より選択される、請求項164に記載の抗体。

166. 細胞障害性剤が毒素である、請求項164に記載の抗体。

167. 毒素がメイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群より選択される、請求項166に記載の抗体。

168. 毒素がオーリスタチンである、請求項166に記載の抗体。

169. 細菌中で産生される請求項159に記載の抗体。

170. CHO細胞中で産生される請求項159に記載の抗体。

171. 結合する細胞の死を誘発する、請求項159に記載の抗体。

172. 検出可能に標識される、請求項159に記載の抗体。

173. 請求項15から29に記載の何れかの抗体の相補性決定領域の少なくとも一つ

10

20

30

40

50

を含む、請求項 159 に記載の抗体。

174. TATポリペプチドに結合するモノクローナル抗体を生成するハイブリドーマ細胞。

175. 請求項 15 から 29 の何れかの抗体が結合したエピトープに結合する抗体を同定する方法であって、前記方法は、試験抗体の、請求項 15 から 29 に記載の何れかの抗体の結合を遮断する能力を決定することを含み、ここで、前記請求項 15 から 29 の何れかの抗体の結合を少なくとも 40% でかつ等しい抗体濃度で遮断する前記試験抗体の能力は、前記請求項 15 から 29 の何れかの抗体により結合するエピトープへ結合可能であることを示す方法。

176. (a) 配列番号 4 - 10 の何れか一の CDR - L1 配列；

(b) 配列番号 11 - 16 の何れか一の CDR - L2 配列；

(c) 配列番号 17 - 24 の何れか一の CDR - L3 配列；

(d) 配列番号 25 - 32 又は 67 の何れか一の CDR - H1 配列；

(e) 配列番号 33 - 40 又は 68 の何れか一の CDR - H2 配列；及び

(f) 配列番号 41 - 48 又は 69 - 73 の何れか一の CDR - H3 配列

からなる群から選択される少なくとも一の CDR 配列を含む単離された抗体。

177. 抗体断片である、請求項 176 に記載の抗体。

178. キメラ又はヒト化抗体である、請求項 176 に記載の抗体。

179. 増殖阻害剤にコンジュゲートしている、請求項 176 に記載の抗体。

180. 細胞障害性剤にコンジュゲートしている、請求項 176 に記載の抗体。

181. 細胞障害性剤が、毒素、抗生物質、放射性同位体及び核酸分解酵素からなる群から選択される、請求項 180 に記載の抗体。

182. 細胞障害性剤が毒素である、請求項 181 に記載の抗体。

183. 毒素が、メイタンシノイド、カリケアマイシン及びオーリスタチンからなる群から選択される、請求項 182 に記載の抗体。

184. 毒素がオーリスタチンである、請求項 183 に記載の抗体。

185. 細菌中で産生される、請求項 176 に記載の抗体

186. CHO細胞中で産生される、請求項 176 に記載の抗体。

187. 結合する細胞に死を誘発する、請求項 176 に記載の抗体。

188. 前記細胞が乳癌細胞である、請求項 187 に記載の抗体。

189. 前記細胞が肺癌細胞である、請求項 187 に記載の抗体。

190. 検出可能に標識される、請求項 176 に記載の抗体。

191. VH配列及びVL配列を含み、前記VL配列が配列番号49 - 57又は74に示される何れかである、単離された抗体。

192. VH配列は、配列番号58 - 66又は75 - 79の何れかである、請求項191に記載の単離された抗体。

193. VL配列は配列番号49であり、VH配列は配列番号58である、請求項192に記載の単離された抗体。

194. VL配列は配列番号50であり、VH配列は配列番号59である、請求項192に記載の単離された抗体。

195. VL配列は配列番号51であり、VH配列は配列番号60である、請求項192に記載の単離された抗体。

196. VL配列は配列番号52であり、VH配列は配列番号61である、請求項192に記載の単離された抗体。

197. VL配列は配列番号53であり、VH配列は配列番号62である、請求項192に記載の単離された抗体。

198. VL配列は配列番号54であり、VH配列は配列番号63である、請求項192に記載の単離された抗体。

199. VL配列は配列番号55であり、VH配列は配列番号64である、請求項192に記載の単離された抗体。

10

20

30

40

50

200. VL配列は配列番号56であり、VH配列は配列番号65である、請求項192に記載の単離された抗体。

201. VL配列は配列番号57であり、VH配列は配列番号66である、請求項192に記載の単離された抗体。

202. VL配列は配列番号74であり、VH配列は配列番号75である、請求項192に記載の単離された抗体。

203. VL配列は配列番号74であり、VH配列は配列番号76である、請求項192に記載の単離された抗体。

204. VL配列は配列番号74であり、VH配列は配列番号77である、請求項192に記載の単離された抗体。

205. VL配列は配列番号74であり、VH配列は配列番号78である、請求項192に記載の単離された抗体。

206. VL配列は配列番号74であり、VH配列は配列番号79である、請求項192に記載の単離された抗体。

207. (a) 配列番号6のCDR-L1配列；

(b) 配列番号13のCDR-L2配列；

(c) 配列番号19のCDR-L3配列；

(d) 配列番号67のCDR-H1配列；

(e) 配列番号68のCDR-H2配列；及び

(f) 配列番号69のCDR-H3配列

を含む、請求項176に記載の単離された抗体。

208. (a) 配列番号6のCDR-L1配列；

(b) 配列番号13のCDR-L2配列；

(c) 配列番号19のCDR-L3配列；

(d) 配列番号67のCDR-H1配列；

(e) 配列番号68のCDR-H2配列；及び

(f) 配列番号70のCDR-H3配列

を含む、請求項176に記載の単離された抗体。

209. (a) 配列番号6のCDR-L1配列；

(b) 配列番号13のCDR-L2配列；

(c) 配列番号19のCDR-L3配列；

(d) 配列番号67のCDR-H1配列；

(e) 配列番号68のCDR-H2配列；及び

(f) 配列番号71のCDR-H3配列

を含む、請求項176に記載の単離された抗体。

210. (a) 配列番号6のCDR-L1配列；

(b) 配列番号13のCDR-L2配列；

(c) 配列番号19のCDR-L3配列；

(d) 配列番号67のCDR-H1配列；

(e) 配列番号68のCDR-H2配列；及び

(f) 配列番号72のCDR-H3配列

を含む、請求項176に記載の単離された抗体。

211. (a) 配列番号6のCDR-L1配列；

(b) 配列番号13のCDR-L2配列；

(c) 配列番号19のCDR-L3配列；

(d) 配列番号67のCDR-H1配列；

(e) 配列番号68のCDR-H2配列；及び

(f) 配列番号73のCDR-H3配列

を含む、請求項176に記載の単離された抗体。

212. 請求項176の抗体を産生する細胞。

10

20

30

40

50

213. 請求項176に記載の抗体をコードする単離された核酸。

【0038】

本発明のさらなる実施態様は、本明細書を読むことで当業者に明らかとなるであろう。

【図面の簡単な説明】

【0039】

【図1A-1】図1A-1は、TAT194のcDNAのヌクレオチド配列（配列番号1）を示し、配列番号1は本明細書で「DNA225706」として命名されるクローンである。

【図1A-2】図1A-2は、TAT194のcDNAのヌクレオチド配列（配列番号1）を示し、配列番号1は本明細書で「DNA225706」として命名されるクローンである。

【図1B】図1Bは、TAT194のcDNAのヌクレオチド配列（配列番号1）を示し、配列番号1は本明細書で「DNA225706」として命名されるクローンである。

【図2】図2は、図1に示された配列番号1のコードする配列に由来するTAT194のアイソフォーム1ポリペプチドのアミノ酸配列（配列番号2）を示す。このアイソフォームは以前に「RET51」として記述されている（Le Hir et al., Oncology 58:311-318 (2000)を参照）。

【図3】図3は、図1に示された配列番号1のコードする配列に由来するTAT194のアイソフォーム2ポリペプチドのアミノ酸配列（配列番号3）を示す。このアイソフォームは以前に「RET9」として記述されている（Le Hir et al., Oncology 58:311-318 (2000)を参照）。

【図4】図4は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号4）、R4204（配列番号5）、R4205、R4206及びR4207（配列番号6）、R4208（配列番号7）、R4209（配列番号8）、R4210（配列番号9）、及びR4212（配列番号10）のCDR-L1配列を示す。

【図5】図5は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号11）、R4204（配列番号12）、R4205、R4206及びR4207（配列番号13）、R4208（配列番号14）、R4209（配列番号15）、及びR4210とR4212（配列番号16）のCDR-L2配列を示す。

【図6】図6は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号17）、R4204（配列番号18）、R4205（配列番号19）、R4206及びR4207（配列番号20）、R4208（配列番号21）、R4209（配列番号22）、R4210（配列番号23）、及びR4212（配列番号24）のCDR-L3配列を示す。

【図7】図7は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号25）、R4204（配列番号26）、R4205（配列番号27）、R4206及びR4207（配列番号28）、R4208（配列番号29）、R4209（配列番号30）、R4210（配列番号31）、及びR4212（配列番号32）のCDR-H1配列を示す。

【図8】図8は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号33）、R4204（配列番号34）、R4205（配列番号35）、R4206及びR4207（配列番号36）、R4208（配列番号37）、R4209（配列番号38）、R4210（配列番号39）、及びR4212（配列番号40）のCDR-H2配列を示す。

【図9】図9は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号41）、R4204（配列番号42）、R4205（配列番号43）、R4206及びR4207（配列番号44）、R4208（配列番号45）、R4209（配列番号46）、R4210（配列番号47）、及びR4212（配列番号48）のCDR-H3配列を示す。

【図10】図10は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号49）、R4204（配列番号50）、R4205（配列番号51）、R4206（配列番号52）、R4207（配列番号53）、R4208（配列番号54）、R4209（配列番号55）、R4210（配列番号56）、及びR4212（配列番号57）の完全なカップV Lアミノ酸配列を示す。

10

20

30

40

50

【図11】図11は、抗TAT194ポリペプチド抗体のR4203（配列番号58）、R4204（配列番号59）、R4205（配列番号60）、R4206（配列番号61）、R4207（配列番号62）、R4208（配列番号63）、R4209（配列番号64）、R4210（配列番号65）、及びR4212（配列番号66）の完全なVHアミノ酸配列を示す。

【図12】図12は、ADC vc-MMAEコンジュゲート抗体P4204抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

【図13】図13は、ADC vc-MMAEコンジュゲート抗体P4205抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

10

【図14】図14は、ADC vc-MMAEコンジュゲート抗体P4206抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

【図15】図15は、ADC vc-MMAEコンジュゲート抗体P4209抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

20

【図16】図16は、ADC MC-DM1コンジュゲート抗体P4204抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

【図17】図17は、ADC MC-DM1コンジュゲート抗体P4205抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

【図18】図18は、ADC MC-DM1コンジュゲート抗体P4206抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

30

【図19】図19は、ADC MC-DM1コンジュゲート抗体P4209抗体による、293/RET（；細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現するように操作されている）及び293細胞（；TAT194ポリペプチドを発現しない）のインビトロでの死滅を示す。

【図20】図20は、5mg/kgの単回IV用量で、無関係のADCである抗GP120及び既知の強力なADCである抗HER2トラスツズマブ-MCC-DM1イムノコンジュゲートと比較した場合に、ADC MC-vc-PAB-MMAEコンジュゲート4202、4205及び4209抗RETマウス抗体を用いた治療による、MCF7neoHER2細胞株由来乳房細胞腫瘍の腫瘍増殖阻害を実証するインビボでの異種移植マウスモデルを示す。

40

【図21】図21は、1mg/kg又は3mg/kgの何れかの単回IV用量で、無関係のADCである抗GP120と比較した場合に、ADC MC-vc-PAB-MMAEコンジュゲート4205抗RETマウス抗体を用いた治療による腫瘍増殖阻害を実証するインビボでのKPL1異種移植マウスモデルを示す。

【図22】図22は、5mg/kgの単回IV用量で、ピークルコントロール及び無関係の抗GP120 MC-vc-PAB-MMAE、及び既知の強力なADCである抗HER2トラスツズマブ-MCC-DM1イムノコンジュゲートと比較した場合に、4205

50

、4206及び4209抗RETマウス抗体クローンにコンジュゲートした抗RET-MC-vc-PAB-MMAEの5mg/kgの単回用量による治療による腫瘍増殖阻害を実証する、インビボでのBT474M1ヒト乳癌異種移植マウスモデルを示す。

【図23】図23は、5mg/kgの単回IV用量で、ビークルコントロール及び無関係の抗GP120MC-vc-PAB-MMAE、及び既知の強力なADCである抗HER2ペルツズマブ-MC-vc-PAB-MMAEと比較した場合に、4205抗RETマウス抗体クローンにコンジュゲートした抗RET-MC-vc-PAB-MMAEの5mg/kgの単回用量による治療による腫瘍増殖阻害を実証する、インビボでのMDA-MB-175乳房腫瘍異種移植マウスモデルを示す。

【0040】

発明の詳細な説明

#### I. 定義

ここで使用される「TATポリペプチド」及び「TAT」という用語は、直後に数値表示がある場合には種々のポリペプチドを指し、完全な表示(つまり、TAT/数字)は、ここに記載する特定のポリペプチド配列を意味する。「数字」という用語がここでは実際の数的表示として提供されている「TAT/数字ポリペプチド」及び「TAT/数字」という用語には、天然配列ポリペプチド、ポリペプチド変異体及び天然配列ポリペプチドとポリペプチド変異体の断片(ここでさらに定義される)を包含する。ここに記載されているTATポリペプチドは、ヒト組織型又は他の供給源といった種々の供給源から単離してもよく、あるいは組換え又は合成法によって調製してもよい。「TATポリペプチド」という用語は、ここに記載の各個々のTAT/数字ポリペプチドを指す。「TATポリペプチド」を指すこの明細書の全ての開示は、各ポリペプチドを個々に指すと同時に集散的に指す。例えば、調製、精製、誘導、抗体の形成、TAT結合オリゴペプチドの形成、TAT結合有機分子の形成、投与、含有する組成物、疾患の治療等の記載は、本発明の各ポリペプチドに関する。「TATポリペプチド」という用語は、また、ここに記載のTAT/数字ポリペプチドの変異体を含む。一実施態様において、TAT194ポリペプチド配列は配列番号2として示される。別の実施態様において、TAT194ポリペプチド配列は配列番号3として表される。

【0041】

「天然配列TATポリペプチド」には、天然由来のTATポリペプチドに対応する同一のアミノ酸配列を有するポリペプチドが含まれる。このような天然配列TATポリペプチドは、自然から単離することもできるし、組換え又は合成手段により生成することもできる。「天然配列TATポリペプチド」という用語には、特に、特定のTATポリペプチドの自然に生じる切断又は分泌形態(例えば、細胞外ドメイン配列)、自然に生じる変異形態(例えば、選択的にスプライシングされた形態)及びそのポリペプチドの自然に生じる対立遺伝子変異体が含まれる。本発明のある実施態様では、本明細書に開示される天然配列TATポリペプチドは、添付図に示される完全長アミノ酸配列を含む成熟又は完全長天然配列ポリペプチドである。開始及び停止コドン(示されているならば)は、図において太字及び下線で示した。添付図に「N」又は「X」で示した核酸残基は、任意の核酸残基である。しかし、添付図に開示したTATポリペプチドは、図面においてアミノ酸位置1としてここに表示されたメチオニン残基で始まるように示されているが、図面におけるアミノ酸位置1の上流又は下流に位置する他のメチオニン残基をTATポリペプチドの開始アミノ酸残基として用いることも考えられるし、可能でもある。

【0042】

TATポリペプチド「細胞外ドメイン」又は「ECD」は、膜貫通及び細胞質ドメインを実質的に有しないTATポリペプチドの形態を意味する。通常、TATポリペプチドECDは、それらの膜貫通及び/又は細胞質ドメインを1%未満、好ましくはそのようなドメインを0.5%未満しか持たない。本発明のTATポリペプチドについて同定された任意の膜貫通ドメインは、疎水性ドメインのその型を同定するために当該分野において日常的に使用される基準に従い同定されることが理解されるであろう。膜貫通ドメインの厳密

10

20

30

40

50

な境界は変わり得るが、最初に同定されたドメインの何れかの末端から約5アミノ酸を越えない可能性が高い。場合によっては、従って、TATポリペプチドの細胞外ドメインは、実施例又は明細書で同定されるように膜貫通ドメイン/細胞外ドメインの境界の何れかの側から約5を越えないアミノ酸を含んでもよく、シグナルペプチドを伴う又は伴わない、それらのポリペプチド及びそれらをコードする核酸は、本発明で考慮される。

#### 【0043】

ここに開示する種々のTATポリペプチドの「シグナルペプチド」のおおよその位置は、本明細書及び/又は添付図に示されうる。しかし、シグナルペプチドのC末端境界は変化しうるが、ここで最初に定義したようにシグナルペプチドC末端境界の何れかの側で約5アミノ酸未満である可能性が最も高く、シグナルペプチドのC末端境界は、そのような型のアミノ酸配列成分を同定するのに日常的に使用される基準に従って同定しうることに留意される(例えば、Nielsen等, Prot. Eng.10: 1-6 (1997)及びvon Heinje等, Nucl. Acids. Res. 14: 4683-4690 (1986))。更に、幾つかの場合には、分泌ポリペプチドからのシグナル配列の切断は完全に均一ではなく、一つ以上の分泌種をもたらすことも認められる。シグナルペプチドがここに同定されるシグナルペプチドのC末端境界の何れかの側の約5アミノ酸未満内で切断されるこれらの成熟ポリペプチド、及びそれらをコードするポリヌクレオチドは、本発明で考慮される。

10

#### 【0044】

「TATポリペプチド変異体」とはTATポリペプチド、好ましくは、ここに開示するような完全長天然配列TATポリペプチド配列、ここで開示するようなシグナルペプチドを欠くTATポリペプチド配列、ここに開示するようなシグナルペプチドを有する又は有しないTATポリペプチドの細胞外ドメイン又はここに開示する完全長TATポリペプチド配列の任意の他の断片(例えば、完全長TATポリペプチドの完全なコード配列の一部のみを示す核酸によってコードされるもの)と少なくとも約80%のアミノ酸配列同一性を有するここで定義するような活性なTATポリペプチドを意味する。このようなTATポリペプチド変異体には、例えば、完全長天然アミノ酸配列のN末端又はC末端において一又は複数のアミノ酸残基が付加、もしくは欠失されたTATポリペプチドが含まれる。通常、TATポリペプチド変異体は、ここに開示する完全長天然配列TATポリペプチド配列、ここに開示するシグナルペプチドを欠くTATポリペプチド配列、シグナルペプチドを有する又は有しないここに開示するTATポリペプチドの細胞外ドメイン、又はここに開示する完全長TATポリペプチド配列の任意の具体的に定義した他の断片に対して、少なくとも約80%のアミノ酸配列同一性、あるいは少なくとも約81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、又は99%のアミノ酸配列同一性を有している。通常、TAT変異体ポリペプチドは、少なくとも約10アミノ酸長、あるいは少なくとも約20、30、40、50、60、70、80、90、100、110、120、130、140、150、160、170、180、190、200、210、220、230、240、250、260、270、280、290、300、310、320、330、340、350、360、370、380、390、400、410、420、430、440、450、460、470、480、490、500、510、520、530、540、550、560、570、580、590、600アミノ酸長、又はそれ以上である。場合によっては、TAT変異体ポリペプチドは、天然TATポリペプチド配列に比較して一つ以下の保存的アミノ酸置換、あるいは天然TATポリペプチド配列に比較して2、3、4、5、6、7、8、9、又は10以下の同類アミノ酸置換を有するにすぎない。

20

30

40

#### 【0045】

ここで同定したTATポリペプチド配列に関する「パーセント(%)アミノ酸配列同一性」とは、配列を整列させ、最大のパーセント配列同一性を得るために必要ならば間隙を導入し、如何なる保存的置換も配列同一性の一部と考えないとした後の、特定のTATポリペプチド配列のアミノ酸残基と同一である候補配列中のアミノ酸残基のパーセントとして

50

定義される。パーセントアミノ酸配列同一性を決定する目的のためのアラインメントは、当業者の技量の範囲にある種々の方法、例えばBLAST、BLAST-2、ALIGN、又はMegalign(DNASTAR)ソフトウェアのような公に入手可能なコンピュータソフトウェアを使用することにより達成可能である。当業者であれば、比較される配列の完全長に対して最大のアラインメントを達成するために必要な任意のアルゴリズムを含む、アラインメントを測定するための適切なパラメータを決定することができる。しかし、ここでの目的のためには、%アミノ酸配列同一性値は、ALIGN-2プログラム用の完全なソースコードが米国特許第7160985号に与えられ、参照により本明細書に援用される配列比較コンピュータプログラムALIGN-2を使用することによって得られる。ALIGN-2配列比較コンピュータプログラムはジェネンテック社によって作成され、そのソースコードは米国著作権庁、ワシントンD.C., 20559に使用者用書類とともに提出され、米国著作権登録番号TXU510087で登録されている。ALIGN-2プログラムはジェネンテック社、サウス サン フランシスコ、カリフォルニアから公的に入手可能であり、ソースコードからコンパイルしてもよい。ALIGN-2プログラムは、UNIX(登録商標)オペレーティングシステム、好ましくはデジタルUNIX(登録商標)V4.0Dでの使用のためにコンパイルされる。全ての配列比較パラメータは、ALIGN-2プログラムによって設定され変動しない。

10

#### 【0046】

アミノ酸配列比較にALIGN-2が用いられる状況では、与えられたアミノ酸配列Aの、与えられたアミノ酸配列Bへの、それとの、又はそれに対する%アミノ酸配列同一性(あるいは、与えられたアミノ酸配列Bへの、それとの、又はそれに対する或る程度の%アミノ酸配列同一性を持つ又は含む与えられたアミノ酸配列Aと言うこともできる)は次のように計算される：

20

分率  $X/Y$  の 100 倍

ここで、Xは配列アラインメントプログラムALIGN-2のA及びBのプログラムアラインメントによって同一であると一致したスコアのアミノ酸残基の数であり、YはBの全アミノ酸残基数である。アミノ酸配列Aの長さがアミノ酸配列Bの長さとは異なる場合、AのBに対する%アミノ酸配列同一性は、BのAに対する%アミノ酸配列同一性とは異なると認識されるであろう。

#### 【0047】

30

「TAT変異体ポリヌクレオチド」又は「TAT変異体核酸配列」とは、ここで定義されるように、TATポリペプチド、好ましくは活性TATポリペプチドをコードし、ここに開示する完全長天然配列TATポリペプチド配列、ここに開示するシグナルペプチドを欠いた完全長天然配列TATポリペプチド配列、シグナルペプチドを有する又は有しないここに開示するTATポリペプチドの細胞外ドメイン、又はここに開示する完全長TATポリペプチド配列の他の任意の断片をコードする核酸配列(完全長TATポリペプチドの完全なコード化配列の一部のみを表す核酸によってコードされた)と、少なくとも約80%の核酸配列同一性を有する核酸分子を意味する。通常、TAT変異体ポリヌクレオチドは、ここに開示する完全長天然配列TATポリペプチド配列、ここに開示するシグナルペプチドを欠く完全長天然配列TATポリペプチド配列、シグナルペプチドを有する又は有しないここに開示するTATポリペプチドの細胞外ドメイン、又はここに開示する完全長TATポリペプチド配列の任意の他の断片をコードする核酸配列と、少なくとも約80%の核酸配列同一性、あるいは少なくとも約81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、又は99%の核酸配列同一性を有している。変異体は、天然ヌクレオチド配列を含まない。

40

#### 【0048】

通常、TAT変異体ポリヌクレオチドは、少なくとも約5ヌクレオチド長、あるいは少なくとも約6、7、8、9、10、11、1-73、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、35、40

50

、45、50、55、60、65、70、75、80、85、90、95、100、105、110、115、120、125、130、135、140、145、150、155、160、165、170、175、180、185、190、195、200、210、220、230、240、250、260、270、280、290、300、310、320、330、340、350、360、370、380、390、400、410、420、430、440、450、460、470、480、490、500、510、520、530、540、550、560、570、580、590、600、610、620、630、640、650、660、670、680、690、700、710、720、730、740、750、760、770、780、790、800、810、820、830、840、850、860、870、880、890、900、910、920、930、940、950、960、970、980、990、又は1000ヌクレオチド長であり、この文脈の「約」という用語は、表示ヌクレオチド配列長にその表示長の10%を加えるか又は減じたものを意味する。

10

#### 【0049】

ここで同定されるTATコード化核酸配列に対する「パーセント(%)核酸配列同一性」は、配列を整列させ、最大のパーセント配列同一性を得るために必要ならば間隙を導入し、対象のTAT核酸配列のヌクレオチドと同一である候補配列中のヌクレオチドのパーセントとして定義される。パーセント核酸配列同一性を決定する目的のためのアラインメントは、当業者の知る範囲にある種々の方法、例えばBLAST、BLAST-2、ALIGN又はMegalign(DNASTAR)ソフトウェアのような公に入手可能なコンピュータソフトウェアを使用することにより達成可能である。ここでの目的のためには、%核酸配列同一性値は、ALIGN-2プログラム用の完全なソースコードが米国特許第7160985号に与えられ、参照により本明細書に援用される配列比較コンピュータプログラムALIGN-2を使用することによって得られる。ALIGN-2配列比較コンピュータプログラムはジェネンテック社によって作成され、そのソースコードは米国著作権庁、ワシントンD.C.、20559に使用者用書類とともに提出され、米国著作権登録番号TXU510087の下で登録されている。ALIGN-2プログラムはジェネンテック社、サウスサンフランシスコ、カリフォルニアから公的に入手可能であり、ソースコードからコンパイルしてもよい。ALIGN-2プログラムは、UNIX(登録商標)オペレーティングシステム、好ましくはデジタルUNIX(登録商標)V4.0Dでの使用のためにコンパイルされる。全ての配列比較パラメータは、ALIGN-2プログラムによって設定され変動しない。

20

30

#### 【0050】

核酸配列比較にALIGN-2が用いられる状況では、与えられた核酸配列Cの、与えられた核酸配列Dとの、又はそれに対する%核酸配列同一性(あるいは、与えられた核酸配列Dと、又はそれに対して或る程度の%核酸配列同一性を持つ又は含む与えられた核酸配列Cと言うこともできる)は次のように計算される:

分率  $W/Z$  の100倍

ここで、Wは配列アラインメントプログラムALIGN-2のC及びDのアラインメントによって同一であると一致したスコアのヌクレオチドの数であり、ZはDの全ヌクレオチド数である。核酸配列Cの長さが核酸配列Dの長さとは異なる場合、CのDに対する%核酸配列同一性は、DのCに対する%核酸配列同一性とは異なることは理解されるであろう。

40

#### 【0051】

他の実施態様では、TAT変異体ポリヌクレオチドとは、TATポリペプチドをコードする核酸分子であり、好ましくはストリンジェントなハイブリダイゼーション及び洗浄条件下で、ここに記載の完全長TATポリペプチドをコードするヌクレオチド配列とハイブリダイゼーションすることができる。TAT変異体ポリペプチドは、TAT変異体ポリヌクレオチドによってコードされているものであり得る。

#### 【0052】

TATポリペプチドをコードする核酸に関して使用される場合の「完全長コード領域」

50

という用語は、(添付図において開始及び停止コドンの間でしばしば示される)本発明の完全長T A Tポリペプチドをコードするヌクレオチド配列を意味する。A T C C寄託核酸に関して使用される場合の「完全長コード領域」という用語は、(添付図において開始及び停止コドンの間でしばしば示される)A T C Cに寄託されたベクター中に挿入されているc D N AのT A Tポリペプチドコード部分を意味する。

#### 【0053】

本明細書に開示される種々のT A Tポリペプチドを記載するために使用される「単離」とは、自然環境の成分から同定され及び分離及び/又は回収されたポリペプチドを意味する。その自然環境の汚染成分とは、そのポリペプチドの診断又は治療への使用を典型的には妨害する物質であり、酵素、ホルモン、及び他のタンパク質様又は非タンパク質様溶質が含まれる。好ましい実施態様では、ポリペプチドは、(1)スピニングカップシークエネーターを使用することにより、少なくとも15残基のN末端あるいは内部アミノ酸配列を得るのに十分なほど、あるいは、(2)クーマシーブルーあるいは好ましくは銀染色を用いた非還元あるいは還元条件下でS D S - P A G Eにより均一になるまで精製される。単離されたポリペプチドには、T A Tポリペプチドの自然環境の少なくとも一つの成分が存在しないため、組換え細胞内のインサイツのポリペプチドが含まれる。しかしながら、通常は、単離されたポリペプチドは少なくとも一つの精製工程により調製される。

10

#### 【0054】

「単離された」T A Tポリペプチドをコードする核酸又は他のポリペプチドコード化核酸は、同定され、ポリペプチドをコードする核酸の天然源に通常付随している少なくとも一つの汚染核酸分子から分離された核酸分子である。単離されたポリペプチドをコードする核酸分子は、天然に見出される形態あるいは設定以外のものである。故に、単離されたポリペプチドをコードする核酸分子は、天然の細胞中に存在する特異的なポリペプチドをコードする核酸分子とは区別される。しかし、ポリペプチドをコードする単離された核酸分子には、例えば、核酸分子が天然細胞のものとは異なった染色体位置にあるポリペプチドを通常は発現する細胞に含まれるポリペプチドをコードする核酸分子が含まれる。

20

#### 【0055】

「コントロール配列」という用語は、特定の宿主生物において作用可能に結合したコード配列を発現するために必要なD N A配列を指す。例えば原核生物に好適なコントロール配列は、プロモーター、場合によってはオペレータ配列と、リボソーム結合部位を含む。真核生物の細胞は、プロモーター、ポリアデニル化シグナル及びエンハンサーを利用することが知られている。

30

#### 【0056】

核酸は、他の核酸配列と機能的な関係にあるときに「作用可能に結合し」ている。例えば、プレ配列あるいは分泌リーダーのD N Aは、ポリペプチドの分泌に参画するプレタンパク質として発現されているなら、そのポリペプチドのD N Aに作用可能に結合している；プロモーター又はエンハンサーは、配列の転写に影響を及ぼすならば、コード配列に作用可能に結合している；又はリボソーム結合部位は、もしそれが翻訳を容易にするような位置にあるなら、コード配列と作用可能に結合している。一般的に、「作用可能に結合している」とは、結合したD N A配列が近接しており、分泌リーダーの場合には近接して読みフェーズにあることを意味する。しかし、エンハンサーは必ずしも近接している必要はない。結合は簡便な制限部位でのライゲーションにより達成される。そのような部位が存在しない場合は、従来手法に従って、合成オリゴヌクレオチドアダプターあるいはリンカーが使用される。

40

#### 【0057】

ハイブリダイゼーション反応の「ストリンジェンシー」は、当業者によって容易に決定され、一般的にプローブ長、洗浄温度、及び塩濃度に依存する経験的な計算である。一般に、プローブが長くなると適切なアニーリングに必要な温度が高くなり、プローブが短くなるとそれに必要な温度は低くなる。ハイブリダイゼーションは、一般的に、相補鎖がその融点より低い環境に存在する場合に、変性D N Aの再アニールする能力に依存する。プ

50

ローブとハイブリダイゼーション配列の間で所望される相同性の程度が高くなればなるほど、用いることができる相対温度が高くなる。その結果、より高い相対温度は、反応条件をよりストリンジェントにすることになり、低い温度はストリンジェントを低下させることになる。ハイブリダイゼーション反応のストリンジェンシーの更なる詳細及び説明については、Ausubel等, *Current Protocols in Molecular Biology* (Wiley Interscience Publishers, 1995) を参照のこと。

**【 0 0 5 8 】**

ここで定義される「ストリンジェント条件」又は「高度のストリンジェンシー条件」は、(1) 洗浄に低イオン強度及び高温度を用いる、例えば、50 で、0.015 Mの塩化ナトリウム / 0.0015 Mのクエン酸ナトリウム / 0.1%のドデシル硫酸ナトリウム；(2) ハイブリダイゼーション中にホルムアミド等の変性剤を用いる、例えば、42 で、50% (v/v) ホルムアミドと0.1%ウシ血清アルブミン / 0.1%フィコール / 0.1%のポリビニルピロリドン / 50 mMのpH 6.5のリン酸ナトリウムバッファー、及び750 mMの塩化ナトリウム、75 mMクエン酸ナトリウム；又は(3) 42 で、50%ホルムアミド、5×SSC (0.75 MのNaCl、0.075 Mのクエン酸ナトリウム)、50 mMのリン酸ナトリウム (pH 6.8)、0.1%のピロリン酸ナトリウム、5×デンハード液、超音波処理サケ精子DNA (50 µg/ml)、0.1% SDS、及び10%の硫酸デキストラン溶液中で終夜ハイブリダイゼーション、42 で、0.2×SSC (塩化ナトリウム / クエン酸ナトリウム) 中にて10分間の洗浄、次いで55 で、EDTAを含む0.1×SSCからなる10分間の高ストリンジェンシー洗浄を用いるものによって同定される。

**【 0 0 5 9 】**

「中程度のストリンジェント条件」は、Sambrook等, *Molecular Cloning: A Laboratory Manual* (New York: Cold Spring Harbor Press, 1989) に記載されているように同定され、上記のストリンジェントより低い洗浄溶液及びハイブリダイゼーション条件 (例えば、温度、イオン強度及び% SDS) の使用を含む。中程度のストリンジェント条件は、20%ホルムアミド、5×SSC (150 mMのNaCl、15 mMのクエン酸三ナトリウム)、50 mMリン酸ナトリウム (pH 7.6)、5×デンハード液、10%硫酸デキストラン、及び20 mg/mlの変性剪断サケ精子DNAを含む溶液中にて37 での終夜インキュベーション、次いで1×SSC中にて約37 - 50 でのフィルターの洗浄といった条件である。当業者であれば、プローブ長などの因子に適合させる必要に応じて、どのようにして温度、イオン強度等を調節するかを認識する。

**【 0 0 6 0 】**

「エピトープタグ」なる用語は、ここで用いられるときは、「タグポリペプチド」と融合したTATポリペプチド又は抗TAT抗体を含んでなるキメラポリペプチドを意味する。タグポリペプチドは、その抗体が産生され得るエピトープを提供するのに十分な残基を有し、その長さは融合するポリペプチドの活性を阻害しないよう十分に短い。また、タグポリペプチドは、好ましくは抗体が他のエピトープと実質的に交差反応をしないようになり独特である。適切なタグポリペプチドは、一般に、少なくとも6のアミノ酸残基、通常は約8 ~ 50のアミノ酸残基 (好ましくは、約10 ~ 20の残基) を有する。

**【 0 0 6 1 】**

ここでの目的に対する「活性な」又は「活性」とは、天然又は天然に生じるTATの生物学的及び / 又は免疫学的活性を保持するTATポリペプチドの形態を意味し、その中で、「生物学的」活性とは、天然又は天然発生TATが保持する抗原性エピトープに対する抗体の生成を誘発する能力以外の、天然又は天然発生TATによって引き起こされる生物機能 (阻害又は刺激) を意味し、「免疫学的」活性とは、天然又は天然発生TATが保持する抗原性エピトープに対する抗体の生成を誘発する能力を意味する。

**【 0 0 6 2 】**

「アンタゴニスト」なる用語は最も広い意味で用いられ、そしてここに開示した天然TATポリペプチドの生物学的活性を部分的又は完全にブロック、阻害、又は中和する任意

10

20

30

40

50

の分子が含まれる。同じように、「アゴニスト」という用語は最も広い意味で用いられ、ここに開示した天然 T A T ポリペプチドの生物学的活性を模倣する任意の分子が含まれる。適切なアゴニスト又はアンタゴニスト分子には、特にアゴニスト又はアンタゴニスト抗体又は抗体断片、断片、又は天然 T A T ポリペプチドのアミノ酸配列変異体、ペプチド、アンチセンスオリゴヌクレオチド、小有機分子等が含まれる。T A T ポリペプチドのアゴニスト又はアンタゴニストを同定する方法は、T A T ポリペプチドと候補アゴニスト又はアンタゴニスト分子を接触させ、そして通常は T A T ポリペプチドに関連している一又は複数の生物学的活性の検出可能な変化を測定することが含まれ得る。

#### 【 0 0 6 3 】

「治療する」又は「治療」又は「緩和」とは、治療上の処置及び予防的療法又は防護的療法の双方を称し、その目的は、標的である病的症状又は疾患を防ぐか又は衰え（小さく）させることである。治療を必要とするものには、疾患に罹りやすいものと同時に疾患に既に罹っているもの、又は疾患が予防されるべきものを含む。本発明の方法に従って抗 T A T 抗体、T A T 結合オリゴペプチド又は T A T 結合有機分子の治療量を投与された後に、患者が次の一又は複数のものについて観察可能な及び/又は測定可能な減少又は消失を示したならば、被検体又は哺乳動物は、T A T ポリペプチド発現癌に関して成功裏に「治療された」ことになる：癌細胞の数の減少、又は癌細胞の消失；腫瘍の大きさの減少；軟部組織及び骨への癌の広がりを含む、末梢器官への癌細胞の浸潤の障害（すなわち、ある程度の減速及び好ましくは停止）；腫瘍転移の障害（すなわち、ある程度の減速及び好ましくは停止）；腫瘍増殖のある程度の障害；及び/又は特定の癌に関連している一又は複数の症状のある程度の軽減；疾病率及び死亡率の減少、及び生命問題の質の改善。ある程度、抗 T A T 抗体又は T A T 結合オリゴペプチドは、生存癌細胞の増殖を防ぐ及び/又は死滅させることができ、それは、細胞増殖抑制及び/又は細胞障害性であり得る。これらの兆候又は症状の低減は、また、患者が感じることができる。

#### 【 0 0 6 4 】

疾患における成功裏の治療及び改善を評価することに関する上記のパラメーターは、医師にとってよく知られている日常的手法によって容易に測定が可能である。癌治療では、有効性は、例えば、病気の進行までの時間（T T P）の算定及び/又は反応速度（R R）を確かめることによって測定できる。転移は、ステージング試験によって、骨のスキャン及び骨への広がり確かめるためのカルシウムレベル及び他の酵素に関する試験によって確かめることができる。C T スキャンは、また、領域の骨盤及びリンパ節への広がりを探査することで行うことができる。胸の X 線、及び既知の方法による肝臓の酵素レベルの測定を、それぞれ肺及び肝臓への転移を探査するために用いる。疾患をモニタリングする他の常套的方法には、経直腸的超音波断層法（T R U S）及び経直腸的針生検（T R N B）が含まれる。

#### 【 0 0 6 5 】

「慢性」投与とは、初期の治療効果（活性）を長期間にわたって維持するようにするために、急性態様とは異なり連続的な態様での薬剤の投与を意味する。「間欠」投与とは、中断無く連続的になされるのではなく、むしろ本質的に周期的になされる処理である。

#### 【 0 0 6 6 】

癌の治療、症状の緩和又は診断のための「哺乳動物」とは、哺乳動物に分類される任意の動物を意味し、ヒト、家畜用及び農場用動物、動物園、スポーツ、又はペット動物、例えばイヌ、ネコ、ウシ、ウマ、ヒツジ、ブタ、ヤギ、ウサギなどを含む。好ましくは、哺乳動物はヒトである。

#### 【 0 0 6 7 】

一又は複数の更なる治療薬と「組み合わせた」投与とは、同時（同時期）及び任意の順序での連続した投与を含む。

#### 【 0 0 6 8 】

ここで用いられる「担体」は、製薬的に許容されうる担体、賦形剤、又は安定化剤を含み、用いられる服用量及び濃度でそれらに曝露される細胞又は哺乳動物に対して非毒性で

10

20

30

40

50

ある。生理学的に許容されうる担体は、水性 pH 緩衝溶液であることが多い。生理学的に許容されうる担体の例は、リン酸塩、クエン酸塩、及び他の有機酸塩のバッファー；アスコルビン酸を含む酸化防止剤；低分子量（約 10 残基未満）ポリペプチド；タンパク質、例えば血清アルブミン、ゼラチン、又は免疫グロブリン；疎水性ポリマー、例えばポリビニルピロリドン；アミノ酸、例えばグリシン、グルタミン、アスパラギン、アルギニン又はリジン；グルコース、マンノース又はデキストランを含む単糖類、二糖類、及び他の炭水化物；EDTA 等のキレート剤；マンニトール又はソルビトール等の糖アルコール；ナトリウム等の塩形成対イオン；及び/又は非イオン性界面活性剤、例えば、TWEEN（登録商標）、ポリエチレングリコール（PEG）、及び PLURONICS（登録商標）を含む。

10

**【0069】**

「固相」又は「固体支持体」とは、本発明の抗体、TAT 結合オリゴペプチド又は TAT 結合有機分子が接着できる非水性マトリクスを意味する。ここに包含される固相の例は、部分的又は全体的にガラス（例えば、径の調整されたガラス）、ポリサッカリド（例えばアガロース）、ポリアクリルアミド、ポリスチレン、ポリビニルアルコール及びシリコンで形成されたものを含む。或る実施態様では、前後関係に応じて、固相はアッセイ用プレートのウェル；その他では精製用カラム（例えばアフィニティークロマトグラフィーカラム）を含むことができる。また、この用語は、米国特許第 4 2 7 5 1 4 9 号に記載されたような別々の粒子の不連続な固相も含む。

20

**【0070】**

「リポソーム」は、哺乳動物への薬物（例えば TAT ポリペプチド、それらに対する抗体又は TAT 結合オリゴペプチド）輸送に有用な、脂質、リン脂質及び/又は界面活性剤を含む種々のタイプの小胞体である。リポソームの成分は、通常は細胞膜の脂質配向に類似した 2 層構造に配列される。

**【0071】**

ここで定義されている「小」分子又は「小」有機分子とは、約 500 ダルトン未満の分子量である。

**【0072】**

ここに開示するポリペプチド、抗体、TAT 結合オリゴペプチド、TAT 結合有機分子、又はそのアゴニスト又はアンタゴニストの「有効量」とは、特に述べた目的を実施するために十分な量のことである。「有効量」は、述べられた目的に関連して、経験的及び常套的な形で決定することができる。

30

**【0073】**

「治療的有效量」という用語は、患者又は哺乳動物の疾患又は疾病を「治療」するのに効果的な抗体、ポリペプチド、TAT 結合オリゴペプチド、TAT 結合有機分子又は他の薬剤の量を指す。癌の場合、治療的に有効量の薬は癌細胞の数を減じ；腫瘍の大きさを減じ；末梢器官への癌細胞の浸潤を阻害（すなわち、ある程度まで減速、好ましくは停止）し；腫瘍転移を阻害（すなわち、ある程度まで減速及び好ましくは停止）し；腫瘍増殖をある程度まで阻害し；及び/又は癌に関連する一又は複数の症状をある程度まで緩和する。「治療する」のここでの定義を参照せよ。薬が存在する癌細胞の増殖を妨げ及び/又は死滅させる程度まで、それは、細胞分裂停止及び/又は細胞障害性であり得る。

40

**【0074】**

抗 TAT 抗体、TAT ポリペプチド、TAT 結合オリゴペプチド又は TAT 結合有機分子の「増殖阻害量」は、細胞、特に腫瘍、例えば癌細胞の増殖をインビトロ又はインビボで阻害できる量である。腫瘍性細胞増殖の阻害の目的のための抗 TAT 抗体、TAT ポリペプチド、TAT 結合オリゴペプチド又は TAT 結合有機分子の「増殖阻害量」は、経験的及び常套的な形で決定することができる。

**【0075】**

抗 TAT 抗体、TAT ポリペプチド、TAT 結合オリゴペプチド又は TAT 結合有機分子の「細胞障害性量」は、細胞、特に腫瘍、例えば癌細胞をインビトロ又はインビボで破

50

壊できる量である。腫瘍性細胞増殖の阻害の目的のための抗TAT抗体、TATポリペプチド、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子の「細胞障害性量」は、経験的及び常套的な形で決定することができる。

【0076】

「抗体」という用語は最も広い意味において使用され、例えば、単一の抗TATモノクローナル抗体(アゴニスト、アンタゴニスト、及び中和抗体を含む)、多エピトープ(polyepitopic)特異性を持つ抗TAT抗体組成物、ポリクローナル抗体、一本鎖抗TAT抗体、及び所望する生物学的又は免疫学的活性を示す限りは抗TAT抗体の断片(下記を参照)を包含する。「免疫グロブリン」(Ig)という用語は、ここでの抗体と相互に置き換え可能に用いられる。

10

【0077】

「単離された抗体」とは、その自然環境の成分から同定され分離され及び/又は回収されたものを意味する。その自然環境の汚染成分とは、抗体の診断又は治療への使用を妨害する物質であり、酵素、ホルモン、及び他のタンパク質様又は非タンパク質様溶質が含まれる。好ましい実施態様では、抗体は、(1)ローリー(Lowry)法によって定量して95重量%以上の、最も好ましくは99重量%以上の抗体まで、(2)スピニングカップシークエネーターを使用することにより、少なくとも15のN末端あるいは内部アミノ酸配列の残基を得るのに十分な程度まで、あるいは(3)クーマシーブルーあるいは好ましくは銀染色を用いた還元又は非還元条件下でのSDS-PAGEによる均一性まで精製される。単離された抗体には、組換え体細胞内のインサイツの抗体が含まれるが、これは抗体の自然環境の少なくとも一つの成分が存在しないからである。しかしながら、通常は、単離された抗体は少なくとも一つの精製工程により調製される。

20

【0078】

基本的な4-鎖抗体ユニットは2つの同一の軽(L)鎖と2つの同一の重(H)鎖から構成されるヘテロ四量体の糖タンパクである(IgM抗体は、基本的なヘテロ四量体ユニットとそれに付随するJ鎖と称される付加的なポリペプチドの5つからなり、よって10の抗原結合部位を有するが、分泌されたIgA抗体は重合して、基本的な4-鎖ユニットとそれ付随するJ鎖のうち2-5つを含む多価集合を形成可能である)。IgGの場合、4-鎖ユニットは一般的に約150000ダルトンである。それぞれのL鎖は1つの共有ジスルフィド結合によってH鎖に結合するが、2つのH鎖はH鎖のアイソタイプに応じて一又は複数のジスルフィド結合により互いに結合している。それぞれのH及びL鎖はまた規則的な間隔を持った鎖内ジスルフィド結合を持つ。それぞれのH鎖は、及び鎖の各々に対しては3つの定常ドメイン(CH)が、 $\mu$ 及びアイソタイプに対しては4つのCHドメインが続く可変ドメイン(VH)をN末端に有する。それぞれのL鎖は、その他端に定常ドメイン(CL)が続く可変ドメイン(VL)をN末端に有する。VLはVHと整列し、CLは重鎖の第一定常ドメイン(CH1)と整列している。特定のアミノ酸残基が、軽鎖及び重鎖可変ドメイン間の界面を形成すると考えられている。VLとVHは共同して対になって、単一の抗原結合部位を形成する。異なるクラスの抗体の構造及び特性は、例えばBasic and Clinical Immunology, 8版, Daniel P. Stites, Abba I. Terr and Tristram G. Parslow(編), Appleton & Lange, Norwalk, CT, 1994, 71頁及び6章を参照のこと。

30

40

【0079】

任意の脊椎動物種からのL鎖には、その定常ドメインのアミノ酸配列に基づいて、カッパ及びラムダと呼ばれる2つの明確に区別される型の一つを割り当てることができる。また、その重鎖の定常ドメイン(CH)のアミノ酸配列に応じて、免疫グロブリンには異なったクラス又はアイソタイプを割り当てることができる。IgA、IgD、IgE、IgG及びIgMという免疫グロブリンの5つの主要なクラスがあり、それぞれ、及び $\mu$ と呼ばれる重鎖を有する。さらに及びのクラスは、CH配列及び機能等の比較的小さな差異に基づいてサブクラスに分割され、例えば、ヒトにおいては次のサブクラス: IgG1、IgG2、IgG3、IgG4、IgA1及びIgA2が発現する。

【0080】

50

「可変」という用語は、可変ドメインのある部分が抗体の間で配列が広範囲に異なることを意味する。Vドメインは抗原結合性を媒介し、その特定の抗原に対する特定の抗体の特異性を定める。しかし、可変性は可変ドメインの110-アミノ酸スパンを通して均等には分布されていない。代わりに、V領域は、それぞれ9-12アミノ酸長である「高頻度可変領域」と称される極度の可変性を有するより短い領域によって分離された15-30アミノ酸のフレームワーク領域(FR)と呼ばれる比較的不变の伸展からなる。天然重鎖及び軽鎖の可変ドメイン各々は、大きなβ-シート配置をとり、3つの高頻度可変領域により接続された4つのFR領域を含み、それはループ状の接続を形成し、β-シート構造の一部を形成することもある。各鎖の高頻度可変領域はFRにより他の鎖からの高頻度可変領域とともに極近傍に保持され、抗体の抗原結合部位の形成に寄与している(Kabat等、

10

Sequences of Proteins of Immunological Interest, 5th ED. Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, MD. (1991))。定常ドメインは抗体の抗原への結合に直接は関係ないが、種々のエフェクター機能、例えば抗体依存性細胞障害(ADCC)における抗体の寄与を示す。

#### 【0081】

ここで使用される「モノクローナル抗体」という用語は、実質的に均一な抗体の集団から得られる抗体を意味する、すなわち、集団に含まれる個々の抗体が、少量で存在しうる自然に生じる可能性のある突然変異を除いて同一である。モノクローナル抗体は高度に特異的であり、一つの抗原部位に対している。さらに、異なる決定基(エピトープ)に対する異なる抗体を含むポリクローナル抗体調製物と比べて、各モノクローナル抗体は、抗原上の単一の決定基に対するものである。その特異性に加えて、モノクローナル抗体は、他の抗体によって汚染されずに合成される点で有利である。「モノクローナル」との修飾詞は、抗体を何か特定の方法で生成しなければならないことを意味するものではない。例えば、本発明において有用なモノクローナル抗体は、最初にKohler等、Nature 256, 495 (1975)により記載されたハイブリドーマ法によって作ることができ、あるいは組換えDNA法によって、細菌、真核細胞動物又は植物細胞から作ることができる(例えば、米国特許第4816567号参照)。また「モノクローナル抗体」は、例えばClackson等、Nature 352:624-628(1991)、及びMarks等、J. Mol. Biol. 222:581-597(1991)に記載された技術を用いてファージ抗体ライブラリーから単離することもできる。

20

#### 【0082】

ここで、モノクローナル抗体は、重鎖及び/又は軽鎖の一部が、特定の種由来の抗体、あるいは特定の抗体クラス又はサブクラスに属する抗体の対応する配列と同一であるか又は相同性があり、鎖の残りの部分が他の種由来の抗体、あるいは他の抗体クラス又はサブクラスに属する抗体の対応する配列と同一であるか又は相同である「キメラ」抗体、並びにそれが所望の生物学的活性を有する限りこのような抗体の断片を特に含む(米国特許第4816567号;及びMorrison等、Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 81:6851-6855(1984))。ここで対象のキメラ抗体には、非ヒト霊長類(例えば旧世界ザル、類人猿等)から由来する可変ドメイン抗原-結合配列及びヒト定常領域配列を含む「プリマタイズ(primatized)」抗体を含む。

30

#### 【0083】

「無傷」の抗体は、抗原-結合部位、並びにC<sub>L</sub>及び少なくとも重鎖定常ドメイン、CH1、CH2及びCH3を含むものである。定常ドメインは天然配列定常ドメイン(例えば、ヒト天然配列定常ドメイン)又はそれらのアミノ酸配列変異体であってよい。好ましくは、無傷の抗体は一又は複数のエフェクター機能を有する。

40

#### 【0084】

「抗体断片」は、無傷の抗体の一部、好ましくは無傷の抗体の抗原結合又は可変領域を含む。抗体断片の例は、Fab、Fab'、(Fab')<sub>2</sub>、及びFv断片;ダイアボディ(diabodies);直鎖状抗体(米国特許第5641870号、実施例2;Zapata等、Protein Eng. 8(10):1057-1062 [1995]);単鎖抗体分子;及び抗体断片から形成された多重特異性抗体を含む。

50

## 【 0 0 8 5 】

抗体のパパイン消化は、「F a b」断片と呼ばれる2つの同一の抗体結合断片と、容易に結晶化する能力を反映して命名された残留「F c」断片を産生する。F a b断片は全長L鎖とH鎖の可変領域ドメイン(VH)、及び一つの重鎖の第一定常ドメイン(CH1)からなる。各F a b断片は抗原結合性に関して一価である、すなわち単一の抗原-結合部位を有する。抗体のペプシン処理により、単一の大きなF(a b')<sub>2</sub>断片が生じ、これは2価の抗原結合部位を持つ2つのジスルフィド結合されたF a b断片にほぼ対応し、抗原を交差結合させることができるものである。F a b'断片は、抗体ヒンジ領域からの一又は複数のシステインを含むCH1ドメインのカルボキシ末端に幾つかの残基が付加されていることによりF a b断片と相違する。F a b'-SHは、ここでは定常ドメインのシステイン残基(類)が遊離のチオール基を持つF a b'を表す。F(a b')<sub>2</sub>抗体断片は、通常はF a b'断片の対として生成され、それらの間にヒンジシステインを有する。抗体断片の他の化学的結合も知られている。

10

## 【 0 0 8 6 】

F c断片はジスルフィドにより一緒に保持されている双方のH鎖のカルボキシ末端部位を含む。抗体のエフェクター機能は、F c領域の配列により決定され、その領域は、所定の型の細胞に見出されるF cレセプター(F c R)によって認識される部位である。

## 【 0 0 8 7 】

「F v」は、完全な抗原-認識及び-結合部位を含む最小の抗体断片である。この断片は、密接に非共有結合した1本の重鎖と1本の軽鎖の可変領域の二量体からなる。これら2つのドメインの折り畳みから、抗原結合のためのアミノ酸残基に寄与し、抗体に対する抗原結合特異性を付与する6つの高頻度可変ループ(H及びL鎖から、それぞれ3つのループ)が生じる。しかしながら、単一の可変ドメイン(又は抗原に特異的な3つのCDRのみを含んでなるF vの半分)でさえ、結合部位全体よりは低い親和性であるが、抗原を認識し結合する能力を持つ。

20

## 【 0 0 8 8 】

「s F v」又は「s c F v」とも略称される「単鎖F v」は、単一のポリペプチド鎖内に結合したVH及びVL抗体ドメインを含む抗体断片である。好ましくは、s F vポリペプチドはVH及びVLドメイン間にポリペプチドリッカーをさらに含み、それはs F vが抗原結合に望まれる構造を形成するのを可能にする。s F vの概説については、Pluckthun in The Pharmacology of Monoclonal Antibodies, vol. 113, Rosenberg及びMoore編, Springer-Verlag, New York, pp. 269-315 (1994); Borrebaeck 1995, 以下を参照のこと。

30

## 【 0 0 8 9 】

「ダイアボディ(d i a b o d i e s)」という用語は、鎖間ではなく鎖内でVドメインを対形成させ、結果として二価の断片、すなわち2つの抗原-結合部位を有する断片が得られるように、VHとVLドメインとの間に、短いリンカー(約5-10残基)を持つs F v断片(前の段落を参照)を構築することにより調製される小型の抗体断片を意味する。二重特異性ダイアボディは2つの「交差」s F v断片のヘテロダイマーであり、そこでは2つの抗体のVH及びVLドメインが異なるポリペプチド鎖上に存在する。ダイアボディは、例えば、欧州特許第404097号; 国際公開93/11161号; 及びHollinger等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 90: 6444-6448 (1993)により十分に記載されている。

40

## 【 0 0 9 0 】

非ヒト(例えば齧歯類)抗体の「ヒト化」形とは、非ヒト抗体から得られた最小配列を含むキメラ抗体である。大部分において、ヒト化抗体は、レシピエントの高頻度可変領域の残基が、マウス、ラット、ウサギ又は非ヒト霊長類のような所望の抗体特異性、親和性及び能力を有する非ヒト種(ドナー抗体)の高頻度可変領域の残基によって置換されたヒト免疫グロブリン(レシピエント抗体)である。ある場合には、ヒト免疫グロブリンのフレームワーク領域(FR)残基は、対応する非ヒト残基によって置換される。さらに、ヒト化抗体は、レシピエント抗体にもドナー抗体にも見出されない残基を含んでいてもよい。これら

50

の修飾は抗体の特性をさらに洗練するために行われる。一般的に、ヒト化抗体は、全て又はほとんど全ての高頻度可変ループが非ヒト免疫グロブリンのものに一致し、全て又はほとんど全てのFRがヒト免疫グロブリン配列である、少なくとも1つ、典型的には2つの可変ドメインの実質的に全てを含む。ヒト化抗体は、状況に応じて免疫グロブリン定常領域(Fc)、典型的にはヒトの免疫グロブリンの定常領域の少なくとも一部を含む。さらなる詳細は、Jones等, Nature 321, 522-525(1986); Riechmann等, Nature 332, 323-329(1988); 及びPresta, Curr. Op. Struct. Biol. 2, 593-596(1992)を参照のこと。

#### 【0091】

「種依存性抗体」、例えば哺乳動物抗-ヒトIgE抗体は、二番目の哺乳動物種からの抗原の相同体に対して有している結合親和性よりも、一番目の哺乳動物種からの抗原に対してより強力な結合親和性を有する抗体である。通常、種依存性抗体は、ヒト抗原(すなわち、約 $1 \times 10^{-7}$  M以下、好ましくは約 $1 \times 10^{-8}$ 以下、最も好ましくは約 $1 \times 10^{-9}$  M以下の結合親和性(Kd)値を有する)と「特異的に結合」するが、そのヒト抗原に対する結合親和性よりも、少なくとも約50倍、又は少なくとも約500倍、又は少なくとも約1000倍弱い、二番目の非ヒト哺乳動物種からの抗原の相同体に対する結合親和性を有する。種依存性抗体は、上に定義した種々の型の抗体のいずれでもあることが可能だが、好ましくはヒト化又はヒト抗体である。

#### 【0092】

「Kababatに記載の可変ドメイン残基番号付け」又は「Kababatに記載のアミノ酸位番号付け」なる用語及びその異なる言い回しは、Kabat等, Sequences of Proteins of Immunological Interest, 5th Ed. Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, MD. (1991)の抗体の編集の軽鎖可変ドメイン又は重鎖可変ドメインに用いられる番号付けシステムを指す。この番号付けシステムを用いると、実際の線形アミノ酸配列は、可変ドメインのFR又はCDR内の短縮又は挿入に相当する2、3のアミノ酸又は付加的なアミノ酸を含みうる。例えば、重鎖可変ドメインには、重鎖FR残基82の後に挿入された残基(例えばKabatによる残基82a、82b及び82cなど)と、H2の残基52の後に単一アミノ酸の挿入(Kabatによる残基52a)を含んでもよい。残基のKababat番号は、「標準の」Kababat番号付け配列によって抗体の配列の相同領域でアライメントすることによって与えられる抗体について決定してもよい決定した。

#### 【0093】

ここで用いる「実質的に類似」、「実質的に同じ」なる句は、当業者が2つの数値(一般的には、本発明の抗体に関連するものと参照/比較抗体に関連する他のもの)の差異に、該値(例えばKd値)によって測定される生物学的性質上わずかに又は全く生物学的及び/又は統計学的有意差がないと認められるほど、2つの数値が十分に高く類似していることを意味する。前記2つの値間の差異は、参照/比較抗体の値の好ましくは約50%以下、好ましくは約40%以下、好ましくは約30%以下、好ましくは約20%以下、好ましくは約10%以下である。

#### 【0094】

一般的に「結合親和性」は、分子(例えば抗体)の単一結合部位とその結合パートナー(例えば抗原)との間の非共有結合的な相互作用の総合的な強度を意味する。特に明記しない限り、「結合親和性」は、結合対のメンバー(例えば抗体と抗原)間の1:1相互作用を反映する内因性結合親和性を意味する。一般的に、分子XのそのパートナーYに対する親和性は、解離定数(Kd)として表される。親和性は、本明細書中に記載のものを含む当業者に公知の共通した方法によって測定することができる。低親和性抗体は抗原にゆっくり結合して素早く解離する傾向があるのに対し、高親和性抗体は抗原により密接により長く結合したままとなる。結合親和性の様々な測定方法が当分野で公知であり、それらの何れかを本発明のために用いることができる。以下に具体的な例示的实施態様を記載する。

#### 【0095】

一実施態様では、本発明の「Kd」又は「Kd値」は、段階的な力価の非標識抗原の存在下で、最小濃度の( $10^{-5}$  I)-標識抗原にてFabを均衡化して、抗Fab抗体コート

10

20

30

40

50

プレートと結合した抗原を捕獲することによって抗原に対する F a b の溶液結合親和性を測定する以下のアッセイで示されるような(Chen, et al., (1999) J. Mol Biol 293:865-881)、所望の抗体の F a b 型(バージョン)とその抗原を用いて実行される放射性標識した抗原結合アッセイ(R I A)で測定される。アッセイの条件を決めるために、マイクロタイタープレート(D y n e x)を  $5 \mu\text{g}/\text{ml}$  の捕獲抗 F a b 抗体(C a p p e l L a b s)を含む  $50 \text{ mM}$  炭酸ナトリウム(p H 9 . 6)にて一晚コートして、その後  $2\%$  (w/v) のウシ血清アルブミンを含む P B S にて室温(およそ  $23^\circ\text{C}$ ) で  $2 \sim 5$  時間、ブロックする。非吸着プレート(N u n c # 2 6 9 6 2 0)に、 $100 \text{ pM}$  又は  $26 \text{ pM}$  の  $[^{125}\text{I}]$  抗原を段階希釈した所望の F a b と混合する(例えば、Presta等、(1997) Cancer Res. 57: 4593-4599の抗 V E G F 抗体、F a b - 1 2 の評価と一致する)。次いで所望の F a b を一晚インキュベートする;しかし、インキュベーションは確実に平衡状態に達するまでに長時間(例えば  $65$  時間)かかるかもしれない。その後、混合物を捕獲プレートに移し、室温で(例えば  $1$  時間)インキュベートする。そして、溶液を取り除き、プレートを  $0.1\%$  の T w e e n 2 0 を含む P B S にて  $8$  回洗浄する。プレートが乾燥したら、 $150 \mu\text{l}/\text{ウェル}$  の閃光物質(M i c r o S c i n t - 2 0 ; P a c k a r d)を加え、プレートを T o p c o u n t 計測器(P a c k a r d)にて  $10$  分間計測する。最大結合の  $20\%$  か又はそれ以下濃度の F a b を選択してそれぞれ競合結合測定に用いる。他の実施態様によると、 $\sim 10$  反応単位(R U)の固定した抗原 C M 5 チップを用いて  $25^\circ\text{C}$  の B I A c o r e <sup>T M</sup> - 2 0 0 0 又は B I A c o r e <sup>T M</sup> - 3 0 0 0 (B I A c o r e , I n c . , P i s c a t a w a y , N J)にて表面プラズモン共鳴アッセイを行って K d 又は K d 値を測定する。簡単に言うと、カルボキシメチル化デキストランバイオセンサーチップ(C M 5 , B I A c o r e I n c .)を、提供者の指示書に従って N - エチル - N' - ( 3 - ジメチルアミノプロピル) - カルボジイミド塩酸塩( E D C ) 及び N - ヒドロキシスクシニミド( N H S ) で活性化した。抗原を  $10 \text{ mM}$  酢酸ナトリウム(p H 4 . 8)で  $5 \mu\text{g}/\text{ml}$  ( $\sim 0.2 \mu\text{M}$ ) に希釈し、結合したタンパク質の反応単位(R U)がおよそ  $10$  になるように  $5 \mu\text{l}/\text{分}$  の流速で注入した。抗原の注入後、反応しない群をブロックするために  $1 \text{ M}$  のエタノールアミンを注入した。動力学的な測定のために、 $2$  倍の段階希釈した F a b ( $0.78 \text{ nM}$  から  $500 \text{ nM}$ ) を  $25^\circ\text{C}$  、およそ  $25 \mu\text{l}/\text{分}$  の流速で  $0.05\%$  T w e e n 2 0 (P B S T) を含む P B S に注入した。会合及び解離のセンサーグラムを同時にフィットさせることによる単純一対一ラングミュア結合モデル(s i m p l e o n e - t o - o n e L a n g m u i r b i n d i n g m o d e l) (B I A c o r e E v a l u a t i o n ソフトウェアバージョン 3.2)を用いて、会合速度( $K_{on}$ )と解離速度( $K_{off}$ )を算出した。平衡解離定数(K d)を  $K_{off}/K_{on}$  比として算出した。例として、Chen, Y., ら, (1999) J. Mol Biol 293:865-881を参照。上記の表面プラズモン共鳴アッセイによる結合速度が  $10^6 \text{ M}^{-1} \text{ S}^{-1}$  を上回る場合、分光計、例えば、流動停止を備えた分光光度計(s t o p - f l o w e q u i p p e d s p e c t r o p h o m e t e r) (A v i v I n s t r u m e n t s) 又は攪拌キュベットを備えた  $8000$  シリーズ S L M - A m i n c o 分光光度計(T h e r m o S p e c t r o n i c)で測定される、漸増濃度の抗原の存在下に於て、P B S (p H 7 . 2)、 $25^\circ\text{C}$  の、 $20 \text{ nM}$  の抗抗原抗体(F a b 型)の蛍光放出強度(励起 =  $295 \text{ nm}$ ; 放出 =  $340 \text{ nm}$ 、帯域通過 =  $16 \text{ nm}$ )における増加又は減少を測定する蛍光消光技術を用いて結合速度を測定することができる。

#### 【0096】

また、本発明の「結合速度」又は「会合の速度」又は「会合速度」又は「 $k_{on}$ 」は、 $\sim 10$  反応単位(R U)の固定した抗原 C M 5 チップを用いて  $25^\circ\text{C}$  の B I A c o r e <sup>T M</sup> - 2 0 0 0 又は B I A c o r e <sup>T M</sup> - 3 0 0 0 (B I A c o r e , I n c . , P i s c a t a w a y , N J)を用いた前述と同じ表面プラズモン共鳴アッセイにて測定される。簡単に言うと、カルボキシメチル化デキストランバイオセンサーチップ(C M 5 , B I A c o r e I n c .)を、提供者の指示書に従って N - エチル - N' - ( 3 - ジメチルアミノプロピル) - カルボジイミド塩酸塩( E D C ) 及び N - ヒドロキシスクシニミド( N H S ) で活性化した。抗原を  $10 \text{ mM}$  酢酸ナトリウム(p H 4 . 8)で  $5 \mu\text{g}/\text{ml}$  ( $\sim 0.2 \mu\text{M}$ ) に希釈し、

結合したタンパク質の反応単位(RU)がおよそ10になるように5 $\mu$ l/分の流速で注入した。その後、反応しない群をブロックするために1Mのエタノールアミンを注入した。反応しない群をブロックするために1Mのエタノールアミンを注入した。動力学的な測定のために、2倍の段階希釈したFab(0.78nMから500nM)を25、およそ25 $\mu$ l/分の流速で0.05%Tween20(PBST)を含むPBSに注入した。会合及び解離のセンサーグラムを同時にフィットさせることによる単純一対一ラングミュア結合モデル(simple one-to-one Langmuir binding model)(BIAcore Evaluationソフトウェアバージョン3.2)を用いて、会合速度( $K_{on}$ )と解離速度( $K_{off}$ )を算出した。平衡解離定数( $K_d$ )を $K_{off}/K_{on}$ 比として算出した。例として、Chen, Y.,ら, (1999) J. Mol Biol 293:865-881を参照。しかし、上記の表面プラスモン共鳴アッセイによる結合速度が $10^6 M^{-1} S^{-1}$ を上回る場合、分光計、例えば、流動停止を備えた分光光度計(stop-flow equipped spectrophotometer)(Aviv Instruments)又は攪拌キュベットを備えた8000シリーズSLM-Aminco分光光度計(Thermo Spectronic)で測定される、漸増濃度の抗原の存在下にて、PBS(pH7.2)、25の、20nMの抗抗原抗体(Fab型)の蛍光放出強度(励起=295nm;放出=340nm、帯域通過=16nm)における増加又は減少を測定する蛍光消光技術を用いて結合速度を測定するのが好ましい。一実施態様における本発明の「 $K_d$ 」又は「 $K_d$ 値」は、段階的な力価の非標識抗原の存在下で、最小濃度の( $^{125}I$ )-標識抗原にてFabを均衡化して、抗Fab抗体コートプレートと結合した抗原を捕獲することによって抗原に対するFabの溶液結合親和性を測定する以下のアッセイで示されるような(Chen, et al., (1999) J. Mol Biol 293:865-881)、抗体のFab型(バージョン)とその抗原分子を用いて実行される放射性標識した抗原結合アッセイ(RIA)で測定される。アッセイの条件を決めるために、マイクロタイプレート(Dynex)を5 $\mu$ g/mlの捕獲抗Fab抗体(Cappel Labs)を含む50mM炭酸ナトリウム(pH9.6)にて一晚コートして、その後2%(w/v)のウシ血清アルブミンを含むPBSにて室温(およそ23)で2~5時間、ブロックする。非吸着プレート(Nunc#269620)に、100pM又は26pMの[ $^{125}I$ ]抗原を段階希釈した所望のFabと混合する(Presta等、(1997) Cancer Res. 57: 4593-4599の抗VEGF抗体、Fab-12の評価と一致する)。次いで所望のFabを一晚インキュベートする;しかし、インキュベーションは確実に平衡状態に達するまでに長時間(例えば65時間)かかるかもしれない。その後、混合物を捕獲プレートに移し、室温で1時間インキュベートする。そして、溶液を取り除き、プレートを0.1%のTween20を含むPBSにて8回洗浄する。プレートが乾燥したら、150 $\mu$ l/ウェルの閃光物質(MicroScint-20; Packard)を加え、プレートをTopcount計測器(Packard)にて10分間計測する。最大結合の20%か又はそれ以下濃度のFabを選択してそれぞれ競合結合測定に用いる。他の実施態様によると、~10反応単位(RU)の固定した抗原CM5チップを用いて25のBIAcore<sup>TM</sup>-2000又はBIAcore<sup>TM</sup>-3000(BIAcore, Inc., Piscataway, NJ)にて表面プラズモン共鳴アッセイを行って $K_d$ 又は $K_d$ 値を測定する。簡単に言うと、カルボキシメチル化デキストランバイオセンサーチップ(CM5, BIAcore Inc.)を、提供者の指示書に従ってN-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロピル)-カルボジイミド塩酸塩(EDC)及びN-ヒドロキシスクシニミド(NHS)で活性化した。抗原を10mM酢酸ナトリウム(pH4.8)で5 $\mu$ g/ml(~0.2 $\mu$ M)に希釈し、結合したタンパク質の反応単位(RU)がおよそ10になるように5 $\mu$ l/分の流速で注入した。抗原の注入後、反応しない群をブロックするために1Mのエタノールアミンを注入した。動力学的な測定のために、2倍の段階希釈したFab(0.78nMから500nM)を25、およそ25 $\mu$ l/分の流速で0.05%Tween20(PBST)を含むPBSに注入した。会合及び解離のセンサーグラムを同時にフィットさせることによる単純一対一ラングミュア結合モデル(simple one-to-one Langmuir binding model)(BIAcore Evaluati

onソフトウェアバージョン3.2)を用いて、会合速度( $K_{on}$ )と解離速度( $K_{off}$ )を算出した。平衡解離定数( $K_d$ )を $K_{off}/K_{on}$ 比として算出した。例として、Chen, Y.,ら, (1999) J. Mol Biol 293:865-881を参照。上記の表面プラズモン共鳴アッセイによる結合速度が $10^6 M^{-1} S^{-1}$ を上回る場合、分光計、例えば、流動停止を備えた分光光度計(stop-flow equipped spectrophotometer)(Aviv Instruments)又は攪拌キュベットを備えた8000シリーズSLM-Aminco分光光度計(ThermoSpectronic)で測定される、漸増濃度の抗原の存在下にて、PBS(pH7.2)、25 の、20 nMの抗抗原抗体(Fab型)の蛍光放出強度(励起 = 295 nm; 放出 = 340 nm、帯域通過 = 16 nm)における増加又は減少を測定する蛍光消光技術を用いて結合速度を測定することができる。

10

## 【0097】

一実施態様では、本発明の「結合速度」又は「会合の速度」又は「会合速度」又は「 $k_{on}$ 」は、~10反応単位(RU)の固定した抗原CM5チップを用いて25 のBIAcore™-2000又はBIAcore™-3000(BIAcore, Inc., Piscataway, NJ)を用いた前述と同じ表面プラズモン共鳴アッセイにて測定される。簡単に言うと、カルボキシメチル化デキストランバイオセンサーチップ(CM5, BIAcore Inc.)を、提供者の指示書に従ってN-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロピル)-カルボジイミド塩酸塩(EDC)及びN-ヒドロキシスクシニミド(NHS)で活性化した。抗原を10 mM 酢酸ナトリウム(pH4.8)で5 µg/ml(~0.2 µM)に希釈し、結合したタンパク質の反応単位(RU)がおよそ10になるように5 µl/分の流速で注入した。その後、反応しない群をブロックするために1 Mのエタノールアミンを注入した。反応しない群をブロックするために1 Mのエタノールアミンを注入した。動力学的な測定のために、2倍の段階希釈したFab(0.78 nMから500 nM)を25 、およそ25 µl/分の流速で0.05% Tween 20(PBST)を含むPBSに注入した。会合及び解離のセンサーグラムを同時にフィットさせることによる単純一対一ラングミュア結合モデル(simple one-to-one Langmuir binding model)(BIAcore Evaluationソフトウェアバージョン3.2)を用いて、会合速度( $K_{on}$ )と解離速度( $K_{off}$ )を算出した。平衡解離定数( $K_d$ )を $K_{off}/K_{on}$ 比として算出した。例として、Chen, Y.,ら, (1999) J. Mol Biol 293:865-881を参照。しかし、上記の表面プラズモン共鳴アッセイによる結合速度が $10^6 M^{-1} S^{-1}$ を上回る場合、分光計、例えば、流動停止を備えた分光光度計(stop-flow equipped spectrophotometer)(Aviv Instruments)又は攪拌キュベットを備えた8000シリーズSLM-Aminco分光光度計(ThermoSpectronic)で測定される、漸増濃度の抗原の存在下にて、PBS(pH7.2)、25 の、20 nMの抗抗原抗体(Fab型)の蛍光放出強度(励起 = 295 nm; 放出 = 340 nm、帯域通過 = 16 nm)における増加又は減少を測定する蛍光消光技術を用いて結合速度を測定するのが好ましい。

20

30

## 【0098】

ここで用いる「実質的に減弱した」、又は「実質的に異なる」という表現は、当業者が2つの数値(一般的には、本発明の抗体に関連するものと参照/対照抗体に関連する他のもの)の差異に、前記値(例えば $K_d$ 値、HAM A応答)によって測定される生物学的性質の上で統計学的に有意な差異を認める程度に、2つの数値の差が有意に大きいことを意味する。前記2つの値の差異は、参照/対照抗体の値の好ましくは約10%以上、好ましくは約20%以上、好ましくは約30%以上、好ましくは約40%以上、好ましくは約50%以上である。

40

## 【0099】

「抗原」は、抗体が選択的に結合しうる予め決められた抗原である。標的抗原は、ポリペプチド、炭水化物、核酸、脂質、ハプテン又は他の天然に生じる化合物又は合成化合物であってもよい。標的抗原はポリペプチドであることが望ましい。本願明細書における目的のための「アクセプターヒトフレームワーク」は、ヒト免疫グロブリンフレームワーク

50

又はヒトコンセンサスフレームワークから得られるV L又はV Hフレームワークのアミノ酸配列を含有するフレームワークである。ヒト免疫グロブリンフレームワーク又はヒトコンセンサスフレームワーク「から得られる」アクセプターヒトフレームワークは、その同じアミノ酸配列を含有するか、又は既存のアミノ酸配列変化を含有してもよい。既存のアミノ酸変化が存在する場合、好ましくは5つのみ、好ましくは4つ以下、又は3つ以下の既存のアミノ酸変化が存在する。既存のアミノ酸変化がV H中に存在する場合、好ましくは、それらの変化は位置71H、73H及び78Hの内の3つ、2つ又は1つのみである、例えば、それらの位置のアミノ酸残基は、71A、73T及び/又は78Aであってよい。一実施態様では、V Lアクセプターヒトフレームワークは、V Lヒト免疫グロブリンフレームワーク配列又はヒトコンセンサスフレームワーク配列と配列が同一である。

10

## 【0100】

本発明の抗体は、第二の抗体が結合するエピトープと同じエピトープへの結合について競合できる。標準的なインビトロ抗体競合結合分析において、同じ濃度で、一つのモノクローナル抗体が、他の同抗体の結合を40%以上ブロックする場合、これらモノクローナル抗体は「同じエピトープ」を共有すると考えられる。

## 【0101】

「ヒトコンセンサスフレームワーク」は、ヒト免疫グロブリンV L又はV Hフレームワーク配列の選別において、最も共通して生じるアミノ酸残基を表すフレームワークである。通常、ヒト免疫グロブリンV L又はV H配列は、可変ドメイン配列のサブグループから選別する。通常、K a b a t等によると、配列のサブグループはサブグループである。一実施態様では、V Lについて、K a b a t等によると、前記サブグループはサブグループIである。一実施態様では、V Hについて、K a b a t等によると、前記サブグループはサブグループIIIである。

20

## 【0102】

「V HサブグループIIIコンセンサスフレームワーク」は、K a b a t等の可変重鎖サブグループIIIのアミノ酸配列から得られるコンセンサス配列を含有する。

## 【0103】

「V LサブグループIコンセンサスフレームワーク」は、K a b a t等の可変軽鎖サブグループIのアミノ酸配列から得られたコンセンサス配列を含んでなる。

## 【0104】

「非修飾ヒトフレームワーク」は、アクセプターヒトフレームワーク、例えばアクセプターヒトフレームワーク中の非ヒトアミノ酸置換(一又は複数)に対して欠如しているヒトフレームワークと同じアミノ酸配列を有するヒトフレームワークである。

30

## 【0105】

本明細書の目的に関して「変更された高頻度可変領域」という場合、その中に一又は複数(例えば1から約16)のアミノ酸置換を含有する高頻度可変領域を意味する。

## 【0106】

本願明細書の目的に関して「非修飾高頻度可変領域」という場合、それが得られた非ヒト抗体と同じアミノ酸配列を有する高頻度可変領域、すなわち一又は複数のアミノ酸置換がないものである。

40

## 【0107】

本願明細書において、用いられる「高頻度可変領域」、「HVR」、「HV」又は「CDR」という用語は、配列中の高頻度に可変である及び/又は構造的に定義されたループを形成する抗体可変ドメインの領域を指す。通常、抗体は、V H(CDR - H1、CDR - H2、CDR - H3)の3つと、V L(CDR - L1、CDR - L2、CDR - L3)の3つからなる計6つの高頻度可変領域を含んでいる。多くの高頻度可変領域が描写されており、本願明細書に包含される。K a b a t相補性決定領域(CDR)は、配列多様性に基づいており、最も一般的に用いられるものである(Kabat等, Sequences of Proteins of Immunological Interest, 5th Ed. Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, MD. (1991))。Chothiaは、代わりに構造的ループの位置を指す(Chothia

50

及びLesk J. Mol. Biol. 196:901-917 (1987))。「接触」高頻度可変領域は、入手可能な複雑な結晶構造の分析に基づくものである。これら高頻度可変領域各々の残基を以下に示す。特に断らない限り、Kabatのナンバリングを利用する。高頻度可変領域の位置は、通常、アミノ酸24-34(CDR-L1)、アミノ酸49-56(CDR-L2)、アミノ酸89-97(CDR-L3)、アミノ酸26-35A(CDR-H1)、アミノ酸49-65(CDR-H2)、及びアミノ酸93-102(CDR-H3)である。

【0108】

高頻度可変領域は、以下の「伸展した高頻度可変領域」を含有してもよい：VLのアミノ酸24-36(L1)、及びアミノ酸46-56(L2)。可変ドメイン残基には、これらの定義の各々にあるように上掲のKabat等に従って番号を付けた。

10

【0109】

本願明細書に定義される「フレームワーク」又は「FR」残基は、高頻度可変領域残基以外の、それらの可変ドメイン残基である。

【0110】

「ヒト抗体」は、ヒトにより生成される抗体のアミノ酸配列に対応するアミノ酸配列を有するもの、及び/又は本明細書中に開示したヒト抗体をつくるためのいずれかの技術を使用してつくられたものである。ヒト抗体のこのような定義から、非ヒト抗原結合残基を含むヒト化抗体を特別に除く。

【0111】

「親和性成熟」抗体は、その1つ以上のCDRに1つ以上の変更を有する抗体であって、そのような変更を有しない親抗体と比較して、抗原に対する抗体の親和性を向上させる。好ましい親和性成熟抗体は、標的抗原に対して、ナノモル単位の、さらにはピコモル単位の親和性を有する。親和性成熟抗体は、当技術分野において既知の方法により生産できる。Marks他は、Bio/Technology, 10:779-783(1992年)において、VHドメインとVLドメインのシャフリングによる親和性成熟を開示している。CDR及び/又はフレームワーク残基のランダムな突然変異誘発が、Barbas他、Proc Nat. Acad. Sci, USA 91:3809-3813(1994); Schier他、Gene, 169:147-155 (1995); Yelton他、J. Immunol., 155:1994-2004 (1995); Jackson他、J. Immunol., 154(7):3310-9 (1995); 及びHawkins他、J. Mol. Biol., 226:889-896 (1992)に開示されている。

20

【0112】

「ブロッキング(ブロック)抗体」又は「アンタゴニスト」抗体は、結合する抗原の生物学的活性を阻害するか、減弱するものである。好適なブロッキング抗体又はアンタゴニスト抗体は、抗原の生物学的活性を実質的にないしは完全に阻害する。

30

【0113】

「TAT結合オリゴペプチド」はここで記載される様なTATポリペプチドに好ましくは特異的に結合するオリゴペプチドである。TAT結合オリゴペプチドは、既知のオリゴペプチド合成方法論を用いて化学的に合成することができ、あるいは組み換え技術を用いて調製及び精製することができる。TAT結合オリゴペプチドは通常、少なくとも約5のアミノ酸長であり、或いは少なくとも約6、7、8、9、10、11、1-73、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99又は100のアミノ酸長以上であり、このようなオリゴペプチドはここに記載される様なTATポリペプチドに対して好ましくは特異的に結合する能力がある。TAT結合オリゴペプチドは、よく知られた技術を用いて過度の実験をすることなしに同定することができる。この点において、ポリペプチド標的に特異的に結合する能力のあるオリゴペプチドのオリゴペプチドライブラリーを検索する技術は当分野でよ

40

50

く知られていることを注記する（例えば、米国特許第5556762号、同第5750373号、同第4708871号、同第4833092号、同第5223409号、同第5403484号、同第5571689号、同第5663143号；PCT公開第WO84/03506号、及びWO84/03564号；Geysen等, Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., 81:3998-4002 (1984)；Geysen等, Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., 82:178-182 (1985)；Geysen等, in Synthetic Peptides as Antigens, 130-149 (1986)；Geysen等, J. Immunol. Meth., 102:259-274 (1987)；Schoofs等, J. Immunol., 140:611-616 (1988), Cwirlla, S.E.等(1990) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87:6378；Lowman, H.B.等 (1991) Biochemistry, 30:10832；Clackson, T.等 (1991) Nature, 352:624；Marks, J.D.等 (1991) J. Mol. Biol., 222:581；Kang, A.S.等 (1991) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88:8363、及びSmith, G.P. (1991) Current Opin. Biotechnol., 2:668参照）。

10

## 【0114】

「TAT結合有機分子」とは、ここに記載されるようなTATポリペプチドに、好ましくは特異的に、結合する、ここに定義されるようなオリゴペプチド又は抗体以外の有機分子である。TAT結合有機分子は既知の方法（例えばPCT公開第WO00/00823号及びWO00/39585号参照）を用いて同定され、化学的に合成されうる。TAT結合有機分子は通常、約2000ダルトン未満の大きさであり、あるいは約1500、750、500、250又は200ダルトン未満の大きさであり、ここに記載される様なTATポリペプチドに、好ましくは特異的に結合する能力のあるこのような有機分子は、よく知られた技術を用いて過度の実験をすることなしに同定されうる。この点において、ポリペプチド標的に結合する能力のある分子の有機分子ライブラリーを検索する技術は当分野でよく知られていることを注記する（例えばPCT公開第WO00/00823号及びWO00/39585号参照）。

20

## 【0115】

対象の抗原、例えば腫瘍関連ポリペプチド抗原標的と「結合する」抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子は、その抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子がその抗原を発現している細胞又は組織を標的とする診断及び/又は治療剤として有用であり、他のタンパク質と有意には交差反応しないように十分な親和性でその抗原と結合するものである。そのような実施態様では、抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子の「非標的」タンパク質との結合の程度は、蛍光標示式細胞分取器(FACS)分析又は放射免疫沈降(RIA)によって定量して、その特定の標的タンパク質との抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子の結合の約10%よりも低い。標的分子への抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子の結合に関して、特定のポリペプチド又は特定のポリペプチド標的上のエピトープと「特異的に結合」又は「特異的に結合する」、又はそれに対して「特異的である」という用語は、非特異的な相互作用とは測定して異なる結合を意味する。特異的な結合は、例えば、一般に結合活性を持たない類似した構造の分子であるコントロール分子の結合性と比較して、分子の結合性を定量することによって測定することができる。例えば、特異的な結合性は、標的、例えば過剰の非標識標的に類似したコントロール分子とも競合によって定量することができる。この場合、プローブに対する標識標的の結合が過剰の非標識標的によって競合的に阻害されるならば、特異的結合が表示される。ここで使用される特定のポリペプチド又は特定のポリペプチド標的上のエピトープと「特異的に結合」又は「特異的に結合する」、又はそれに対して「特異的である」という用語は、例えば標的に対して少なくとも約 $10^{-4}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-5}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-6}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-7}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-8}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-9}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-10}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-11}$  M、あるいは少なくとも約 $10^{-12}$  M、あるいはそれ以上のKdを持つ分子によって示されうる。一実施態様では、「特異的に結合する」という用語は、如何なる他のポリペプチド又はポリペプチドエピトープへ実質的に結合することなく分子が特定のポリペプチド又は特定のポリペプチドのエピトープに結合する結合を意味する。

30

40

## 【0116】

50

「TATポリペプチドを発現する腫瘍細胞の増殖を阻害する」抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子、又は「増殖阻害」抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子は、適切なTATポリペプチドを発現又は過剰発現する癌細胞の測定可能な程の増殖阻害を引き起こすものである。TATポリペプチドは、癌細胞の表面上に発現される膜貫通ポリペプチドであることができ、癌細胞によって産生され分泌されるポリペプチドであり得る。好ましい増殖阻害抗TAT抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子は、一般的には、試験された抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子で処理されていない腫瘍細胞であるコントロールである、適切なコントロールと比較して、20%より多く、好ましくは約20%から約50%、そしてさらに好ましくは50%よりも多く（例えば、約50%から約100%）でTAT発現腫瘍細胞の増殖を阻害する。一実施態様では、増殖阻害は、細胞培養で約0.1から30  $\mu\text{g}/\text{ml}$  又は約0.5 nMから200 nMの抗体濃度で測定することができ、抗体への腫瘍細胞の曝露の後、増殖阻害を1 - 10日で確かめる。インビボでの腫瘍細胞の増殖阻害は、下記の実験実施例に記載しているような種々の方法で確かめることができる。約1  $\mu\text{g}/\text{kg}$  から約100  $\text{mg}/\text{kg}$  体重の抗TAT抗体の投与が、最初の抗体の投与から約5日から3ヶ月内、好ましくは約5から30日以内に腫瘍の大きさ又は腫瘍細胞増殖に減少を引き起こす場合、抗体はインビボで増殖阻害性である。

10

## 【0117】

「アポトーシスを誘発する」抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子は、アネキシンVの結合、DNAの断片化、細胞収縮、小胞体の拡張、細胞断片化、及び/又は膜小胞の形成(アポトーシス体と呼ばれる)等により決定されるようなプログラム細胞死を誘発するものである。細胞は、通常、TATポリペプチドを過剰発現しているものである。好ましくは、細胞は腫瘍細胞、例えば前立腺、乳房、卵巣、胃、子宮内膜、肺、腎臓、結腸、膀胱細胞である。アポトーシスに伴う細胞のイベントを評価するために種々の方法が利用できる。例えば、ホスファチジルセリン(PS)転位置をアネキシン結合により測定することができ；DNA断片化はDNAラダーリングにより評価することができ；DNA断片化に伴う細胞核/クロマチン凝結は低二倍体細胞の何らかの増加により評価することができる。好ましくは、アネキシン結合アッセイにおいて、アポトーシスを誘発する抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子は、未処理細胞の約2 ~ 50倍、好ましくは約5 ~ 50倍、最も好ましくは約10 ~ 50倍のアネキシン結合を誘発するという結果を生じるものである。

20

## 【0118】

抗体の「エフェクター機能」とは、抗体のFc領域(天然配列Fc領域又はアミノ酸配列変異体Fc領域)に帰する生物学的活性を意味し、抗体のアイソタイプにより変わる。抗体のエフェクター機能の例には、C1q結合及び補体依存性細胞障害；Fcレセプター結合性；抗体依存性細胞媒介性細胞障害(ADCC)；貪食作用；細胞表面レセプター(例えば、B細胞レセプター)のダウンレギュレーション；及びB細胞活性化が含まれる。

30

## 【0119】

「抗体依存性細胞媒介性細胞障害」又は「ADCC」とは、ある種の細胞障害細胞(例えば、ナチュラルキラー(NK)細胞、好中球及びマクロファージ)上に存在するFcレセプター(FcRs)と結合した分泌Igにより、これらの細胞障害エフェクター細胞が抗原-担持標的細胞に特異的に結合し、続いて細胞毒により標的細胞を死滅させることを可能にする細胞障害性の形態を意味する。抗体は細胞障害細胞を「備えて」おり、これはこのような死滅には絶対に必要なものである。ADCCを媒介する主要な細胞NK細胞はFcRIIIのみを発現するのに対し、単球はFcRI、FcRII及びFcRIIIを発現する。造血細胞でのFcRの発現は、Ravetch and Kinet, Annu. Rev. Immunol 9:457-92 (1991)の464頁の表3に要約されている。対象の分子のADCC活性をアッセイするために、米国特許第5500362号又は同第5821337号に記載されているようなインビトロADCCアッセイを実施することができる。このようなアッセイにおいて有用なエフェクター細胞には、末梢血液単核細胞(PBMC)及びナチュラルキラー細胞(NK細胞)が含まれる。代わりとして、もしくは付加的に、対象の分子のADCC活性は、例えば、Clynes等, (USA) 95:652-656 (1998)において開示されているような

40

50

動物モデルにおいて、インビボで評価することが可能である。

【0120】

「Fcレセプター」又は「FcR」は、抗体のFc領域に結合するレセプターを記載するものである。好適なFcRは天然配列ヒトFcRである。さらに好適なFcRは、IgG抗体(ガンマレセプター)と結合するもので、FcRI、FcRII及びFcRIIIサブクラスのレセプターを含み、これらのレセプターの対立遺伝子変異体、選択的にスプライシングされた形態のものも含まれる。FcRIIレセプターには、FcRIIA(「活性型レセプター」)及びFcRIIB(「阻害型レセプター」)が含まれ、主としてその細胞質ドメインは異なるが、類似のアミノ酸配列を有するものである。活性型レセプターFcRIIAは、細胞質ドメインにチロシン依存性免疫レセプター活性化モチーフ(immunoreceptor tyrosine-based activation motif; ITAM)を含んでいる。阻害型レセプターFcRIIBは、細胞質ドメインにチロシン依存性免疫レセプター阻害性モチーフ(immunoreceptor tyrosine-based inhibition motif; ITIM)を含んでいる(Daeron, Annu. Rev. immunol. 15:203-234 (1997)を参照)。FcRsに関しては、Ravetch and Kinetic, Annu. Rev. Immunol. 9:457-492 (1991); Capel等, Immunomethods 4:25-34 (1994); 及びde Haas等, J. Lab. Clin. Med. 126:330-41 (1995)に概説されている。将来的に同定されるものも含む他のFcRsはここでの「FcR」という言葉によって包含される。また、該用語には、母性IgGsが胎児に受け継がれる要因となっている新生児性レセプターFcRn(Guyer等, J. Immunol. 117:587 (1976) Kim等, J. Immunol. 24:249 (1994))も含まれる。

10

20

【0121】

「ヒトエフェクター細胞」とは、一又は複数のFcRsを発現し、エフェクター機能を実行する白血球のことである。その細胞が少なくともFcRIIIを発現し、ADCCエフェクター機能を実行することが望ましい。ADCCを媒介するヒト白血球の例として、末梢血液単核細胞(PBMC)、ナチュラルキラー(NK)細胞、単球、細胞障害性T細胞及び好中球が含まれるが、PBMCとNK細胞が好適である。エフェクター細胞は天然源、例えば血液から単離してもよい。

【0122】

「補体依存性細胞障害」もしくは「CDC」は、補体の存在下で標的を溶解することを意味する。典型的な補体経路の活性化は補体系(C1q)の第1補体が、同族抗原と結合した(適切なサブクラスの)抗体に結合することにより開始される。補体の活性化を評価するために、CDCアッセイを、例えばGazzano-Santoro等, J. Immunol. Methods 202:163 (1996)に記載されているように実施することができる。

30

【0123】

「癌」及び「癌性」という用語は、典型的には調節されない細胞増殖を特徴とする、哺乳動物における生理学的状態を指すが記述する。癌の例には、これらに限定されるものではないが、癌腫、リンパ腫、芽細胞腫、肉腫、及び白血病又はリンパ様悪性腫瘍が含まれる。このような癌のより特定の例には、扁平細胞癌(squamous cell cancer)(例えば扁平上皮細胞癌)、小細胞肺癌、非小細胞肺癌、肺の腺癌、及び肺の扁平癌腫(squamous carcinoma)を含む肺癌、腹膜癌、肝細胞癌、胃腸癌を含む胃(gastric)又は腹部(stomach)癌、膵臓癌、神経膠芽細胞腫、子宮頸管癌、卵巣癌、肝臓癌、膀胱癌、尿道癌、肝癌、乳癌、結腸癌、直腸癌、結腸直腸癌、子宮内膜又は子宮癌、唾液腺癌、腎臓(kidney)又は腎(renal)癌、前立腺癌、産卵口癌、甲状腺癌、肝臓癌、肛門癌、陰茎癌、黒色腫、多発性骨髄腫及びB細胞リンパ腫、脳、並びに頭部及び頸部の癌、及び関連した転移が含まれる。

40

【0124】

「細胞増殖性疾患」及び「増殖性疾患」という用語は、ある程度の異常な細胞増殖を伴う疾患を意味する。一実施態様では、細胞増殖性疾患は癌である。

【0125】

50

ここで用いられる「腫瘍」は、悪性又は良性に関わらず、全ての腫瘍形成細胞増殖及び増殖、及び全ての前癌性及び癌性細胞及び組織を意味する。

【0126】

「細胞死を誘導する」抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子は、生細胞を生育不能にするものである。細胞は、TATポリペプチドを発現するもの、好ましくは、同じ組織型の正常細胞と比較してTATポリペプチドを過剰発現する細胞である。TATポリペプチドは、癌細胞の表面上で発現される膜貫通ポリペプチドであることができ、癌細胞により生成され分泌されるポリペプチドであり得る。好ましくは、その細胞は癌細胞、例えば、乳房、卵巣、胃、子宮内膜、唾液腺、肺、腎臓、結腸、甲状腺、膵臓又は膀胱細胞である。インビトロ細胞死は、抗体依存性細胞媒介細胞障害(ADCC)又は補体依存性障害(CDC)によって誘導される細胞死を識別するために、補体及び免疫エフェクター細胞の無い状態で確かめてもよい。従って、細胞死に関するアッセイは、熱不活性化血清(すなわち、補体の無い)を用いて、免疫エフェクター細胞が無い状態でおこなってもよい。抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子が細胞死を誘導するか否かを確かめるために、ヨウ化プロピジウム(PI)、トリパンブルー(Moore等 Cytotechnology 17: 1-11(1995))又は7AADの取り込みによって評価した膜整合性の損失を、未処理細胞と関連して評価することができる。好ましい細胞死を誘導する抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子は、BT474細胞でのPI取り込みアッセイで、PI取り込みを誘導するものである。

10

【0127】

「TAT発現細胞」は、細胞の表面上に又は分泌形態で内因性又は形質移入されたTATポリペプチドを発現する。「TAT発現癌」は、細胞表面上に存在するTATポリペプチドを有する、又はTATポリペプチドを生成し分泌する細胞を含む癌である。任意には、「TAT発現癌」は、その細胞の表面上に十分なレベルのTATポリペプチドを生成し、抗TAT抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子はそれへ結合することができ、癌に関して治療的効果を有する。他の実施態様では、任意には「TAT発現癌」は、抗TAT抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子アンタゴニストが結合することができ、癌に対して治療的有効量を有するように十分なレベルのTATポリペプチドを産生及び分泌する。後者に関して、アンタゴニストは腫瘍細胞による分泌TATポリペプチドの産生及び分泌を減少、抑制又は阻害するアンチセンスオリゴヌクレオチドであり得る。TATポリペプチドを「過剰発現」する癌は、同じ組織型の非癌性細胞と比較して、その細胞表面に顕著により高いレベルのTATポリペプチドを有する、或いは産生及び分泌するものである。そのような過剰発現は、遺伝子増幅又は増大した転写又は翻訳によって生じ得る。TATポリペプチド過剰発現は、診断又は予後アッセイにおいて、細胞の表面上に存在する、あるいは細胞により分泌されるTATタンパク質の増大したレベルを評価することによって定量されうる(例えば、TATポリペプチドをコードする単離された核酸から、組み換えDNA技術を用いて調製することができる単離されたTATポリペプチドに対して調製した抗TAT抗体を用いた免疫組織化学アッセイを介して; FACS分析など)。あるいは、又は付加的に、例えば、TATコード化核酸又はその相補鎖と一致する核酸ベースプローブを使用する蛍光インサイツハイブリダイゼーション; (FISH; 1998年10月公開の国際公開98/45479を参照せよ)、サザンブロッティング、ノーザンブロッティング、又はポリメラーゼ連鎖反応(PCR)技術、例えばリアルタイム定量PCR(RT-PCR)を介して、細胞のTATポリペプチドコード化核酸又はmRNAのレベルを測定してもよい。また、例えば、抗体ベースアッセイを用いて、血清のような生物学的体液中に流れている抗原を測定することによって、TATポリペプチド過剰発現を研究してもよい(同じく、例えば、1990年6月12日に発行の米国特許第4933294号; 1991年4月18日に公開の国際公開91/05264; 1995年3月28日に発行の米国特許第5401638号; Sias等, J. Immunol. Methods 132: 73-80(1990)を参照せよ)。上記のアッセイとは別に、種々のインビボアッセイは、熟練技術者に入手可能である。例えば、患者の体の中にある細胞を、例えば、放射活性アイソトープのような検出可能な標識で場合によって標識した抗体に曝してもよく、患者の細胞への抗体の結合は、

20

30

40

50

例えば、放射活性の外部スキanningによって、又は以前に抗体へ曝した患者から取り出した生検を分析することによって評価することができる。

【0128】

ここで用いられているように、「イムノアドヘシン」という用語は、免疫グロブリン定常ドメインのエフェクター機能を持つ異種タンパク質（「アドヘシン」）の結合特異性を付与した抗体様分子を指す。構造的には、イムノアドヘシンは抗体の抗原認識及び結合部位以外の所望の結合特異性を持つアミノ酸配列（即ち「異種」）と免疫グロブリン定常ドメイン配列との融合物である。イムノアドヘシン分子のアドヘシン部分は、典型的には少なくともレセプター又はリガンドの結合部位を含む近接アミノ酸配列を含む。イムノアドヘシンの免疫グロブリン定常ドメイン配列は、I g G - 1、I g G - 2、I g G - 3、又は I g G - 4 サブタイプ、I g A（I g A - 1 及び I g A - 2 を含む）、I g E、I g D 又は I g M などの任意の免疫グロブリンから得ることができる。

10

【0129】

「標識」という語は、ここで用いられる場合、「標識化」抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子を作製するために、抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子に直接的又は間接的に結合させる検出可能な化合物又は組成物を意味する。標識はそれ自身によって検出可能でもよく（例えば、放射性同位体標識又は蛍光標識）、あるいは、酵素標識の場合には、検出可能な基質化合物又は組成物の化学的変換を触媒してもよい。

【0130】

ここで用いられる「細胞障害性剤」という用語は、細胞の機能を阻害又は阻止し及び/又は細胞破壊を生ずる物質を指す。この用語は、放射性同位体（例えば、 $At^{211}$ 、 $I^{131}$ 、 $I^{125}$ 、 $Y^{90}$ 、 $Re^{186}$ 、 $Re^{188}$ 、 $Sm^{153}$ 、 $Bi^{212}$ 、 $P^{32}$  及び  $Lu$  の放射性同位体）、化学治療薬、酵素及びその断片、例えば核酸分解酵素、抗生物質、及び毒素、例えばその断片及び/又は変異体を含む小分子毒素又は細菌、糸状菌、植物又は動物起源の酵素的に活性な毒素、そして下記に開示する種々の抗腫瘍又は抗癌剤を含むように意図されている。他の細胞障害性薬が下記に記載されている。殺腫瘍性剤は、腫瘍細胞の破壊を引き起こす。

20

【0131】

「化学療法剤」は、癌の治療に有用な化学的化合物である。化学療法剤の例には、チオテパ及びシクロスホスファミド(CYTOXAN(登録商標))のようなアルキル化剤；ブスルファン、インプロスルファン及びピボスルファンのようなスルホン酸アルキル類；ベンゾドーパ(benzodopa)、カルボコン、メツレドーパ(meturedopa)、及びウレドーパ(uredopa)のようなアジリジン類；アルトレートアミン(altretamine)、トリエチレンメラミン、トリエチレンホスホラミド、トリエチレンチオホスホラミド(triethylenethiophosphoramid)及びトリメチロロメラミン(trimethylolomelamine)を含むエチレンイミン類及びメチラメラミン類；アセトゲニン(acetogenins)（特にブラタシン(bullatacin)及びブラタシノン(bullatacinone)）；9-テトラヒドロカンナビノール(ドロナビノール、MARINOL(登録商標))；ラパコン；ラパコール；コルヒチン；ベツリン酸；カンプトセシン(合成類似体トポテカン(topotecan)(HYCAMTIN(登録商標))、CPT-11(イリノテカン、CAMPTOSAR(登録商標))、アセチルカンプトテシン(acetylcamptothecin)、スコボレクチン(scopolactin)、及び9-アミノカンプトテシン(9-aminocamptothecin)を含む)；プリオスタチン；カリスタチン(callystatin)；CC-1065(そのアドゼレシン(adozelesin)、カルゼレシン(carzelesin)及びバイゼレシン(bizelesin)合成類似体を含む)；ポドフィリン；ポドフィリン酸；テニポシド；クリプトフィシン(cryptophycin)(特にクリプトフィシン1及びクリプトフィシン8)；ドラスタチン(dolastatin)；デュオカルマイシン(duocarmycin)(合成類似体、KW-2189及びCB1-TM1を含む)；エレトロピン(eleutherobin)；パンクラチスタチン(pancratistatin)；サルコディクチン(sarcodictyin)；スポンジスタチン(spongistatin)；クロランブシル、クロルナファジン(chlornaphazine)、チョロホスファミド(cholophosphamide)、エストラムスチン、イホスファミド、メクロレタミン、メクロレタミンオキシドヒドロクロリド、メルファラン、ノベンピチン(novembichin)、

30

40

50

フェネステリン(phenesterine)、プレドニムスチン(prednimustine)、トロフォスファミド(trofosfamide)、ウラシルマスタード等のナイトロジェンマスタード；ニトロスレアス(nitrosureas)、例えばカルムスチン(carmustine)、クロロゾトシン(chlorozotocin)、フォテムスチン(fotemustine)、ロムスチン(lomustine)、ニムスチン、ラニムスチン；エネジイン(enediyne) 抗生物質等の抗生物質（例えば、カリケアマイシン(calicheamicin)、特にカリケアマイシガンマ 1 I 及びカリケアマイシンオメガ I 1、例えば、Agnew Chem Intl. Ed. Engl., 33 : 183-186(1994)を参照のこと；ダイネミシン A (dynemicin A) を含むダイネミシン(dynemicin)；エスペラマイシン(esperamicin)；同様にネオカルチノスタチン発光団及び関連色素蛋白エネジイン(enediyne) 抗生物質発光団)、アクラシノマイシン(aclacinomysins)、アクチノマイシン、オースラマイシン(authramycin)、アザセリン、ブレオマイシン(bleomycins)、カクチノマイシン(cactinomycin)、カラビシン(carabicin)、カルミノマイシン(carminomycin)、カルジノフィリン(carzinophilin)、クロモマイシン、ダクチノマイシン、ダウノルビシン、デトルビシン(detorubicin)、6-ジアゾ-5-オキソ-L-ノルロイシン、ADRIAMYCIN(登録商標)ドキシソルビシン(モルフォリノ-ドキシソルビシン、シアノモルフォリノ-ドキシソルビシン、2-ピロリノ-ドキシソルビシン及びデオキシドキシソルビシンを含む)、エシルビシン、エソルビシン(esorubicin)、イダルビシン、マセロマイシン(marcellomycin)、マイトマイシンCなどのマイトマイシン(mitomycins)、マイコフェノール酸(mycophenolic acid)、ノガラマイシン(nogalamycin)、オリボマイシン(olivomycins)、ペプロマイシン、ポトフィロマイシン(potfiromycin)、ピューロマイシン、クエラマイシン(quelamycin)、ロドルビシン(rodorubicin)、ストレプトニグリン、ストレプトゾシン、ツベルシジン(tubercidin)、ウベニメクス、ジノスタチン(zinostatin)、ゾルビシン(zorubicin)；メトトレキセート及び5-フルオロウラシル(5-FU)などの抗-代謝産物；デノプテリン(denopterin)、メトトレキセート、プテロプテリン(pteropterin)、トリメトトレキセート(trimetrexate)のような葉酸類似体；フルダラビン(fludarabine)、6-メルカプトプリン、チアミプリン、チオグアニンのようなプリン類似体；アンシタビン、アザシチジン(azacitidine)、6-アザウリジン(azauridine)、カルモフル、シタラビン、ジデオキシウリジン、ドキシフルリジン、エノシタビン(enocitabine)、フロキシウリジン(floxuridine)のようなピリミジン類似体；カルステロン(calusterone)、プロピオン酸ドロモスタノロン、エピチオスタノール、メピチオスタン、テストラクトン(testolactone)のようなアンドロゲン類；アミノグルテチミド、ミトタン、トリロスタンのような抗副腎剤；フロリン酸(frolinic acid)のような葉酸リプレニッシャー(replenisher)；アセグラトン；アルドホスファミドグリコシド；アミノレプリン酸；エニルウラシル(eniluracil)；アムサクリン(amsacrine)；ベストラブシル(estrabucil)；ピサントレン(bisantrene)；エダトラキセート(edatraxate)；デフォファミン(defofamine)；デメコルシン(demecolcine)；ジアジコン(diaziquone)；エルフォルニチン(elfornithine)；酢酸エリプチニウム(elliptinium acetate)；エポチロン(epothilone)；エトグルシド(etoglucid)；硝酸ガリウム；ヒドロキシ尿素；レンチナン；ロニダイニン(lonidainine)；メイタンシン(maytansine)及びアンサマイトシン(ansamitocin)のようなメイタンシノイド(maytansinoid)；ミトグアゾン(mitoguazone)；ミトキサントロン；モピダンモール(mopidanmol)；ニトラエリン(nitraerine)；ペントスタチン；フェナメット(phenamet)；ピラルビシン；ロソキサントロン(losoxantrone)；2-エチルヒドラジド；プロカルバジン；P S K(登録商標)多糖類複合体(JHS Natural Products, Eugene, OR)；ラゾキサン(razoxane)；リゾキシン(rhizoxin)；シゾフィラン；スピロゲルマニウム(spirogermanium)；テニューアゾン酸(tenuazonic acid)；トリアジコン(triaziquone)；2, 2', 2''-トリクロロトリエチルアミン；トリコテセン(trichothecenes)(特に、T-2トキシシン、ベラキュリン A (verracurin A)、ロリデン A (roridin A) 及びアングイデン(anguidine))；ウレタン；ピンデシン(ELDISINE(登録商標)、FILDESIN(登録商標))；ダカルバジン；マンノムスチン(mannomustine)；ミトブロニトール；ミトラクトール(mitolactol)；ピポプロマン(pipobroman)；ガシトシン(gacytosine)；アラビノシド(「Ara-C」)；チオテパ；タキソイド、例えばタキソール(登録商標)バクリタキセル、(Bristol-Myers

10

20

30

40

50

Squibb Oncology, Princeton, NJ)、ABRAXANE™ クレモフォル(Cremophor)を含まない、アルブミン設計のナノ粒子形状のパクリタキセル(American Pharmaceutical Partners, Schaumburg, Illinois)及びタキソテア(登録商標)ドキシタキセル、(Rhone-Poulenc Rorer, Antony, France)；クロランブシル；GEMZAR(登録商標)ゲンシタピン(gemcitabine)；6-チオグアニン；メルカプトプリン；メトトレキセート；シスプラチン及びカルボプラチンのようなプラチナ類似体；ピンラスチン(VELBAN(登録商標))；プラチナ；エトボシド(V P - 1 6 )；イホスファミド；ミトキサントロン；ピンクリスチン(ONCOVIN(登録商標))；オキサリプラチン；ロイコボリン；NAVELBINE(登録商標)ビノレルピン；ノバン トロン(novantrone)；エダトレキセート；ダウノマイシン；アミノプテリン；イバンドロ ナート(ibandronate)；トポイソメラーゼインヒビター R F S 2 0 0 0 ；ジフルオロメチ 10  
 ロールニチン(D M F O)；レチノイン酸などのレチノイド類；カペシタピン(capecitabin e)(XELODA(登録商標))；上述したものの製薬的に許容可能な塩類、酸類又は誘導体；並び に、上記のうちの2以上の組合せ、例えば、シクロホスファミド、ドキシソルピシン、ピン クリスチン及びプレドニソロンの併用治療の略記号であるCHOP、及び5-F Uとロイコボ リン(leucovovin)と組み合わせられるオキサリプラチン(ELOXATIN™)による治療投薬計画の 略記号であるFOLFOXが含まれる。

#### 【 0 1 3 2 】

また、癌の増殖を促進しうるホルモンの影響を調節、低減、阻止(ブロック)又は阻害す るように作用し、たびたび全身性、又は全身治療の形態にある抗ホルモン剤もこの定義に 含まれる。これらはホルモン類自体でもよい。例として、抗卵胞ホルモン類及び、選択的 20  
 なエストロゲンレセプターモジュレーター類(S E R M)、例えば、タモキシフェン(NOLVADE X(登録商標)タモキシフェン)、EVISTA(登録商標)ラロキシフェン、ドロロキシフェン(dro loxifene)、4-ヒドロキシタモキシフェン、トリオキシフェン(trioxifene)、ケオキシフ ェン(keoxifene)、LY117018、オナプリストン及びFARESTON(登録商標)トレミフェン、抗 プロゲステロン類、エストロゲンレセプター下方制御因子(E R D)、卵巣を抑制するか又 は一時停止させるように機能する薬剤、例えば、黄体形成ホルモン放出ホルモン(L H R H)アゴニスト、例えば、LUPRON(登録商標)及びELIGARD(登録商標)酢酸ロイプロリド、ゴ セレリンアセテート、プセレリンアセテート及びトリプトレリン(tripterelin)、他の抗 30  
 アンドロゲン類、例えばフルタミド、ニルタミド及びピカルタミド、及び、副腎のエスト ロゲン産生を制御する酵素アロマターゼを阻害するアロマターゼ阻害薬、例として、例え ば4(5)-イミダゾール、アミノグルテチミド、MEGASE(登録商標)メゲストロールアセテ ート、AROMASIN(登録商標)エキセメスタン、ホルメスタン、ファドロゾール、RIVISOR( 登録商標)ポロゾール、FEMARA(登録商標)レトロゾール及びARIMIDEX(登録商標)アナス トロゾールなどがある。加えて、化学療法剤のこのような定義には、ビスホスホネート、 40  
 例えばクロドロン酸(例えば、BONFOS(登録商標)又はOSTAC(登録商標))、DIDROCAL(登録 商標)エチドロン酸、NE-58095、ZOMETA(登録商標)ゾレドロン酸/ゾレドロネート、FOSA MAX(登録商標)アレンドロネート、AREDIA(登録商標)パミドロロン酸、SKELID(登録商標)チ ルドロロン酸又はACTONEL(登録商標)、リセドロロン酸、並びにトロキサチタピン(troxacitab ine)(1,3-ジオキサランヌクレオシドシトシン類似体)、アンチセンスオリゴヌクレオチド 40  
 、特に異常な細胞増殖に係るシグナル伝達経路の遺伝子の発現を阻害するもの、例と して、例えばP K C - 、R a f、H - R a s及び上皮性成長因子レセプター(E G F - R )、ワクチン、例えばTHERATOPE(登録商標)ワクチン及び遺伝子治療ワクチン、例えばALLOV ECTIN(登録商標)ワクチン、LEUVECTIN(登録商標)ワクチン及びVAXID(登録商標)ワクチン 、LURTOTECAN(登録商標)トポイソメラーゼ1インヒビター、ABARELIX(登録商標) r m R H、ラパチニブジトシラート(E r b B - 2及びE G F R二重チロシンキナーゼ小分子イン ヒビター、GW572016とも称される)、及び、上記の何れかの薬学的に受容可能な塩類、酸 又は誘導体が含まれる。

#### 【 0 1 3 3 】

ここで用いられる際の「増殖阻害剤」は、細胞、特にT A T発現癌細胞の増殖をインビ トロ又はインビボの何れかで阻害する化合物又は組成物を意味する。よって、増殖阻害剤 50

は、S期でTAT発現細胞の割合を有意に減少させるものである。増殖阻害剤の例は、細胞周期の進行を（S期以外の位置で）阻害する薬剤、例えばG1停止又はM期停止を誘発する薬剤を含む。古典的なM期ブロッカーは、ビンカス（ビンクリスチン及びビンブラスチン）、タキサン類、及びトポイソメラーゼII阻害剤、例えばドキソルビシン、エピルビシン、ダウノルビシン、エトポシド、及びブレオマイシンを含む。またG1停止させるこれらの薬剤は、S期停止にも波及し、例えば、DNAアルキル化剤、例えば、タモキシフェン、プレドニゾン、ダカルバジン、メクロレタミン、シスプラチン、メトトレキセート、5-フルオロウラシル、及びアラ-Cである。更なる情報は、The Molecular Basis of Cancer, Mendelsohn及びIsrael, 編, Chapter 1, 表題「Cell cycle regulation, oncogene, and antineoplastic drugs」, Murakami等, (WB Saunders: Philadelphia, 1995)、特に13頁に見出すことができる。タキサン類（パクリタキセル及びドセタキセル）は、共にイチイに由来する抗癌剤である。ヨーロッパイチイに由来するドセタキセル（TAXOTERE（登録商標）、ローン・プーラン ローラー）は、パクリタキセル（TAXOL（登録商標）、プリストル-マイヤー スクウィブ）の半合成類似体である。パクリタキセル及びドセタキセルは、チューブリン二量体から微小管の集合を促進し、細胞の有糸分裂を阻害する結果となる脱重合を防ぐことによって微小管を安定化にする。

10

20

30

40

50

## 【0134】

「ドキソルビシン」はアントラサイクリン抗生物質である。ドキソルビシンの完全な化学名は、(8S-シス)-10-[(3-アミノ-2,3,6-トリデオキシ-β-L-リキソ-ヘキサピラノシル)オキシ]-7,8,9,10-テトラヒドロ-6,8,11-トリヒドロキシ-8-(ヒドロキシアセチル)-1-メトキシ-5,12-ナフタセンジオンである。

## 【0135】

「サイトカイン」なる用語は、一つの細胞集団から放出され、他の細胞に細胞間メディエータとして作用するタンパク質の一般用語である。このようなサイトカインの例は、リンホカイン、モノカイン、及び伝統的なポリペプチドホルモンである。サイトカインに含まれるのは、成長ホルモン、例えばヒト成長ホルモン、N-メチオニルヒト成長ホルモン、及びウシ成長ホルモン；副甲状腺ホルモン；チロキシン；インシュリン；プロインシュリン；レラキシン；プロレラキシン；糖タンパク質ホルモン、例えば濾胞刺激ホルモン（FSH）、甲状腺刺激ホルモン（TSH）、及び黄体化ホルモン（LH）；肝臓成長因子；線維芽成長因子；プロラクチン；胎盤ラクトゲン；腫瘍壊死因子-及び-；ミューラー阻害因子；マウス生殖腺刺激ホルモン関連ペプチド；インヒビン；アクチビン；血管内皮成長因子；インテグリン；トロンプオエチン（TPO）；NGF-等の神経成長因子；血小板成長因子；TGF-及びTGF-等のトランスフォーミング成長因子（TGFs）；インシュリン様成長因子-I及びII；エリスロポエチン（EPO）；骨誘発因子；インターフェロン-、-、及び-等のインターフェロン；コロニー刺激因子（CSFs）、例えばマクロファージ-CSF（M-CSF）；顆粒球-マクロファージ-CSF（GM-CSF）；及び顆粒球-CSF（G-CSF）；インターロイキン（ILs）、例えばIL-1、IL-1a、IL-2、IL-3、IL-4、IL-5、IL-6、IL-7、IL-8、IL-9、IL-11、IL-12；腫瘍壊死因子、例えばTNF-及びTNF-；及びLIF及びキットリガンド（KL）を含む他のポリペプチド因子である。ここで用いられる際、用語サイトカインには、天然供給源から、又は組換え細胞培養からのタンパク質、及び天然配列サイトカインの生物学的に活性な等価物が含まれる。

## 【0136】

「パッケージ挿入物」という用語は、効能、用途、服用量、投与、配合禁忌及び/又はその治療薬の用途に関する警告についての情報を含む、治療薬の商業的包装を慣習的に含めた指示書を指す。

## 【0137】

II. 本発明の組成物及び方法

A. 抗TAT抗体

一実施態様では、本発明は、ここで治療及び/又は診断薬としての用途が見出され得る

抗 T A T 抗体を提供する。例示的な抗体には、ポリクローナル、モノクローナル、ヒト化、二重特異性及びヘテロコンジュゲート抗体が含まれる。

#### 1. ポリクローナル抗体

ポリクローナル抗体は、好ましくは、関連する抗原とアジュバントを複数回皮下(sc)又は腹腔内(ip)注射することにより、動物に産生される。それは、免疫化されるべき種において免疫原性であるタンパク質へ、関連する抗原(特に、合成ペプチドが用いられる場合)を結合させるために有用である。例えば、この抗原を、キーホールリンペットヘモシアニン(KLH)、血清アルブミン、ウシサイログロブリン、又は大豆トリブシンインヒビターへ、二重官能性又は誘導體形成剤、例えばマレイミドベンゾイルスルホスクシンイミドエステル(システイン残基を介する抱合)、N-ヒドロキシスクシンイミド(リジン残基を介する抱合)、グルタルアルデヒド、及び無水コハク酸、SOCl<sub>2</sub>、又はR及びR<sup>1</sup>が異なるアルキル基であるR<sup>1</sup>N=C=NRを用いて結合させることができる。

10

#### 【0138】

動物を、例えばタンパク質又はコンジュゲート100µg又は5µg(それぞれウサギ又はマウスの場合)を完全フロイントアジュバント3容量と併せ、この溶液を複数部位に皮内注射することによって、抗原、免疫原性コンジュゲート、又は誘導體に対して免疫する。1ヶ月後、該動物を、完全フロイントアジュバントに入れた初回量の1/5ないし1/10のペプチド又はコンジュゲートを用いて複数部位に皮下注射することにより、追加免疫する。7ないし14日後に動物を採血し、抗体価について血清を検定する。動物は、力価がプラトーに達するまで追加免疫する。コンジュゲートはまた、タンパク融合として組換え細胞培養中で調製することができる。また、ミョウバンのような凝集化剤が、免疫反応の増強のために好適に使用される。

20

#### 【0139】

#### 2. モノクローナル抗体

モノクローナル抗体は、Kohler等、Nature, 256:495 (1975)により最初に記載されたハイブリドーマ法、又は組換えDNA法(米国特許第4816567号)によって作成することができる。

#### 【0140】

ハイブリドーマ法においては、マウス又はその他の適当な宿主動物、例えばハムスターを上記のように免疫し、免疫化に用いられたタンパク質と特異的に結合する抗体を産生する、又は産生することのできるリンパ球を導き出す。別法として、リンパ球をインビトロで免疫することもできる。免疫化の後、リンパ球を単離し、ポリエチレングリコールのような適当な融合剤を用いて骨髓腫細胞と融合させ、ハイブリドーマ細胞を形成させる(Goding, Monoclonal Antibodies: Principles and Practice, 59-103頁(Academic Press, 1986))。

30

#### 【0141】

このようにして調製されたハイブリドーマ細胞を、融合していない親の骨髓腫細胞(融合のパートナーとも呼ばれる)の増殖又は生存を阻害する一又は複数の物質を好ましくは含む適当な培地に蒔き、増殖させる。例えば、親の骨髓腫細胞が酵素ヒポキサンチンデアミンホスホリボシルトランスフェラーゼ(HGPRT又はHPRRT)を欠失するならば、ハイブリドーマのための培地は、典型的には、HGPRT-欠失細胞の増殖を妨げる物質であるヒポキサンチン、アミノプテリン、及びチミジンを含むであろう(HAT培地)。

40

#### 【0142】

好ましい融合のパートナーである骨髓腫細胞は、効率的に融合し、選択された抗体産生細胞による抗体の安定な高レベルの発現を支援し、融合しない親細胞に対して選択する選択培地に対して感受性である細胞である。これらの中でも、好ましい骨髓腫株化細胞は、マウス骨髓腫ライン、例えば、ソーク・インスティテュート・セル・ディストリビューション・センター、サンディエゴ、カリフォルニア、USAより入手し得るMOPC-21及びMPC-11マウス腫瘍、及び、アメリカン・タイプ・カルチャー・コレクション、マナッサス、バージニア、USAより入手し得るSP-2又はX63-Ag8-653細胞

50

から誘導されるものである。ヒト骨髓腫及びマウス - ヒトヘテロ骨髓腫株化細胞もまたヒトモノクローナル抗体の産生のために開示されている (Kozbor, J. Immunol., 133:3001 (1984); Brodeur 等, Monoclonal Antibody Production Techniques and Applications, 51-63頁, (Marcel Dekker, Inc., New York, 1987))。

【0143】

ハイブリドーマ細胞が生育している培地を、抗原に対するモノクローナル抗体の産生について検定する。好ましくは、ハイブリドーマ細胞により産生されるモノクローナル抗体の結合特異性は、免疫沈降又はインビトロ結合検定、例えばラジオイムノアッセイ (RIA) 又は酵素結合免疫吸着検定 (ELISA) によって測定する。

【0144】

例えば、モノクローナル抗体の結合親和性は、Munson 等, Anal. Biochem., 107:220(1980) のスカッチャード分析によって測定することができる。

【0145】

所望の特異性、親和性、及び/又は活性の抗体を産生するハイブリドーマ細胞が確定された後、そのクローンを限界希釈法によりサブクローニングし、標準的な方法により増殖させることができる (Goding, Monoclonal Antibodies: Principles and Practice, 59-103頁 (Academic Press, 1986))。この目的に対して好適な培地は、例えば、D-MEM 又は RPMI-1640 培地を包含する。また、このハイブリドーマ細胞は、動物の腹水症腫瘍として、例えばマウスへの細胞の腹腔内注射によって、インビボで増殖させることができる。

【0146】

サブクローンにより分泌されたモノクローナル抗体は、例えばアフィニティークロマトグラフィー (例えばプロテイン A 又はプロテイン G-セファロースを用いる) 又はイオン交換クロマトグラフィー、ヒドロキシアパタイトクロマトグラフィー、ゲル電気泳動、透析等のような常套的な抗体精製法によって、培地、腹水、又は血清から上手く分離される。

【0147】

モノクローナル抗体をコードする DNA は、常法を用いて (例えば、マウス抗体の重鎖及び軽鎖をコードしている遺伝子に特異的に結合できるオリゴヌクレオチドプローブを用いることにより) 即座に分離されて、配列決定される。ハイブリドーマ細胞は、このような DNA の好ましい供給源となる。ひとたび分離されたならば、DNA を発現ベクター中に入れ、次いでこれを、この状況以外では抗体タンパク質を産生しない大腸菌細胞、サル COS 細胞、チャイニーズハムスター卵巣 (CHO) 細胞、又は骨髓腫細胞のような宿主細胞中に形質移入し、組換え宿主細胞におけるモノクローナル抗体の合成を獲得することができる。抗体をコードする DNA の細菌での組み換え発現に関する概説論文には、Skerra 等, Curr. Opinion in Immunol., 5:256-262(1993) 及び Pluckthun, Immunol. Revs. 130:151-188(1992) が含まれる。

【0148】

更なる実施態様では、抗体又は抗体断片は、McCafferty 等, Nature, 348:552-554 (1990) に記載された技術を使用して産生される抗体ファージライブラリーから分離することができる。Clackson 等, Nature, 352:624-628 (1991) 及び Marks 等, J. Mol. Biol., 222:581-597 (1991) は、ファージライブラリーを使用したマウス及びヒト抗体の分離を記述している。続く刊行物は、鎖シャフリングによる高親和性 (nM 範囲) のヒト抗体の生成 (Marks 等, Bio/Technology, 10:779-783[1992])、並びに非常に大きなファージライブラリーを構築するための方策としてコンビナトリアル感染とインビボ組換え (Waterhouse 等, Nuc. Acids. Res., 21:2265-2266[1993]) を記述している。従って、これらの技術はモノクローナル抗体の分離に対する伝統的なモノクローナル抗体ハイブリドーマ法に対する実行可能な別法である。

【0149】

抗体をコードする DNA は、例えば、ヒト重鎖及び軽鎖定常ドメイン (C<sub>H</sub> 及び C<sub>L</sub>)

10

20

30

40

50

の配列を、相同的マウス配列に代えて置換することによって(米国特許第4816567号; Morrison等, Proc.Nat.Acad.Sci., USA, 81:6851(1984))、又は免疫グロブリンコード配列に非免疫グロブリンポリペプチド(異種ポリペプチド)のコード配列の全部又は一部を共有結合させることによって修飾してキメラ又は融合抗体ポリペプチドを生成することができる。非免疫グロブリンポリペプチド配列は、抗体の定常ドメインと置き代わることができるか、又は抗体の1つの抗原結合部位の可変ドメインが置換されて、抗原に対する特異性を有する1つの抗原結合部位と異なる抗原に対する特異性を有するもう一つの抗原結合部位とを含むキメラ二価抗体を作り出す。

#### 【0150】

##### 3. ヒト及びヒト化抗体

本発明の抗-TAT抗体は、さらにヒト化抗体又はヒト抗体を含む。非ヒト(例えばマウス)抗体のヒト化形とは、キメラ免疫グロブリン、免疫グロブリン鎖又はその断片(例えばFv、Fab、Fab'、F(ab')<sub>2</sub>あるいは抗体の他の抗原結合サブ配列)であって、非ヒト免疫グロブリンに由来する最小配列を含むものである。ヒト化抗体は、レシピエントの相補性決定領域(CDR)の残基が、マウス、ラット又はウサギのような所望の特異性、親和性及び能力を有する非ヒト種(ドナー抗体)のCDRの残基によって置換されたヒト免疫グロブリン(レシピエント抗体)を含む。幾つかの例では、ヒト免疫グロブリンのFvフレームワーク残基は、対応する非ヒト残基によって置換されている。また、ヒト化抗体は、レシピエント抗体にも、移入されたCDRもしくはフレームワーク配列にも見出されない残基を含んでいてもよい。一般的に、ヒト化抗体は、全て又はほとんど全てのCDR領域が非ヒト免疫グロブリンのものに一致し、全て又はほとんど全てのFR領域がヒト免疫グロブリンのコンセンサス配列である、少なくとも1つ、典型的には2つの可変ドメインの実質的に全てを含む。ヒト化抗体は、最適には免疫グロブリン定常領域(Fc)、典型的にはヒトの免疫グロブリンの定常領域の少なくとも一部を含む [ Jones等, Nature, 321:522-525 (1986); Riechmann等, Nature, 332:323-329 (1988); 及びPresta, Curr. Op Struct. Biol., 2:593-596 (1992) ]。

#### 【0151】

非ヒト抗体をヒト化する方法はこの分野でよく知られている。一般的に、ヒト化抗体には非ヒト由来の一又は複数のアミノ酸残基が導入される。これら非ヒトアミノ酸残基は、しばしば、典型的には「移入」可変ドメインから得られる「移入」残基と称される。ヒト化は基本的にウィンター(Winter)及び共同研究者 [ Jones等, Nature, 321:522-525 (1986); Riechmann等, Nature, 332:323-327 (1988); Verhoeyen等, Science, 239:1534-1536 (1988) ] の方法に従って、齧歯類CDR又はCDR配列をヒト抗体の対応する配列に置換することにより実施される。よって、このような「ヒト化」抗体は、無傷のヒト可変ドメインより実質的に少ない分が非ヒト種由来の対応する配列で置換されたキメラ抗体(米国特許第4816567号)である。実際には、ヒト化抗体は典型的には幾つかのCDR残基及び場合によっては幾つかのFR残基が齧歯類抗体の類似する部位からの残基によって置換されたヒト抗体である。

#### 【0152】

抗体がヒトの治療用途を意図している場合、抗原性及びHAM A反応(ヒト抗-マウス抗体)を低減するには、ヒト化抗体を生成する際に使用するヒトの軽重両方のヒト可変ドメインの選択が非常に重要である。いわゆる「ベストフィット法」では、齧歯動物抗体の可変ドメインの配列を、既知のヒト可変ドメイン配列のライブラリー全体に対してスクリーニングする。次に齧歯動物のものと同様に最も近いヒトVドメイン配列を同定し、その中のヒトフレームワーク(FR)をヒト化抗体のために受け入れる(Sims等, J. Immunol., 151:2296 (1993); Chothia等, J. Mol. Biol., 196:901(1987))。他の方法では、軽又は重鎖の特定のサブグループのヒト抗体全てのコンセンサス配列から誘導される特定のフレームワーク領域を使用する。同じフレームワークをいくつかの異なるヒト化抗体に使用できる(Carter等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 89:4285 (1992); Presta等, J. Immunol., 151:2623(1993))。

10

20

30

40

50

## 【0153】

更に、抗体を、抗原に対する高結合親和性や他の好ましい生物学的性質を保持してヒト化することが重要である。この目標を達成するべく、好ましい方法では、親及びヒト化配列の三次元モデルを使用して、親配列及び様々な概念的ヒト化産物の分析工程を経てヒト化抗体を調製する。三次元免疫グロブリンモデルは一般的に入手可能であり、当業者にはよく知られている。選択された候補免疫グロブリン配列の推測三次元立体配座構造を図解し、表示するコンピュータプログラムは購入可能である。これら表示を見ることで、候補免疫グロブリン配列の機能における残基のありそうな役割の分析、すなわち候補免疫グロブリンの抗原との結合能力に影響を及ぼす残基の分析が可能になる。このようにして、例えば標的抗原に対する親和性が高まるといった、望ましい抗体特性が達成されるように、FR残基をレシピエント及び移入配列から選択し、組み合わせることができる。一般的に、高頻度可変領域残基は、直接かつ最も実質的に抗原結合性に影響を及ぼしている。

10

## 【0154】

ヒト化抗TAT抗体の種々の形態が考えられる。例えばヒト化抗体は、免疫結合体を生成するために、状況に応じて一又は複数の細胞傷害剤(類)と結合していてもよい抗体断片、例えばFabであってもよい。また、ヒト化抗体は無傷抗体、例えば無傷IgG1抗体であってもよい。

## 【0155】

ヒト化の別法として、ヒト抗体を生成することができる。例えば、現在では、免疫化することで、内因性免疫グロブリンの産生がなく、ヒト抗体の全レパートリーを産生することのできるトランスジェニック動物(例えば、マウス)を作ることが可能である。例えば、キメラ及び生殖細胞系突然変異体マウスにおける抗体重鎖結合領域( $J_H$ )遺伝子のホモ接合体欠失によって、結果として内因性抗体産生の完全な阻害が起こることが説明されてきた。ヒト生殖系列免疫グロブリン遺伝子配列の、このような生殖細胞系突然変異体マウスへの転移によって、結果として抗原投与時にヒト抗体の産生がおこる。Jakobovits等, Proc.Natl.Acad.Sci.USA, 90:2551 (1993); Jakobovits等, Nature 362:255-258 (1993); Bruggeman等, Year in Immuno., 7:33 (1993); 米国特許第5545806号、同5569825号、同5591669号(全てジェンファーム(GenPharm)); 同5545807号; 及び国際公開第97/17852号を参照されたい。

20

## 【0156】

別法として、ファージディスプレイ技術(McCafferty等, Nature 348:552-553[1990])を使用して、非免疫化ドナーの免疫グロブリン可変(V)ドメイン遺伝子レパートリーから、インビトロでヒト抗体及び抗体断片を産出させることができる。この技術によれば、抗体Vドメイン遺伝子を、フレーム単位で、繊維状バクテリオファージ、例えばM13又はfdの大きい又は小さいコートタンパク質遺伝子のどちらかでクローンし、ファージ粒子の表面で機能的抗体断片として表示させる。繊維状粒子がファージゲノムの一本鎖DNAコピーを含むので、抗体の機能特性に基づいた選択に基づいても、結果としてこれらの特性を示す抗体をコードする遺伝子の選択が成される。よって、このファージはB細胞のいくつかの特性を模倣している。ファージディスプレイは多様な形式で行うことができる; 例えばJohnson, Kevin S. 及びChiswell, David J., Current Opinion in Structural Biology 3:564-571(1993)を参照せよ。V-遺伝子セグメントのいくつかの供給源を、ファージディスプレイのために使用できる。Clackson等, Nature, 352:624-628(1991)は、免疫化したマウス脾臓由来のV遺伝子の小さいランダムなコンビナトリアルライブラリーから、多様で多くの抗-オキサゾロン抗体を単離した。非免疫化ヒトドナーのV遺伝子のレパートリーが構成可能であり、多様で多くの抗原(自己抗原を含む)に対する抗体は、Marks等, J. Mol. Biol. 222:581-597(1991)、又はGriffith等, EMBO J. 12:725-734(1993)に記載の技術にそのまま従うことで単離することができる。また、米国特許第5565332号及び同5573905号を参照のこと。

30

40

## 【0157】

上述したように、ヒト抗体はインビトロで活性化したB細胞により産生することができ

50

る(米国特許第5567610号及び同5229275号)。

【0158】

4. 抗体断片

ある状況下では、抗体全体よりも、抗体断片を用いることに利点がある。より小さな大きさの断片によって迅速なクリアランスが可能となり、固形腫瘍への接近の改良につながり得る。

【0159】

抗体断片を産生するために様々な技術が開発されている。伝統的には、これらの断片は、無傷の抗体のタンパク分解性消化によって誘導された(例えば、Morimoto等, *Journal of Biochemical and Biophysical Methods* 24:107-117 (1992)及びBrennan等, *Science*, 229:81(1985)を参照されたい)。しかし、これらの断片は、現在は組換え宿主細胞により直接産生することができる。Fab、Fv及びScFv抗体断片は、すべて大腸菌で発現させ分泌させることができ、従って、大量のこれら断片の産生が容易となった。抗体断片は、上で論じた抗体ファージライブラリーから単離することができる。別法として、Fab'-SH断片は大腸菌から直接回収することができ、化学的に結合させてF(ab')<sub>2</sub>断片を形成することができる(Carter等, *Bio/Technology* 10:163-167(1992))。他のアプローチ法では、F(ab')<sub>2</sub>断片を組換え宿主細胞培養から直接分離することができる。インビボ半減期が増した、サルベージレセプター結合性エピトープ残基を含むFab及びF(ab')<sub>2</sub>が、米国特許第5869046号に記載されている。抗体断片を生成するための他の方法は、当業者には明らかであろう。他の実施態様では、選択する抗体は単鎖Fv断片(s c F v)である。国際公開93/16185号；米国特許第5571894号；及び米国特許第5587458号を参照のこと。Fv及びs F vは、定常領域を欠く無傷の連結部位を有する唯一の種である；従って、インビボで使用している間の減少した非特異的結合に適している。s F v融合タンパク質は、s F vのアミノ又はカルボキシ末端のどちらかで、エフェクタータンパク質の融合体が生成されるように構成されてもよい。上掲のAntibody Engineering, Borrebaeck編を参照のこと。また、抗体断片は、例えば米国特許第5641870号に記載されているような「直鎖状抗体」であってもよい。そのような直鎖状抗体断片は単一特異性又は二重特異性であってもよい。

【0160】

5. 二重特異性抗体

二重特異性抗体は、少なくとも2つの異なるエピトープに対して結合特異性を有する抗体である。例示的な二重特異性抗体は、TATタンパク質の2つの異なるエピトープに結合しうる。他のこのような抗体では他のタンパク質に対する結合部位とTAT結合部位とが結合しうる。あるいは、抗TATアームは、TAT-発現細胞に細胞防御メカニズムを集中させ局在させるように、FcRI(CD64)、FcRII(CD32)及びFcRIII(CD16)等のIgG(FcR)に対するFcレセプター、又はT細胞レセプター分子(例えばCD3)等の白血球上のトリガー分子に結合するアームと結合しうる。また、二重特異性抗体はTATを発現する細胞に細胞障害性剤を局在化するためにも使用されうる。これらの抗体はTAT結合アーム及び細胞障害性剤(例えば、サポリン(saporin)、抗インターフェロン- $\gamma$ 、ピンカアルカロイド、リシンA鎖、メトトレキセート又は放射性同位体ハプテン)と結合するアームを有する。二重特異性抗体は完全長抗体又は抗体断片(例えばF(ab')<sub>2</sub>二重特異性抗体)として調製することができる。

【0161】

国際公開第96/16673号には、二重特異性抗-ErbB2/抗-FcRIII抗体が記載されており、米国特許第5837234号には、二重特異性抗-ErbB2/抗-FcRI抗体が開示されている。二重特異性抗-ErbB2/Fc抗体は国際公開第98/02463号に示されている。米国特許第5821337号は、二重特異性抗-ErbB2/抗-CD3抗体を教示するものである。

【0162】

二重特異性抗体を作成する方法は当該分野において既知である。完全長二重特異性抗体

の伝統的な産生は二つの免疫グロブリン重鎖-軽鎖対の同時発現に基づき、ここで二つの鎖は異なる特異性を持っている(Millstein等, Nature, 305:537-539(1983))。免疫グロブリン重鎖及び軽鎖が無作為に取り揃えられているため、これらのハイブリドーマ(四部雑種)は10個の異なる抗体分子の可能性ある混合物を産生し、そのうちただ一つが正しい二重特異性構造を有する。通常、アフィニティークロマトグラフィー工程により行われる正しい分子の精製は、かなり煩わしく、生成物収率は低い。同様の方法が国際公開第93/08829号及びTraunecker等、EMBO J. 10:3655-3659(1991)に開示されている。

#### 【0163】

異なったアプローチ法では、所望の結合特異性を有する抗体可変ドメイン(抗原-抗体結合部位)を免疫グロブリン定常ドメイン配列と融合させる。該融合は好ましくは、少なくともヒンジの一部、 $C_H2$ 及び $C_H3$ 領域を含むIg重鎖定常ドメインである。軽鎖の結合に必要な部位を含む第一の重鎖定常領域( $C_H1$ )を、融合の少なくとも一つに存在させることが望ましい。免疫グロブリン重鎖の融合、望まれるならば免疫グロブリン軽鎖をコードしているDNAを、別個の発現ベクター中に挿入し、適当な宿主生物に同時トランスフェクトする。これにより、組立に使用される三つのポリペプチド鎖の等しくない比率が所望の二重特異性抗体の最適な収率をもたらす態様において、三つのポリペプチド断片の相互の割合の調節に大きな融通性が与えられる。しかし、少なくとも二つのポリペプチド鎖の等しい比率での発現が高収率をもたらすとき、又はその比率が所望の鎖の結合にあまり影響がないときは、2又は3個全てのポリペプチド鎖のためのコード化配列を一つの発現ベクターに挿入することが可能である。

10

20

#### 【0164】

この手法の好ましい実施態様では、二重特異性抗体は、第一の結合特異性を有する一方のアームのハイブリッド免疫グロブリン重鎖と他方のアームのハイブリッド免疫グロブリン重鎖-軽鎖対(第二の結合特異性を提供する)とからなる。二重特異性分子の半分にしか免疫グロブリン軽鎖がないと容易な分離法が提供されるため、この非対称的構造は、所望の二重特異性化合物を不要な免疫グロブリン鎖の組み合わせから分離することを容易にすることが分かった。このアプローチ法は、国際公開第94/04690号に開示されている。二重特異性抗体を産生する更なる詳細については、例えばSuresh等, Methods in Enzymology, 1-7:210 (1986)を参照されたい。

30

#### 【0165】

米国特許第5731168号に記載された他の手法によれば、一对の抗体分子間の界面を操作して組換え細胞培養から回収されるヘテロダイマーのパーセントを最大にすることができる。好適な界面は $C_H3$ ドメインの少なくとも一部を含む。この方法では、第1抗体分子の界面からの一又は複数の小さいアミノ酸側鎖がより大きな側鎖(例えばチロシン又はトリプトファン)と置き換えられる。大きな側鎖と同じ又は類似のサイズの相補的「キャビティ」を、大きなアミノ酸側鎖を小さいもの(例えばアラニン又はスレオニン)と置き換えることにより第2の抗体分子の界面に作り出す。これにより、ホモダイマーのような不要の他の最終産物に対してヘテロダイマーの収量を増大させるメカニズムが提供される。

40

#### 【0166】

二重特異性抗体は、架橋した又は「ヘテロコンジュゲート」抗体もまた含む。例えば、ヘテロコンジュゲートの抗体の一方はアビジンに結合され、他方はビオチンに結合される。そのような抗体は、例えば、不要の細胞に対する免疫系細胞をターゲティングするため(米国特許第4676980号)、及びHIV感染の治療のために提案された(国際公開第91/00360号、同92/200373号、及び欧州特許第03089号)。ヘテロコンジュゲート抗体は、あらゆる簡便な架橋法を用いて作製することができる。好適な架橋剤は当該分野において良く知られており、幾つかの架橋技術と共に米国特許第4676980号に開示されている。

#### 【0167】

抗体断片から二重特異性抗体を産生する技術もまた文献に記載されている。例えば、化

50

学結合を使用して二重特異性抗体を調製することができる。Brennan等, Science, 229:81 (1985)は無傷の抗体をタンパク分解性に切断してF(a b')<sub>2</sub>断片を産生する手順を記述している。これらの断片は、ジチオール錯体形成剤、亜硫酸ナトリウムの存在下で還元して近接ジチオールを安定化させ、分子間ジスルフィド形成を防止する。産生されたF a b'断片は次いでチオニトロベンゾアート(TNB)誘導体に変換される。F a b'-TNB誘導体の一つを次いでメルカプトエチルアミンでの還元によりF a b'-チオールに再変換し、他のF a b'-TNB誘導体の等モル量と混合して二重特異性抗体を形成する。作られた二重特異性抗体は酵素の選択的固定化用の薬剤として使用することができる。

#### 【0168】

最近の進歩により、大腸菌からのF a b'-S H断片の直接の回収が容易になり、これは化学的に結合して二重特異性抗体を形成することができる。Shalaby等, J. Exp. Med., 175: 217-225 (1992)は完全にヒト化された二重特異性抗体F(a b')<sub>2</sub>分子の製造を記述している。各F a b'断片は大腸菌から別個に分泌され、インビトロで定方向化学共役を受けて二重特異性抗体を形成する。このようにして形成された二重特異性抗体は、正常なヒトT細胞、及びE r b B 2レセプターを過剰発現する細胞に結合可能で、ヒト乳房腫瘍標的に対するヒト細胞障害性リンパ球の細胞溶解活性の誘因となる。

#### 【0169】

組換え細胞培養から直接的に二重特異性抗体断片を作成し分離する様々な技術もまた記述されている。例えば、二重特異性抗体はロイシンジッパーを使用して生成されている。Kostelny等, J. Immunol. 148(5):1547-1553 (1992)。F o s及びJ u nタンパク質からのロイシンジッパーペプチドを遺伝子融合により二つの異なる抗体のF a b'部分に結合させる。抗体ホモダイマーをヒンジ領域で還元してモノマーを形成し、次いで再酸化して抗体ヘテロダイマーを形成する。この方法はまた抗体ホモダイマーの生成に対して使用することができる。Hollinger等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 90:6444-6448 (1993)により記述された「ダイアボディ」技術は二重特異性抗体断片を作成する別のメカニズムを提供した。断片は、同一鎖上の2つのドメイン間の対形成を可能にするには十分に短いリンカーによりV<sub>L</sub>にV<sub>H</sub>を結合してなる。従って、一つの断片のV<sub>H</sub>及びV<sub>L</sub>ドメインは他の断片の相補的V<sub>L</sub>及びV<sub>H</sub>ドメインと強制的に対形成させられ、よって2つの抗原結合部位を形成する。単鎖F v(s F v)ダイマーの使用により二重特異性抗体断片を製造する他の方策もまた報告されている。Gruber等, J. Immunol. 152:5368 (1994)を参照されたい。

#### 【0170】

二価より多い抗体も考えられる。例えば、三重特異性抗体を調製することができる。Tutt等 J. Immunol. 147:60(1991)。

#### 【0171】

##### 6. ヘテロコンジュゲート抗体

ヘテロコンジュゲート抗体もまた本発明の範囲に入る。ヘテロコンジュゲート抗体は、2つの共有結合した抗体からなる。このような抗体は、例えば、免疫系細胞を不要な細胞に対してターゲティングさせるため[米国特許第4676980号]及びHIV感染の治療のために[国際公開第91/00360; 国際公開第92/200373; 欧州特許第03089号]提案されている。この抗体は、架橋剤に関連したものを含む合成タンパク化学における既知の方法を使用して、インビトロで調製できると考えられる。例えば、ジスルフィド交換反応を使用するか又はチオエーテル結合を形成することによって、免疫毒素を作成することができる。この目的に対して好適な試薬の例には、イミノチオレート及びメチル-4-メルカプトブチルイミダート、及び例えば米国特許第4676980号に開示されたものが含まれる。

#### 【0172】

##### 7. 多価抗体

多価抗体は、抗体が結合する抗原を発現する細胞により、二価抗体よりも早くインターナリゼーション(及び/又は異化)されうる。本発明の抗体は、3又はそれ以上の結合部位を有する多価抗体(I g Mクラス以外のもの)であり得(例えば四価抗体)、抗体のポリペプ

10

20

30

40

50

チド鎖をコードする核酸の組換え発現により容易に生成することができる。多価抗体は二量体ドメインと3又はそれ以上の抗原結合部位を有する。好ましい二量体ドメインはFc領域又はヒンジ領域を有する(又はそれらからなる)。このシナリオにおいて、抗体はFc領域と、Fc領域のアミノ末端に3又はそれ以上の抗原結合部位を有しているであろう。ここで、好ましい多価抗体は3ないし8、好ましくは4の抗原結合部位を有する(又はそれらからなる)。多価抗体は少なくとも1つのポリペプチド鎖(好ましくは2つのポリペプチド鎖)を有し、ポリペプチド鎖(類)は2又はそれ以上の可変ドメインを有する。例えば、ポリペプチド鎖(類)はVD1-(X1)<sub>n</sub>-VD2-(X2)<sub>n</sub>-Fcを有し、ここでVD1は第1の可変ドメインであり、VD2は第2の可変ドメインであり、FcはFc領域のポリペプチド鎖の一つであり、X1及びX2はアミノ酸又はポリペプチドを表し、nは0又は1である。例えば、ポリペプチド鎖(類)は：VH-CH1-柔軟なリンカー-VH-CH1-Fc領域鎖；又はVH-CH1-VH-CH1-Fc領域鎖を有し得る。ここで多価抗体は、好ましくは少なくとも2つ(好ましくは4つ)の軽鎖可変ドメインポリペプチドをさらに有する。ここで多価抗体は、例えば約2～約8の軽鎖可変ドメインポリペプチドを有する。ここで考察される軽鎖可変ドメインポリペプチドは軽鎖可変ドメインを有し、場合によってはCLドメインを更に有する。

10

### 【0173】

#### 8. エフェクター機能の加工

本発明の抗体をエフェクター機能について改変し、例えば抗体の抗原-依存細胞媒介細胞障害性(ADCC)及び/又は補体依存細胞障害性(CDC)を向上させることは望ましい。これは、抗体のFc領域で一又は複数のアミノ酸置換を誘導することによりなされる。あるいは又はさらに、システイン残基をFc領域に導入し、それにより、この領域に鎖間ジスルフィド結合を形成するようにしてもよい。そのようにして生成された同種二量体抗体は、向上したインターナリゼーション能力及び/又は増加した補体媒介細胞殺傷及び抗体-依存細胞性細胞障害性(ADCC)を有する可能性がある。Caron等, J. Exp. Med. 176: 1191-1195 (1992)及びShopes, B. J. Immunol. 148: 2918-2922 (1992)参照。また、向上した抗腫瘍活性を持つ同種二量体抗体は、Wolff等, Cancer Research 53: 2560-2565 (1993)に記載されている異種二官能性架橋を用いて調製することができる。あるいは、抗体は、2つのFc領域を有するように加工して、それにより補体溶解及びADCC能力を向上させることもできる。Stevenson等, Anti-Cancer Drug Design 3: 219-230 (1989)参照。抗体の血清半減期を増大させるために、例えば米国特許第5739277号に記載のように、抗体(特に抗体断片)へサルベージレセプター結合エピトープを導入してもよい。ここで使用される場合の「サルベージレセプター結合エピトープ」なる用語は、IgG分子のインビボ血清半減期を増加させる原因であるIgG分子(例えば、IgG<sub>1</sub>、IgG<sub>2</sub>、IgG<sub>3</sub>又はIgG<sub>4</sub>)のFc領域のエピトープを意味する。

20

30

### 【0174】

#### 9. 免疫複合体

また、本発明は、化学治療薬、増殖阻害剤、毒素(例えば、細菌、真菌、植物又は動物由来の酵素活性毒素、又はその断片)などの細胞障害性剤、あるいは放射性同位体(即ち、放射性コンジュゲート)と抱合している抗体を含む免疫複合体に関する。

40

### 【0175】

このような免疫複合体の生成に有用な化学治療薬を上に記載した。用いることのできる酵素活性毒素及びその断片には、ジフテリアA鎖、ジフテリア毒素の非結合活性断片、(緑膿菌からの)外毒素A鎖、リシンA鎖、アブリンA鎖、モデクシン(modeccin)A鎖、アルファ-サルシン、アレウリテス・フォーディ(Aleurites fordii)タンパク質、ジアンチン(dianthin)タンパク質、フィトラカ・アメリカーナ(Phytolaca americana)タンパク質(PAPI、PAPII、及びPAP-S)、モモルディカ・チャランチア(momordica charantia)インヒビター、クルシン(curcun)、クロチン(crotin)、サバオナリア・オフィシナリス(sapao naria officinalis)インヒビター、ゲロニン(gelonin)、ミトゲリン(mitogellin)、レストリクトシン(restrictocin)、フェノマイシン(phenomycin)、エノマイシン(enomycin)及

50

びトリコセセン(tricothecene)が含まれる。放射性コンジュゲート抗体の生成には、様々な放射性ヌクレオチドが利用可能である。例としては、 $^{212}\text{Bi}$ 、 $^{131}\text{I}$ 、 $^{131}\text{In}$ 、 $^{90}\text{Y}$ 及び $^{186}\text{Re}$ が含まれる。抗体及び細胞障害性薬の複合体は、種々の二官能性タンパク質カップリング剤、例えば、N-スクシンイミジル-3-(2-ピリジルジチオール)プロピオナート(SPD P)、イミノチオラン(IT)、イミドエステルの二官能性誘導体(ジメチルアジピミデートHCL等)、活性エステル(ジスクシンイミジルスベレート等)、アルデヒド(グルタルアルデヒド等)、ビス-アジド化合物(ビス(p-アジドベンゾイル)ヘキサンジアミン等)、ビス-ジアゾニウム誘導体(ビス-(p-ジアゾニウムベンゾイル)-エチレンジアミン等)、ジイソシアネート(トリエン2,6-ジイソシアネート等)、及びビス-活性フッ素化合物(1,5-ジフルオロ-2,4-ジニトロベンゼン等)を用いて作成できる。例えば、リシン免疫毒素は、Vitetta等, Science 238: 1098 (1987)に記載されているように調製することができる。カーボン-14-標識1-イソチオシアナトベンジル-3-メチルジエチレントリアミン五酢酸(MX-DTPA)は、放射性ヌクレオチドの抗体への抱合のためのキレート剤の例である。国際公開94/11026参照。

10

#### 【0176】

抗体のコンジュゲートと一又は複数の小分子毒素、例えばカリケアマイシン、メイタンシノイド、トリコセセン(trichothene)及びCC1065、及び毒性活性を有するこれらの毒素の誘導体が、ここで考察される。

#### 【0177】

メイタンシン及びメイタンシノイド

好ましい一実施態様では、本発明の抗TAT抗体(完全長又は断片)は一又は複数のメイタンシノイド分子と結合している。

20

#### 【0178】

メイタンシノイドは、チューブリン重合を阻害するように作用する分裂阻害剤である。メイタンシンは、最初、東アフリカシラブMaytenus serrataから単離されたものである(米国特許第3896111号)。その後、ある種の微生物がメイタンシノイド類、例えばメイタンシノール及びC-3メイタンシノールエステルを生成することが発見された(米国特許第4151042号)。合成メイタンシノール及びその誘導体及び類似体は、例えば米国特許第4137230号;同4248870号;同4256746号;同4260608号;同4265814号;同4294757号;同4307016号;同4308268号;同4308269号;同4309428号;同4313946号;同4315929号;同4317821号;同4322348号;同4331598号;同4361650号;同4364866号;同4424219号;同4450254号;同4362663号;及び同4371533号に開示されており、その開示は出典を明示してここに取り込まれる。

30

#### 【0179】

メイタンシノイド - 抗体コンジュゲート

治療指標を改善する試みにおいて、メイタンシン及びメイタンシノイドは、腫瘍細胞抗原に特異的に結合する抗体と結合している。メイタンシノイドを含有する免疫コンジュゲート及びそれらの治療用途は、例えば米国特許第5208020号、同5416064号、欧州特許第0425235B1号に開示されており、その開示は出典を明示してここに取り込まれる。Liu等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 93: 8618-8623(1996)には、ヒト結腸直腸癌に対するモノクローナル抗体C242に結合するDM1と命名されたメイタンシノイドを含有する免疫コンジュゲートが記載されている。前記コンジュゲートは培養された結腸癌細胞に対して高い細胞障害性を有することが見出されており、インビボ腫瘍増殖アッセイにおいて抗腫瘍活性を示す。Chari等, Cancer Research, 52: 127-131(1992)には、メイタンシノイドが、ジスルフィド結合を介して、ヒト結腸癌株化細胞の抗原に結合するマウス抗体A7、又はHER-2/neuオンコジーンに結合する他のマウスモノクローナル抗体TA.1に結合している免疫コンジュゲートが記載されている。TA.1-メ

40

50

イタンシノイドコンジュゲートの細胞障害性はヒト乳癌株化細胞SK-BR-3におけるインビトロで試験され、細胞当たり $3 \times 10^5$ HER-2表面抗原が発現した。薬剤コンジュゲートにより、遊離のメイトンシノイド剤に類似した細胞障害度が達成され、該細胞障害度は、抗体分子当たりのメイトンシノイド分子の数を増加させることにより増加する。A7-メイトンシノイドコンジュゲートはマウスにおいては低い全身性細胞障害性を示した。

#### 【0180】

抗TATポリペプチド抗体-メイトンシノイドコンジュゲート(免疫コンジュゲート)

抗TAT抗体-メイトンシノイドコンジュゲートは、抗体又はメイトンシノイド分子のいずれの生物学的活性もほとんど低減することなく、メイトンシノイド分子に抗TAT抗体を化学的に結合させることにより調製される。1分子の毒素/抗体は、裸抗体の使用において細胞障害性を高めることが予想されているが、抗体分子当たり、平均3-4のメイトンシノイド分子が結合したものは、抗体の機能又は溶解性に悪影響を与えることなく、標的細胞に対する細胞障害性を向上させるといった効力を示す。メイトンシノイドは当該技術分野でよく知られており、公知の技術で合成することも、天然源から単離することもできる。適切なメイトンシノイドは、例えば米国特許第5208020号、及び他の特許、及び上述した特許ではない刊行物に開示されている。好ましいメイトンシノイドは、メイトンシノール、及び種々のメイトンシノールエステル等の、メイトンシノール分子の芳香環又は他の位置が修飾されたメイトンシノール類似体である。

#### 【0181】

例えば、米国特許第5208020号又は欧州特許第0425235B1号、Chari等、Cancer Research, 52:127-131(1992)、及び2004年10月8日出願の米国特許出願番号第10/960602号(ここで参照することにより開示内容を本明細書に包含する)に開示されているもの等を含む、抗体-メイトンシノイドコンジュゲートを作製するために、当該技術で公知の多くの結合基がある。リンカー成分SMCCを含む抗体-メイトンシノイドコンジュゲートは、2004年10月8日出願の米国特許出願番号第10/960602号に開示されているようにして調整することができる。結合基には、上述した特許に開示されているようなジスルフィド基、チオエーテル基、酸不安定性基、光不安定性基、ペプチターゼ不安定性基、又はエステラーゼ不安定性基が含まれるが、ジスルフィド及びチオエーテル基が好ましい。更なる結合基をここに開示及び例示する。

#### 【0182】

抗体とメイトンシノイドとのコンジュゲートは、種々の二官能性タンパク質カップリング剤、例えばN-スクシンイミジル-3-(2-ピリジルジチオ)プロピオナート(SPDP)、スクシンイミジル-4-(N-マレイミドメチル)シクロヘキサン-1-カルボキシラート、イミノチオラン(IT)、イミドエステル類の二官能性誘導体(例えばジメチルアジピミデートHCL)、活性エステル類(例えば、スベリン酸ジスクシンイミジル)、アルデヒド類(例えば、グルタルアルデヒド)、ビスアジド化合物(例えば、ビス(p-アジドベンゾイル)ヘキサジアミン)、ビス-ジアゾニウム誘導体(例えば、ビス-(p-ジアゾニウムベンゾイル)エチレンジアミン)、ジイソシアネート(例えば、トルエン-2,6-ジイソシアネート)、及び二活性フッ素化合物(例えば、1,5-ジフルオロ-2,4-ジニトロベンゼン)を使用して作製することができる。特に好ましいカップリング剤には、ジスルフィド結合により提供されるN-スクシンイミジル-4-(2-ピリジルジチオ)ペンタノアート(SPP)及びN-スクシンイミジル-3-(2-ピリジルジチオ)プロピオナート(SPDP)(Carlsson等, Biochem. J. 173:723-737[1978])が含まれる。

#### 【0183】

リンカーは結合の種類に応じて、種々の位置でメイトンシノイド分子に結合し得る。例えば、従来からのカップリング技術を使用してヒドロキシル基と反応させることによりエステル結合を形成することができる。反応はヒドロキシル基を有するC-3位、ヒドロキシメチルで修飾されたC-14位、ヒドロキシル基で修飾されたC-15位、及びヒドロキシル基を有するC-20位で生じる。好ましい実施態様において、結合はメイトンシノー

10

20

30

40

50

ル又はメイタンシノールの類似体のC-3位で形成される。

【0184】

アウリスタチン及びドロスタチン

一部の実施態様では、免疫複合体は、ドラスタチン又はドラスタチンのペプチド類似体及び誘導体である、アウリスタチン（米国特許第5635483号、同第5780588号）にコンジュゲートした本発明の抗体を含む。ドラスタチン及びアウリスタチンは、微小管の動態、GTP加水分解、核分裂、及び細胞分裂を妨害することが判明しており（Wo yke等、(2001) *Antimicrob. Agents and Chemother* 45(12):3580-3584）、抗癌活性（米国特許第5663149号）及び抗真菌活性（Pettit等、(1998) *Antimicrob. Agents Ch emother* 42:2961-2965）を有する。ドラスタチン又はアウリスタチンの薬剤部分は、ペプチド成分のN（アミノ）末端又はC（カルボキシル）末端で抗体に付着させることができる（WO02/088172）。

10

【0185】

例示的なアウリスタチンの実施態様には、Senter等、*Proceedings of the American Association for Cancer Research*, Volume 45, Abstract Number 623、(2004年3月28日)に開示された、N末端にリンクしたモノメチルアウリスタチン薬剤部分DE及びDF（即ちMMAE及びMMAF）が含まれる。前記文献の開示内容の全体を、参照により本明細書に包含する。

【0186】

一般的に、ペプチドに基づく薬剤部分は、2以上のアミノ酸及び/又はペプチド断片の間にペプチド結合を形成することにより調整することができる。このようなペプチド結合は、例えば、ペプチド化学の分野で周知の液相合成法（E. Schroder及びK. Lubke, "The Peptides", volume 1, pp 76-136, 1965, Academic Press参照）に従って調整することができる。アウリスタチン/ドラスタチン薬剤部分は、米国特許第5635483号、同第5780588号、Pettit等、(1989) *J. Am. Chem. Soc.* 111:5463-5465、Pettit等、(1998) *Anti-Cancer Drug Design* 13:243-277、Pettit, G.R.等、*Synthesis*, 1996, 719-725、Pettit等、(1996) *J. Chem. Soc. Perkin Trans. 1* 5:859-863、及びDoronina (2003) *Nat Biotechnol* 21(7):778-784に記載の方法に従って調製することができる。

20

【0187】

カリケアマイシン

対象の他の免疫コンジュゲートには、一又は複数のカリケアマイシン分子と結合した抗TAT抗体が含まれる。抗生物質のカリケアマイシンファミリーはサブ-ピコモルの濃度で二重鎖DNA破壊を生じることができる。カリケアマイシンファミリーのコンジュゲートの調製については、米国特許第5712374号、同5714586号、同5739116号、同5767285号、同5770701号、同5770710号、同5773001号、同5877296号(全て、American Cyanamid Company)を参照のこと。使用可能なカリケアマイシンの構造類似体には、限定するものではないが、 $1^I$ 、 $2^I$ 、 $3^I$ 、N-アセチル- $1^I$ 、PSAG及び $1^I$  (Hinman等、*Cancer Research*, 53:3336-3342(1993)、Lode等 *Cancer Research*, 58:2925-2928(1998)及び上述したAmerican Cyanamidの米国特許)が含まれる。抗体が結合可能な他の抗腫瘍剤は、葉酸代謝拮抗薬であるQFAである。カリケアマイシン及びQFAは双方共、細胞内に作用部位を有し、原形質膜を容易に通過しない。よって抗体媒介性インターナリゼーションによるこれらの薬剤の細胞への取込により、細胞障害効果が大きく向上する。

30

40

【0188】

他の細胞障害性剤

本発明の抗TAT抗体と結合可能な他の抗腫瘍剤には、BCNU、ストレプトゾイシン、ピンクリスチン及び5-フルオロウラシル、米国特許第5053394号、同5770710号に記載されており、集合的にLL-E33288複合体として公知の薬剤のファミリー、並びにエスペラマイシン(esperamicine)(米国特許第5877296号)が含まれる。

50

使用可能な酵素活性毒及びその断片には、ジフテリア A 鎖、ジフテリア毒素の非結合性活性断片、外毒素 A 鎖(シュードモナス・アエルギノーサ(*Pseudomonas aeruginosa*))、リシン A 鎖、アプリン A 鎖、モデシン(modeccin) A 鎖、アルファ-サルシン(sarcin)、アレウライツ・フォルディイ(*Aleurites fordii*)プロテイン、ジアンシン(dianthin)プロテイン、フィトラッカ・アメリカーナ(*Phytolacca americana*)プロテイン(P A P I、P A P I I 及び P A P - S)、モモルディカ・キャランティア(*Momordica charantia*)インヒビター、クルシン(curcin)、クロチン、サパオナリア(*sapaonaria*)オフィシナリスインヒビター、ゲロニン(gelonin)、マイトゲリン(mitogellin)、レストリクトシン(restrictocin)、フェノマイシン、エノマイシン及びトリコセセス(tricothecenes)が含まれる。例えば、1993年10月28日公開の国際公開第93/21232号を参照のこと。

10

## 【0189】

本発明は、抗体と核酸分解活性を有する化合物(例えばリボヌクレアーゼ又はDNAエンドヌクレアーゼ、例えばデオキシリボヌクレアーゼ; DNAアーゼ)との間に形成される免疫コンジュゲートをさらに考察する。

## 【0190】

腫瘍を選択的に破壊するため、抗体は高い放射性を有する原子を含有してよい。放射性コンジュゲートした抗TAT抗体を生成するために、種々の放射性同位体が利用される。例には、At<sup>211</sup>、I<sup>131</sup>、I<sup>125</sup>、Y<sup>90</sup>、Re<sup>186</sup>、Re<sup>188</sup>、Sm<sup>153</sup>、Bi<sup>212</sup>、P<sup>32</sup>、Pb<sup>212</sup>及びLuの放射性同位体が含まれる。コンジュゲートが診断用に使われる場合、それはシンチグラフィ-研究用の放射性原子、例えばtc<sup>99m</sup>又はI<sup>123</sup>、又は核磁気共鳴(NMR)映像(磁気共鳴映像、mriとしても公知)用のスピン標識、例えばヨウ素-123、ヨウ素-131、インジウム-111、フッ素-19、炭素-13、窒素-15、酸素-17、ガドリニウム、マンガン又は鉄を含有し得る。

20

## 【0191】

放射-又は他の標識が、公知の方法でコンジュゲートに導入される。例えば、ペプチドは生物合成されるか、又は水素の代わりにフッ素-19を含む適切なアミノ酸前駆体を使用する化学的なアミノ酸合成により合成される。標識、例えばtc<sup>99m</sup>又はI<sup>123</sup>、Re<sup>186</sup>、Re<sup>188</sup>及びIn<sup>111</sup>は、ペプチドのシステイン残基を介して結合可能である。イットリウム-90はリジン残基を介して結合可能である。IODOGEN法(Fraker等(1978) Biochem. Biophys. Res. Commun. 80:49-57)は、ヨウ素-123の導入に使用することができる。他の方法の詳細は、「Monoclonal Antibodies in Immunoscintigraphy」(Chatal, CRC Press 1989)に記載されている。

30

## 【0192】

抗体と細胞障害性剤のコンジュゲートは、種々の二官能性タンパク質カップリング剤、例えばN-スクシンイミジル-3-(2-ピリジルジチオ)プロピオナート(SPDP)、スクシンイミジル-4-(N-マレイミドメチル)シクロヘキサン-1-カルボキシラート、イミノチオラン(IT)、イミドエステル類の二官能性誘導体(例えばジメチルアジピミダートHCL)、活性エステル類(例えば、スベリン酸ジスクシンイミジル)、アルデヒド類(例えば、グルタルアルデヒド)、ビスアジド化合物(例えば、ビス(p-アジドベンゾイル)ヘキサジアミン)、ビス-ジアゾニウム誘導体(例えば、ビス-(p-ジアゾニウムベンゾイル)エチレンジアミン)、ジイソシアネート(例えば、トリエン-2,6-ジイソシアネート)、及び二活性フッ素化合物(例えば、1,5-ジフルオロ-2,4-ジニトロベンゼン)を使用して作製することができる。例えば、リシン免疫毒素は、Vitetta等, Science 238:1098(1987)に記載されているようにして調製することができる。炭素-14標識1-イソチオシアナトベンジル-3-メチルジエチレン-トリアミン五酢酸(MX-DTPA)が抗体に放射性ヌクレオチドをコンジュゲートするためのキレート剤の例である。国際公開第94/11026号を参照されたい。リンカーは細胞中の細胞障害性剤の放出を容易にするための「切断可能リンカー」であってよい。例えば、酸不安定性リンカー、ペプチダーゼ過敏性リンカー、光不安定性リンカー、ジメチルリンカー又はジスルフィド含有リンカーが使用され得る(Chari等, Cancer Research, 52:127-131(1992); 米国特許第5208020号)。

40

50

## 【0193】

本発明の化合物として、(例えば米国イリノイ州ロックフォードのPierce Biotechnology, Inc.より)市販のクロスリンカー試薬、即ちBMPS、EMCS、GMB S、HBVS、LC-SMCC、MBS、MPBH、SBAP、SIA、SIA B、SMCC、SMPB、SMPH、スルホ-EMCS、スルホ-GMB S、スルホ-KMUS、スルホ-MBS、スルホ-SIA B、スルホ-SMCC、及びスルホ-SMPB、及びSVSB(サクシニミジル-(4-ビニルスルホン)安息香酸)を用いて調製したADCを特に考慮するが、これに限定されない。2003-2004 Applications Handbook and Catalogの467-498頁を参照のこと。

## 【0194】

別法として、抗TAT抗体及び細胞障害性剤を含有する融合タンパク質は、例えば組換え技術又はペプチド合成により作製される。DNAの長さは、コンジュゲートの所望する特性を破壊しないリンカーペプチドをコードする領域により離間しているか、又は互いに隣接しているコンジュゲートの2つの部分をコードする領域をそれぞれ含有する。

10

## 【0195】

他の実施態様において、腫瘍の事前ターゲティングに利用するために、「レセプター」(例えばストレプトアビジン)に抗体をコンジュゲートし、ここで抗体-レセプターコンジュゲートを患者に投与し、続いて清澄剤を使用し、循環から未結合コンジュゲートを除去し、細胞障害性剤(例えば放射性ヌクレオチド)にコンジュゲートする「リガンド」(例えばアビジン)を投与する。

20

## 【0196】

## 10. 免疫リポソーム

ここで開示されている抗TAT抗体は、免疫リポソームとして処方することもできる。「リポソーム」は、哺乳動物への薬物輸送に有用な、脂質、リン脂質及び/又は界面活性剤を含む種々のタイプの小胞体である。リポソームの成分は、通常は生物膜の脂質配向に類似した2層構造に配列される。抗体を含有するリポソームは、例えばEpstein等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 82:3688(1985); Hwang等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 77:4030(1980); 及び米国特許第4485045号及び同4544545号; 及び1997年10月23日に公開の国際公開97/38731に記載されているように、当該分野において既知の方法により調製される。循環時間が増したリポソームは米国特許第5013556号に開示されている。

30

## 【0197】

特に有用なリポソームは、ホスファチジルコリン、コレステロール及びPEG-誘導体化ホスファチジルエタノールアミン(PEG-PE)を含有する脂質組成物を用いた逆相蒸発法により作製することができる。リポソームは孔径が定められたフィルターを通して押し出され、所望の直径を有するリポソームが得られる。本発明の抗体のFab'断片は、ジスルフィド交換反応を介して、Martin等, J. Biol. Chem. 257:286-288(1982)に記載されているようにしてリポソームにコンジュゲートすることができる。場合によっては、化学療法剤はリポソーム内に包含される。Gabizon等, J. National Cancer Inst. 81(19)1484(1989)を参照されたい。

40

## 【0198】

## B. TAT結合オリゴペプチド

本発明のTAT結合オリゴペプチドはここで記載される様なTATポリペプチドに、好ましくは特異的に、結合するオリゴペプチドである。TAT結合オリゴペプチドは、既知のオリゴペプチド合成法を用いて化学的に合成することができ、あるいは組換え技術を用いて調製及び生成することができる。TAT結合オリゴペプチドは通常、少なくとも約5のアミノ酸長であり、或いは少なくとも約6、7、8、9、10、11、1-73、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54

50

、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99又は100のアミノ酸長以上であり、このようなオリゴペプチドはここに記載される様なTATポリペプチドに対して好ましくは特異的に結合する能力がある。TAT結合オリゴペプチドは、よく知られた技術を用いて過度の実験をすることなしに同定することができる。この点において、ポリペプチド標的に特異的に結合する能力のあるオリゴペプチドのオリゴペプチドライブラリーを検索する技術は当分野でよく知られていることを注記する(例えば、米国特許第5556762号、同第5750373号、同第4708871号、同第4833092号、同第5223409号、同第5403484号、同第5571689号、同第5663143号; PCT公開第WO84/03506号、及びWO84/03564号; Geysen等, Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., 81:3998-4002 (1984); Geysen等, Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., 82:178-182 (1985); Geysen等, in Synthetic Peptides as Antigens, 130-149 (1986); Geysen等, J. Immunol. Meth., 102:259-274 (1987); Schoofs等, J. Immunol., 140:611-616 (1988), Cwirla, S.E.等(1990) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87:6378; Lowman, H.B.等 (1991) Biochemistry, 30:10832; Clackson, T.等 (1991) Nature, 352:624; Marks, J.D.等 (1991) J. Mol. Biol., 222:581; Kang, A.S.等 (1991) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88:8363、及びSmith, G.P. (1991) Current Opin. Biotechnol., 2:668参照)。

10

20

#### 【0199】

この点において、バクテリオファージ(ファージ)ディスプレイは、大きなオリゴペプチドライブラリーを検索して、ポリペプチド標的に特異的に結合する能力のあるこれらライブラリーのメンバーを同定することを可能にするよく知られた技術の一つである。ファージディスプレイは、様々なポリペプチドがバクテリオファージ粒子の表面上のコートタンパク質に融合タンパク質として表示されることによる技術である(Scott, J.K.及びSmith G. P. (1990) Science 249:386)。ファージディスプレイの有用性は、選択的にランダム化されたタンパク質変異体(又はランダムクローンcDNA)の大きなライブラリーを標的分子に高い親和性で結合するこれらの配列について素早く効果的に分類することができる点にある。ファージでのペプチド(Cwirla, S.E.等 (1990) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87:6378)又はタンパク質(Lowman, H.B.ら (1991) Biochemistry, 30:10832; Clackson, T.ら (1991) Nature, 352:624; Marks, J.D.等 (1991), J. Mol. Biol., 222:581; Kang, A.S.等 (1991) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88:8363)ライブラリーのディスプレイは、特異的に結合する特性を有するものについて無数のポリペプチド又はオリゴペプチドをスクリーニングするために使用されている(Smith, G.P. (1991) Current Opin. Biotechnol., 2:668)。ランダム突然変異体のファージライブラリーの分類は、多数の変異体を構築して増殖させる方法、標的レセプターを用いた親和性精製の方法、及び結合増強の結果を評価する手段を必要とする。米国特許第5223409号、同第5403484号、同第5571689号、及び同第5663143号。

30

40

#### 【0200】

ほとんどのファージディスプレイ法は繊維状ファージを使用していたが、ファージディスプレイシステム(WO95/34683; 米国特許第5627024号)、T4ファージディスプレイシステム(Ren等 Gene, 215:439 (1998); Zhu等 Cancer Research, 58(15):3209-3214 (1998); Jiang等, Infection & Immunity, 65(11):4770-4777 (1997); Ren等, Gene, 195(2):303-311 (1997); Ren, Protein Sci., 5:1833 (1996); Efimov等, Virus Genes, 10:173 (1995)及びT7ファージディスプレイシステム(Smith及びScott, Methods in Enzymology, 217, 228-257 (1993); 米国特許第5766905号)も知られている。

#### 【0201】

現在、基礎的なファージディスプレイ構想の多くの他の改良及び変形が開発されている。これらの改良は、選択された標的分子への結合についてペプチドライブラリーをスクリ

50

ーニングするための、及びこれらのタンパク質が所望の特性をスクリーニングする潜在能力で機能性タンパク質をディスプレイするためのディスプレイシステムの能力を増強する。ファージディスプレイ反応のための組み換え反応手段について記載があり (W O 9 8 / 1 4 2 7 7) 及びファージディスプレイライブラリーは二分子相互作用 (W O 9 8 / 2 0 1 6 9 ; W O 9 8 / 2 0 1 5 9) 及び拘束性ヘリックスペプチドの特性 (W O 9 8 / 2 0 0 3 6) を分析及び制御するために使用されている。W O 9 7 / 3 5 1 9 6 は、リガンドが標的分子に結合しうる第一の溶液、及び親和性リガンドが標的分子に結合しない第二の溶液とファージディスプレイライブラリーを接触させて結合リガンドを選択的に単離する、親和性リガンドの単離方法を記載する。W O 9 7 / 4 6 2 5 1 は、親和性精製抗体でランダムファージディスプレイライブラリーをバイオニングし、次いで結合ファージを単離し、続いてマイクロプレートのウェルでマイクロピングして高親和性結合ファージを単離する方法を記載する。黄色ブドウ球菌 (*Staphylococcus aureus*) タンパク質 A の親和性タグとしての使用も報告されている (Li 等, (1998) *Mol Biotech.*, 9:187)。W O 9 7 / 4 7 3 1 4 は、ファージディスプレイライブラリーでもよいコンビナトリアルライブラリーを用いて酵素特異性を識別するための基質サブトラクションライブラリーの使用を記載している。ファージディスプレイに用いる洗浄剤における使用に適した酵素を選択する方法は W O 9 7 / 0 9 4 4 6 に記載される。特異的に結合するタンパク質を選択する更なる方法は、米国特許第 5 4 9 8 5 3 8 号、同第 5 4 3 2 0 1 8 号、及び W O 9 8 / 1 5 8 3 3 に記載されている。

10

20

#### 【0202】

ペプチドライブラリーの作製及びこれらのライブラリーのスクリーニングの方法は、米国特許第 5 7 2 3 2 8 6 号、同第 5 4 3 2 0 1 8 号、同第 5 5 8 0 7 1 7 号、同第 5 4 2 7 9 0 8 号、同第 5 4 9 8 5 3 0 号、同第 5 7 7 0 4 3 4 号、同第 5 7 3 4 0 1 8 号、同第 5 6 9 8 4 2 6 号、同第 5 7 6 3 1 9 2 号、及び同第 5 7 2 3 3 2 3 号に記載される。

#### 【0203】

##### C. T A T 結合有機分子

T A T 結合有機分子とは、ここに記載されるような T A T ポリペプチドに、好ましくは特異的に結合する、ここに定義されるようなオリゴペプチド又は抗体以外の有機分子である。T A T 結合有機分子は既知の方法 (例えば P C T 公開第 W O 0 0 / 0 0 8 2 3 及び W O 0 0 / 3 9 5 8 5 号参照) を用いて同定され、化学的に合成されうる。T A T 結合有機分子は通常、約 2 0 0 0 ダルトンの大きさ未満であり、あるいは約 1 5 0 0、7 5 0、5 0 0、2 5 0 又は 2 0 0 ダルトンの大きさであり、ここに記載される様な T A T ポリペプチドに、好ましくは特異的に結合する能力のあるこのような有機分子は、よく知られた技術を用いて過度の実験をすることなしに同定されうる。この点において、ポリペプチド標的に結合する能力のある分子の有機分子ライブラリーを検索する技術は当分野でよく知られていることを注記する (例えば P C T 公開第 W O 0 0 / 0 0 8 2 3 及び W O 0 0 / 3 9 5 8 5 号参照)。T A T 結合有機分子は、例えばアルデヒド、ケトン、オキシム、ヒドラゾン、セミカルバゾン、カルバジド、一級アミン、二級アミン、三級アミン、N 置換ヒドラジン、ヒドラジド、アルコール、エーテル、チオール、チオエーテル、ジスルフィド、カルボン酸、エステル、アミド、尿素、カルバミン酸塩、炭酸塩、ケタール、チオケタール、アセタール、チオアセタール、ハロゲン化アリアル、アリアルスルホン酸、ハロゲン化アルキル、アルキルスルホン酸、芳香族化合物、複素環化合物、アニリン、アルケン、アルキン、ジオール、アミノアルコール、オキサゾリジン、オキサゾリン、チアゾリジン、チアゾリン、エナミン、スルホンアミド、エポキシド、アジリジン、イソシアン酸塩、塩化スルホニル、ジアゾ化合物、酸塩化物等であり得る。

30

40

#### 【0204】

D. 所望する特性を有する抗 T A T 抗体、T A T 結合オリゴペプチド及び T A T 結合有機分子のスクリーニング

T A T ポリペプチドに結合する抗体、オリゴペプチド及び有機分子を生成する技術を、上記にて記載した。所望するような、所定の生物学的特性を有する抗体、オリゴペプチド

50

又は有機分子をさらに選択することができる。

【0205】

本発明の抗TAT抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子の増殖阻害効果を、例えば、内因的又はTAT遺伝子によるトランスフェクション後のいずれかでTATポリペプチドを発現する細胞を用いる当該分野で周知の方法によって評価することができる。例えば、適切な腫瘍細胞株及びTAT形質移入細胞は、数日間（例えば、2 - 7）、種々の濃度の本発明の抗TATモノクローナル抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子で処理し、クリスタル・バイオレット又はMTTで染色、又は幾つかの他の比色アッセイによって分析し得る。増殖を測定するその他の方法は、本発明の抗TAT抗体、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子の存在又は非存在下で処理した細胞の<sup>3</sup>H-チミジン取り込みを比較することによる。処理の後、細胞を収集し、DNAへ取り込まれた放射能をシンチレーションカウンターで定量化した。適切なポジティブコントロールには、細胞株の増殖を阻害することが知られている増殖阻害抗体でその選択した細胞株を処理することが含まれる。インビボでの増殖阻害は、当該分野で知られている種々の方法で確かめることができる。好ましくは、腫瘍細胞は、TATポリペプチドを過剰発現するものである。好ましくは、抗TAT抗体、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子は、ある実施態様では約0.5から30 µg/mlの抗体濃度で、未処理腫瘍細胞と比べて約25 - 100%、より好ましくは約30 - 100%、そしてさらにより好ましくは約50 - 100%又は70 - 100%のTAT発現腫瘍細胞の増殖をインビトロ又はインビボで阻害する。増殖阻害は、細胞培養で、約0.5から30 µg/ml又は0.5 nMから200 nMの抗体濃度で測定することができ、その増殖阻害は、抗体への腫瘍細胞の曝露後1 - 10日で確かめられる。約1 µg/kgから約100 mg/kg体重での抗TAT抗体の投与が、抗体の最初の投与から約5日から3ヶ月、好ましくは約5から30日以内に腫瘍の大きさの減少又は腫瘍細胞増殖の減少を引き起こすならば、抗体はインビボで増殖阻害作用がある。

10

20

【0206】

細胞死を誘発する抗TAT抗体、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子を選択するために、例えばヨウ化プロピジウム（PI）、トリパンプルー又は7AADの取込みにより示される膜インテグリティの損失度合いを対照と比較して求める。PI取込みアッセイは、補体及び免疫エフェクター細胞の不在下で行われる。TATポリペプチド発現細胞腫瘍細胞を、培地のみ、又は適切な抗TAT抗体（例えば約10 µg/ml）、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子を含有する培地でインキュベートする。細胞を3日間インキュベートする。各処理に続いて、細胞を洗浄し、細胞凝塊除去のために35 mmのストレーナキャップ付き12 x 75 チューブ（チューブ当たり1 ml、処理グループ当たり3チューブ）に等分する。次いで、チューブへPI（10 µg/ml）を与える。試料をFACSCAN（登録商標）フローサイトメータとFACSCONVERT（登録商標）セルクエスト（Cell Quest）ソフトウェア（Becton Dickinson）を使用して分析してもよい。PI取込みによって測定されるような、統計的に有意なレベルの細胞死を誘発する抗TAT抗体、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子は、細胞死誘発抗TAT抗体、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子として選択することができる。

30

40

【0207】

関心のある抗体が結合したTATポリペプチド上のエピトープに結合する抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子をスクリーニングするために、Antibodies, A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory, Ed Harlow及びDavid Lane編(1988)に記載されているような通常の交差ブロッキングアッセイを実施することができる。既知の抗TAT抗体のように、試験抗体、オリゴペプチド又は他の有機分子が同じ部位又はエピトープと結合するならば、このアッセイを確定するために用いることができる。あるいは、又は付加的に、エピトープマッピングを、当該分野で周知の方法によって行うことができる。例えば、接触残基を同定するために、例えばアラニンスキャンニングによって抗体配列を変異

50

させることができる。この変異体抗体は、適切なフォールディングを確かめるために、最初にポリクローナル抗体との結合について試験される。異なる方法では、T A Tポリペプチドの異なる領域と一致するペプチドを、試験抗体群又は試験抗体及び特徴付けられた又は既知のエピトープを有する抗体による競合アッセイで用いることができる。

#### 【0208】

##### E. 抗体依存性酵素媒介性プロドラッグ治療法(ADEPT)

また、本発明の抗体は、プロドラッグ(例えばペプチジル化学療法剤、国際公開81/01145を参照)を活性化酵素へ変換するプロドラッグ活性化酵素へ抗体をコンジュゲートすることによって、ADEPTにおいて使用することができる。例えば国際公開88/07378及び米国特許第4975278号を参照されたい。

10

#### 【0209】

ADEPTに有用な免疫コンジュゲートの酵素成分には、より活性化細胞毒形態に変換するようにプロドラッグへ作用し得る任意の酵素が含まれる。

#### 【0210】

限定するものではないが、この発明の方法に有用な酵素には、ホスファート含有プロドラッグを遊離の薬剤に変換するのに有用なアルカリ性ホスファターゼ；スルファート含有プロドラッグを遊離の薬剤に変換するのに有用なアリアルスルファターゼ；非毒性5-フルオロシトシンを抗癌剤5-フルオロウラシルに変換するのに有用なシトシンデアミナーゼ；プロテアーゼ、例えばセラチアプロテアーゼ、サーモリシン、サブチリシン、カルボキシペプチダーゼ及びカテプシン(例えば、カテプシンB及びL)で、ペプチド含有プロドラッグを遊離の薬剤に変換するのに有用なもの；D-アミノ酸置換基を含有するプロドラッグの変換に有用なD-アラニルカルボキシペプチダーゼ；炭水化物切断酵素、例えばグリコシル化プロドラッグを遊離の薬剤に変換するのに有用なノイラミニダーゼ及びガラクトシダーゼ；ラクタムで誘導体化された薬剤を遊離の薬剤に変換させるのに有用なラクタマーゼ；及びペニシリンアミダーゼ、例えばそれぞれフェノキシアセチル又はフェニルアセチル基で、それらのアミン性窒素において誘導体化された薬剤を遊離の薬剤に変換するのに有用なペニシリンVアミダーゼ又はペニシリンGアミダーゼが含まれる。あるいは、「アブザイム」としてもまた公知の酵素活性を有する抗体を、遊離の活性薬剤に本発明のプロドラッグを変換させるために使用することもできる(例えば、Massey, Nature 328:457-458(1987)を参照)。抗体-アブザイムコンジュゲートは、ここで記載されているようにして、腫瘍細胞個体群にアブザイムを送達するために調製することができる。

20

30

#### 【0211】

この発明の酵素は、当該分野においてよく知られている技術、例えば上で検討したヘテロ二官能性架橋試薬を使用することにより、抗T A T抗体に共有的に結合させることができる。あるいは、本発明の抗体の少なくとも抗原結合領域を本発明の酵素の少なくとも機能的に活性化部位に結合せしめてなる融合タンパク質を、当該技術においてよく知られている組換えDNA技術を使用して作成することができる(Neuberger等, Nature 312:604-608[1984])。

#### 【0212】

##### F. 完全長T A Tポリペプチド

本発明は、本出願でT A Tポリペプチドと呼ばれるポリペプチドをコードする新規に同定され単離された核酸配列を提供する。特に下記の実施例でさらに詳細に説明するように、種々のT A TポリペプチドをコードするcDNA(部分及び完全長)が同定され単離された。

40

#### 【0213】

下記の実施例に開示するように、種々のcDNAクローンがATCCに寄託されている。これらのクローンの正確なヌクレオチド配列は、この分野で日常的な方法を用いて寄託されたクローンを配列決定することにより容易に決定することができる。予測されるアミノ酸配列は、ヌクレオチド配列から常套的技量を用いて決定できる。ここに記載したT A Tポリペプチド及びコード化核酸について、本出願人は、現時点で入手可能な配列情報と

50

最も良く一致するリーディングフレームであると考えられるものを同定した。

【0214】

G. 抗TAT抗体及びTATポリペプチド変異体

ここに記載した抗TAT抗体及び完全長天然配列TATポリペプチドに加えて、抗TAT抗体及びTATポリペプチド変異体も調製できると考えられる。抗TAT抗体及びTATポリペプチド変異体は、コード化DNAに適当なヌクレオチド変化を導入することによって、及び/又は所望の抗体又はポリペプチドを合成することによって調製できる。当業者は、アミノ酸変化がグリコシル化部位の数又は位置の変化あるいは膜固着特性の変化などの抗TAT抗体の翻訳後プロセス又はTATポリペプチドの翻訳後プロセスを変え得るのを理解するであろう。

10

【0215】

ここに記載した抗TAT抗体及びTATポリペプチドの変異は、例えば、米国特許第5364934号に示す保存的及び非保存的変異に関する技術及び指針のいずれかを用いて作成することができる。変異は、結果として天然配列抗体又はポリペプチドと比較してアミノ酸配列の変化を生じる、抗体又はポリペプチドをコードする一又は複数のコドンの置換、欠失又は挿入であってもよい。場合によっては、変異は、抗TAT抗体又はTATポリペプチドの一つ又は複数のドメインにおける、少なくとも一つのアミノ酸の他の任意のアミノ酸との置換による。どのアミノ酸残基が所望の活性に悪影響を与えることなく挿入、置換又は欠失され得るかを確かめる指針は、抗TAT抗体又はTATポリペプチドの配列を既知の相同タンパク質分子の配列と比較し、相同性の高い領域内で生じたアミノ酸配列変化の数を最小にすることによって見出される。アミノ酸置換は、一のアミノ酸を類似した構造及び/又は化学特性を持つ他のアミノ酸で置換すること、例えばロイシンのセリンでの置換、即ち保存的アミノ酸置換の結果であることができる。挿入及び欠失は、場合によっては1から5のアミノ酸の範囲内であり得る。許容され得る変異は、配列にアミノ酸の挿入、欠失又は置換を系統的に作成し、生じた変異体を完全長又は成熟天然配列によって示される活性に関して試験することによって確かめられる。

20

【0216】

抗TAT抗体及びTATポリペプチド断片がここで提供されている。そのような断片は、例えば完全長天然抗体又はタンパク質と比較した時に、N末端又はC末端で切断しているか、又は内部残基を欠いている可能性がある。ある断片は、抗TAT抗体又はTATポリペプチドの所望される生物学的活性にとって必修ではないアミノ酸残基を欠く。

30

【0217】

抗TAT抗体及びTATポリペプチド断片は、多くの従来技術のいずれかによって調製してもよい。所望のペプチド断片は化学合成してもよい。代替的方法には、酵素的消化、例えば特定のアミノ酸残基で確定した部位でタンパク質を切断することが知られた酵素によってタンパク質を処理することで、又は適当な制限酵素でDNAを消化して所望の断片を単離することによって抗体又はポリペプチド断片を生成することが含まれる。さらにその他の好適な技術には、ポリメラーゼ連鎖反応(PCR)によって、所望の抗体又はポリペプチド断片をコードするDNA断片を単離し増幅することが含まれる。DNA断片の所望の末端を確定するオリゴヌクレオチドは、PCRの5'及び3'プライマーで用いられる。好ましくは、抗TAT抗体及びTATポリペプチド断片は、ここに開示した天然抗TAT抗体又はTATポリペプチドと少なくとも一つの生物学的及び/又は免疫学的活性を共有する。

40

【0218】

特定の実施態様では、対象とする保存的置換を、好ましい置換の項目で表6に示す。このような置換が生物学的活性の変化をもたらす場合、表1に例示的置換と名前を付けた又は以下にアミノ酸分類でさらに記載するように、より実質的な変化が導入され生成物がスクリーニングされる。

表1

元の残基	典型的な置換	望ましい置換	
Ala (A)	Val; Leu; Ile	Val	
Arg (R)	Lys; Gln; Asn	Lys	10
Asn (N)	Gln; His; Asp; Lys; Arg	Gln	
Asp (D)	Glu; Asn	Glu	
Cys (C)	Ser, Ala	Ser	
Gln (Q)	Asn; Glu	Asn	
Glu (E)	Asp, Gln	Asp	20
Gly (G)	Pro; Ala	Ala	
His (H)	Asn; Gln; Lys; Arg	Arg	
Ile (I)	Leu; Val; Met; Ala; Phe; Leu	ノルロイシン	
Leu (L)	ノルロイシン; Ile; Val; Met; Ala; Phe	Ile	
Lys (K)	Arg; Gln; Asn	Arg	30
Met (M)	Leu; Phe; Ile	Leu	
Phe (F)	Trp; Leu; Val; Ile; Ala; Tyr	Leu	
Pro (P)	Ala	Ala	
Ser (S)	Thr	Thr	
Thr (T)	Val; Ser	Ser	40
Trp (W)	Tyr; Phe	Tyr	
Tyr (Y)	Trp; Phe; Thr; Ser	Phe	
Val (V)	Ile; Leu; Met; Phe; Ala; ノルロイシン	Leu	

抗TAT抗体又はTATポリペプチドの機能又は免疫学的同一性の実質的修飾は、(a)置換領域のポリペプチド骨格の構造、例えばシート又は螺旋配置、(b)標的部位の電荷又は分子疎水性、又は(c)側鎖の嵩を維持しながら、それらの効果において有意に異なる置換基を選択することにより達成される。天然に生じる残基は共通の側鎖特性に基づいてグループに分けることができる：

- (1) 疎水性：N o r l o i s i n、M e t、A l a、V a l、L e u、I l e；
- (2) 中性の親水性：C y s、S e r、T h r；A s n；G l n
- (3) 酸性：A s p、G l u；
- (4) 塩基性：H i s、L y s、A r g；
- (5) 鎖配向に影響する残基：G l y、P r o；及び
- (6) 芳香族：T r p、T y r、P h e。

10

非保存的置換は、これらの分類の1つのメンバーを他の分類に交換することを必要とするであろう。また、そのように置換された残基は、保存的置換部位、又はより好ましくは、残された(非保存)部位に導入されうる。

#### 【0220】

変異は、オリゴヌクレオチド媒介(部位特異的)突然変異誘発、アラニンスキャンニング、及びPCR突然変異誘発等のこの分野で知られた方法を用いてなすことができる。部位特異的突然変異誘発[Carter等, Nucl. Acids Res., 13: 4331 (1986); Zoller等, Nucl. Acids Res., 10: 6487 (1987)]、カセット突然変異誘発[Wells等, Gene, 34: 315 (1985)]、制限的選択突然変異誘発[Wells等, Philos. Trans. R. Soc. London SerA, 317: 415 (1986)]又は他の知られた技術をクローニングしたDNAに実施して、抗TAT抗体又はTATポリペプチド変異体DNAを作成することもできる。

20

#### 【0221】

また、隣接配列に沿って一又は複数のアミノ酸を同定するのにスキャンニングアミノ酸分析を用いることができる。好ましいスキャンニングアミノ酸は比較的小さく、中性のアミノ酸である。そのようなアミノ酸は、アラニン、グリシン、セリン、及びシステインを含む。アラニンは、ベータ炭素を越える側鎖を排除し変異体の主鎖構造を変化させにくいので、この群の中で典型的に好ましいスキャンニングアミノ酸である[Cunningham及びWells, Science, 244: 1081-1085 (1989)]。また、アラニンは最もありふれたアミノ酸であるため典型的には好ましい。さらに、それは埋もれた及び露出した位置の両方に見られることが多い[Creighton, The Proteins, (W.H. Freeman & Co., N.Y.); Chothia, J. Mol. Biol., 150: 1 (1976)]。アラニン置換が十分な量の変異体を生じない場合は、アイソテリック(isoteric)アミノ酸を用いることができる。

30

#### 【0222】

抗TAT抗体又はTATポリペプチドの適切なコンフォメーションを維持することに關与していない任意のシステイン残基も、分子の酸化的安定性を向上させ、異常な架橋を防ぐために、概してセリンと置換され得る。逆に、抗TAT抗体又はTATポリペプチドの安定性(特に、抗体がFv断片のような抗体断片)を向上させるために、それにシステイン結合(複数でも)を加えてもよい。

#### 【0223】

特に好ましい型の置換変異体は、親抗体(例えば、ヒト化抗体又はヒト抗体)の一又は複数の高頻度可変領域残基の置換を含む。一般的に、更なる開発のために得られた変異体は、それらが生成された親抗体と比較して向上した生物学的特性を有している。そのような置換変異体を生成する簡便な方法には、ファージディスプレイを使用する親和性成熟がふくまれる。簡潔に言えば、高頻度可変領域部位(例えば、6-7部位)を変異させて各部位における全ての可能なアミノ酸置換を生成させる。このように生成された抗体変異体は、繊維状ファージ粒子から、各粒子内に充填されたM13の遺伝子III産物への融合物として一価形態で表示される。ファージ表示変異体は、次いで、本明細書に開示されるようなそれらの生物学的活性(例えば、結合親和性)についてスクリーニングされる。改変の候補となる高頻度可変領域部位を同定するために、アラニンスキャンニング突然変異

40

50

誘発を実施し、抗原結合に有意に寄与する高頻度可変領域残基を同定することができる。あるいは、又はそれに加えて、抗原-抗体複合体の結晶構造を分析して抗体とヒトTATポリペプチドとの接点を同定するのが有利である場合もある。このような接触残基及び隣接残基は、ここで詳しく記述した技術による置換の候補である。そのような変異体が生成されたら、変異体のパネルにここに記載するようなスクリーニングを施し、一又は複数の関連アッセイにおいて優れた特性を持つ抗体を更なる開発のために選択することができる。

#### 【0224】

抗TAT抗体のアミノ酸配列変異体をコードする核酸分子は、当該分野で周知の種々の方法によって調製される。これらの方法には、限定されるものではないが、オリゴヌクレオチド媒介（又は部位特異的）突然変異誘発、PCR突然変異誘発、そして抗-TAT抗体の早期に調製した変異体又は非変異体形のカセット突然変異誘発による、天然ソースからの単離（天然発生アミノ酸配列変異体の場合）又は調製が含まれる。

10

#### 【0225】

##### H. 抗TAT抗体及びTATポリペプチドの修飾

抗TAT抗体及びTATポリペプチドの共有結合的修飾は本発明の範囲内に含まれる。共有結合的修飾の一型には、抗TAT抗体又はTATポリペプチドの標的とするアミノ酸残基を、抗TAT抗体又はTATポリペプチドの選択された側鎖又はN又はC末端残基と反応できる有機誘導体化試薬と反応させることが含まれる。二官能性試薬による誘導体化は、例えば抗TAT抗体又はTATポリペプチドを、抗TAT抗体の精製方法で用いる水不溶性支持体マトリクス又は表面と架橋させるために有用であり、その逆も同じである。通常用いられる架橋剤には、例えば、1,1-ビス(ジアゾアセチル)-2-フェニルエタン、グルタルアルデヒド、N-ヒドロキシスクシンイミドエステル、例えば4-アジドサリチル酸を有するエステル、3,3'-ジチオビス(スクシンイミジルプロピオネート)等のジスクシンイミジルエステルを含むホモ二官能性イミドエステル、ビス-N-マレイミド-1,8-オクタン等の二官能性マレイミド、及びメチル-3-[(p-アジドフェニル)-ジチオ]プロピオイミダート等の試薬が含まれる。

20

#### 【0226】

他の修飾には、グルタミンル及びアスパラギンル残基の各々対応するグルタミンル及びアスパルチル残基への脱アミノ化、プロリン及びリシンのヒドロキシル化、セリル又はトレオニル残基のヒドロキシル基のリン酸化、リシン、アルギニン、及びヒスチジン側鎖の-アミノ基のメチル化[T.E. Creighton, *Proteins: Structure and Molecular Properties*, W.H. Freeman & Co., San Francisco, pp.79-86 (1983)]、N末端アミンのアセチル化、及び任意のC末端カルボキシル基のアミド化を含む。

30

#### 【0227】

本発明の範囲内に含まれる抗TAT抗体又はTATポリペプチドの共有結合的修飾の他の型は、抗体又はポリペプチドの天然グリコシル化パターンの変更を含む。ここで意図される「天然グリコシル化パターンの変更」とは、天然配列抗TAT抗体又はTATポリペプチドに見られる一又は複数の炭水化物部分を欠失させること（内在するグリコシル化部位を取り除くことによって、又は化学及び/又は酵素的手法でグリコシル化を欠失させることのいずれか）、及び/又は天然配列抗TAT抗体又はTATポリペプチドに存在しない一又は複数のグリコシル化部位の付加を意味する。更には、この語句には、存在する種々の炭水化物部分の性質及び特性の変化を含む、天然タンパク質のグリコシル化における定性的な変化が含まれる。

40

#### 【0228】

抗体及び他のポリペプチドのグリコシル化とは、典型的にはN-結合又はO-結合のいずれかである。N-結合とは、アスパラギン残基の側鎖への炭水化物部分の付与を指す。トリペプチドは、Xがプロリンを除く任意のアミノ酸である、アスパラギン-X-セリン及びアスパラギン-X-スレオニンの配列であり、アスパラギン側鎖への炭水化物部分が酵素的に付与される認識部位である。従って、ポリペプチドのこれらトリペプチド配列のいずれ

50

かの存在によって、潜在的なグリコシル化部位が作り出される。O-結合グリコシル化とは、5-ヒドロキシプロリン又は5-ヒドロキシリジンも用いられるが、殆どの場合にはセリン又はスレオニンへN-アセチルガラクトサミン、ガラクトース、又はキシロースのうちの一つの糖をヒドロキシアミノ酸へ付与することを指す。

【0229】

抗TAT抗体又はTATポリペプチドへのグリコシル化部位の付加は、アミノ酸配列を改変して、それが上記に記載のトリペプチド配列(N-結合グリコシル化部位について)の一つ又は複数を含むようにすることによって簡便に完遂できる。この改変は、また、最初の抗TAT抗体又はTATポリペプチドの配列へ一つ又は複数のセリン又はスレオニン残基を付加、又は置換することによって生成される(O-結合グリコシル化部位について)。

抗TAT抗体又はTATポリペプチドアミノ酸配列は、DNAレベルでの変化を通して、特に、コドンが所望するアミノ酸へ翻訳される、あらかじめ選択した塩基での抗TAT抗体又はTATポリペプチドをコードするDNAを変異させることによって、場合によっては改変され得る。

10

【0230】

抗TAT抗体又はTATポリペプチド上に炭水化物部分の数を増加させる他の手段は、グリコシドのポリペプチドへの化学的又は酵素的結合による。そのような方法は、この技術分野において、例えば、1987年9月11日に発行された国際公開87/05330、及びAplin及びWriston, CRC Crit. Rev. Biochem., pp. 259-306 (1981)に記載されている。

20

【0231】

抗TAT抗体又はTATポリペプチド上に存在する炭水化物部分の除去は、化学的又は酵素的に、あるいはグルコシル化の標的として提示されたアミノ酸残基をコードするコドンの変異的置換によってなすことができる。化学的脱グリコシル化技術は、この分野で知られており、例えば、Hakimuddin等, Arch. Biochem. Biophys., 259:52 (1987)によって、そしてEdge等, Anal. Biochem., 118: 131 (1981)によって記載されている。ポリペプチド上の炭水化物部分の酵素的切断は、Thotakura等, Meth. Enzymol. 138:350 (1987)に記載されているように、種々のエンド及びエキソグリコシダーゼを用いることにより達成される。

【0232】

抗TAT抗体又はTATポリペプチド共有結合的修飾の他の型は、抗体又はポリペプチドを種々の非タンパク質様ポリマーの一つ、例えばポリエチレングリコール(PEG)、ポリプロピレングリコール、又はポリオキシアルキレンへ、米国特許第4640835号；第4496689号；第4301144号；第4670417号；第4791192号又は第4179337号に記載された方法で結合させることを含む。また、抗体又はポリペプチドは、例えばコアセルベーション法によって又は界面重合によって調製されたマイクロカプセル(例えば、それぞれヒドロキシメチルセルロース又はゼラチン-マイクロカプセル及びポリ-(メチルメタクリレート)マイクロカプセル)に、コロイド状薬物送達系(例えば、リポソーム、アルブミンマイクロスフィア、マイクロエマルジョン、ナノ粒子及びナノカプセル)又はマクロエマルジョンで捕捉することができる。このような技術はRemington's Pharmaceutical Sciences, 16版, A. Oslo編(1980)に開示されている。

30

40

【0233】

また、本発明の抗TAT抗体又はTATポリペプチドは、その他の異種ポリペプチド又はアミノ酸配列と融合した抗TAT抗体又はTATポリペプチドを含むキメラ分子が形成される方法で修飾されてもよい。

【0234】

一実施態様では、このようなキメラ分子は、抗タグ抗体が選択的に結合できるエピトープを提供するタグポリペプチドと抗TAT抗体又はTATポリペプチドとの融合を含む。エピトープタグは、一般的には抗TAT抗体又はTATポリペプチドのアミノ又はカルボキシル末端に位置する。このような抗TAT抗体又はTATポリペプチドのエピトープタ

50

グ形態の存在は、タグポリペプチドに対する抗体を用いて検出することができる。また、エピトープタグの提供は、抗タグ抗体又はエピトープタグに結合する他の型の親和性マトリクスを用いたアフィニティ精製によって抗TAT抗体又はTATポリペプチドを容易に精製できるようにする。種々のタグポリペプチド及びそれら各々の抗体はこの分野で良く知られている。例としては、ポリ-ヒスチジン(ポリ-His)又はポリ-ヒスチジン-グリシン(poly-his-gly)タグ; fl u H Aタグポリペプチド及びその抗体12CA5 [Field等, Mol. Cell. Biol., 8:2159-2165 (1988)]; c-mycタグ及びそれに対する8F9、3C7、6E10、G4、B7及び9E10抗体 [Evan等, Molecular and Cellular Biology, 5:3610-3616 (1985)]; 及び単純ヘルペスウイルス糖タンパク質D (gD) タグ及びその抗体 [Paborsky等, Protein Engineering, 3(6):547-553 (1990)] を含む。他のタグポリペプチドは、フラッグペプチド [Hopp等, BioTechnology, 6:1204-1210(1988)]; KT3エピトープペプチド [Martin等, Science, 255:192-194 (1992)]; -チューブリンエピトープペプチド [Skinner等, J. Biol. Chem., 266:15163-15166 (1991)]; 及びT7遺伝子10タンパク質ペプチドタグ [Lutz-Freyermuth等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87:6393-6397 (1990)] を含む。

10

## 【0235】

それに換わる実施態様では、キメラ分子は抗TAT抗体又はTATポリペプチドの免疫グロブリン又は免疫グロブリンの特定領域との融合体を含んでもよい。キメラ分子の二価形態(「イムノアドヘシン」とも呼ばれる)については、そのような融合体はIgG分子のFc領域であり得る。Ig融合体は、好ましくはIg分子内の少なくとも1つの可変領域に換えて抗TAT抗体又はTATポリペプチドの可溶化(膜貫通ドメイン欠失又は不活性化)形態を含む。特に好ましい実施態様では、免疫グロブリン融合体は、IgG分子のヒンジ、CH<sub>2</sub>及びCH<sub>3</sub>、又はヒンジ、CH<sub>1</sub>、CH<sub>2</sub>及びCH<sub>3</sub>領域を含む。免疫グロブリン融合体の製造については、1995年6月27日発行の米国特許第5428130号を参照のこと。

20

## 【0236】

## I. 抗TAT抗体及びTATポリペプチドの調製

以下の説明は、主として、抗TAT抗体及びTATポリペプチドコード化核酸を含むベクターで形質転換又は形質移入された細胞を培養することにより抗TAT抗体及びTATポリペプチドを産生させる方法に関する。勿論、当該分野においてよく知られている他の方法を用いて抗TAT抗体及びTATポリペプチドを調製することができると考えられている。例えば、適切なアミノ酸配列、又はその一部分を、固相技術を用いた直接ペプチド合成によって生成してもよい [例えば、Stewart等, Solid-Phase Peptide Synthesis, W. H. Freeman Co., サンフランシスコ, カリフォルニア(1969); Merrifield, J. Am. Chem. Soc., 85:2149-2154(1963)参照]。手動技術又は自動を使用することによってインビトロタンパク質合成を行ってもよい。自動合成は、例えば、アプライド・バイオシステムズ・ペプチド合成機(フォスターシティー, カリフォルニア)を用いて、製造者の指示によって実施してもよい。抗TAT抗体又はTATポリペプチドの種々の部分を別々に化学的に合成し、化学的又は酵素的な方法を用いて結合させて所望する抗TAT抗体又はTATポリペプチドを生成させてもよい。

30

40

## 【0237】

## 1. 抗TAT抗体又はTATポリペプチドをコードするDNAの単離

抗TAT抗体又はTATポリペプチドをコードするDNAは、抗TAT抗体又はTATポリペプチドmRNAを保有してそれを検出可能なレベルで発現すると考えられる組織から調製されたcDNAライブラリーから得ることができる。従って、ヒト抗TAT抗体又はTATポリペプチドDNAは、ヒトの組織から調製されたcDNAライブラリーから簡便に得ることができる。また抗TAT抗体又はTATポリペプチド-コード化遺伝子は、ゲノムライブラリーから又は公知の合成方法(例えば、自動核酸合成)により得ることもできる。

## 【0238】

50

ライブラリーは、対象となる遺伝子あるいはその遺伝子によりコードされるタンパク質を同定するために設計されたプローブ(少なくとも約20-80塩基のオリゴヌクレオチド等)によってスクリーニングできる。選択されたプローブによるcDNA又はゲノムライブラリーのスクリーニングは、例えばSambrook等, Molecular Cloning: A Laboratory Manual(New York: Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1989)に記載されている標準的な手順を使用して実施することができる。抗TAT抗体又はTATポリペプチドをコードする遺伝子を単離する他の方法は、PCR法を使用するものである[Sambrook等, 上掲; Dieffenbach等, PCR Primer: A Laboratory Manual(Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1995)]。

#### 【0239】

cDNAライブラリーをスクリーニングするための技術は、当該分野で良く知られている。プローブとして選択されたオリゴヌクレオチド配列は、疑陽性が最小化されるよう十分な長さであり、十分に明瞭でなければならない。オリゴヌクレオチドは、スクリーニングされるライブラリー内のDNAとのハイブリダイゼーション時に検出可能であるように標識されていることが好ましい。標識化の方法は当該分野において良く知られており、<sup>3</sup><sup>2</sup>P標識ATPのような放射線標識、ビオチン化あるいは酵素標識の使用を含む。中程度のストリンジェンシー及び高度のストリンジェンシーを含むハイブリダイゼーション条件は、上掲のSambrookら、に示されている。

#### 【0240】

このようなライブラリースクリーニング法において同定された配列は、GenBankらの公共データベース又は他の個人の配列データベースに寄託され利用可能となっている他の周知の配列と比較及びアラインメントすることができる。分子の決定された領域内の又は完全長配列にわたっての(アミノ酸又はヌクレオチドレベルのいずれかでの)配列同一性は、当該分野で知られた、及びここに記載した方法を用いて決定することができる。

#### 【0241】

タンパク質コード化配列を有する核酸は、初めてここで開示された推定アミノ酸配列を使用し、また必要ならば、cDNAに逆転写されていないmRNAの生成中間体及び先駆物質を検出する上掲のSambrook等に記述されているような従来プライマー伸展法を使用して、選択されたcDNA又はゲノムライブラリーをスクリーニングすることによって得られる。

#### 【0242】

##### 2. 宿主細胞の選択及び形質転換

宿主細胞を、ここに記載した抗TAT抗体又はTATポリペプチド生成のための発現又はクローニングベクターで形質移入又は形質転換し、プロモーターを誘導し、形質転換体を選択し、又は所望の配列をコードする遺伝子を増幅するために適当に変性された常套的栄養培地で培養する。培養条件、例えば培地、温度、pH等々は、過度の実験をすることなく当業者が選ぶことができる。一般に、細胞培養の生産性を最大にするための原理、プロトコール、及び実用技術は、Mammalian Cell Biotechnology: a Practical Approach, M. Butler編 (IRL Press, 1991)及び上掲のSambrook等に見出すことができる。

#### 【0243】

真核生物細胞形質移入及び原核生物細胞形質転換の方法、例えば、CaCl<sub>2</sub>、CaPO<sub>4</sub>、リポソーム媒介及びエレクトロポレーションは当業者に知られている。用いられる宿主細胞に応じて、その細胞に対して適した標準的な方法を用いて形質転換はなされる。前掲のSambrook等に記載された塩化カルシウムを用いるカルシウム処理又はエレクトロポレーションが、一般的に原核生物に対して用いられる。アグロバクテリウム・トゥメファシエンスによる感染が、Shaw等, Gene, 23:315(1983)及び1989年6月29日公開の国際公開89/05859に記載されているように、或る種の植物細胞の形質転換に用いられる。このような細胞壁のない哺乳動物の細胞に対しては、Graham及びvan der Eb, Virology, 52:456-457 (1978)のリン酸カルシウム沈降法が用いられる。哺乳動物細胞の宿主系形質転換の一般的な態様は米国特許第4399216号に記載されている。酵母菌中へ

10

20

30

40

50

の形質転換は、典型的には、Van Solingen等, J. Bact., 130:946 (1977)及びHsiao等, Proc. Natl. Acad. Sci. (USA), 76:3829 (1979)の方法に従って実施される。しかしながら、DNAを細胞中に導入する他の方法、例えば、核マイクロインジェクション、エレクトロポレーション、無傷の細胞、又はポリカチオン、例えばポリブレン、ポリオルニチン等を用いる細菌プロトプラスト融合もまた用いることもできる。哺乳動物細胞を形質転換するための種々の技術については、Keown等, Methods in Enzymology, 185:527-537 (1990)及びMansour等, Nature, 336:348-352 (1988)を参照のこと。

#### 【0244】

ここに記載のベクターにDNAをクローニングあるいは発現するために適切な宿主細胞は、原核生物、酵母菌、又は高等真核生物細胞である。適切な原核生物には、限定するものではないが、真正細菌、例えばグラム陰性又はグラム陽性微生物、例えば大腸菌のような腸内細菌科が含まれる。種々の大腸菌株が公に利用可能であり、例えば、大腸菌K12株MM294(ATCC31446);大腸菌X1776(ATCC31537);大腸菌株W3110(ATCC27325)及びK5772(ATCC53635)である。他の好ましい原核動物宿主細胞は、大腸菌属、例えば大腸菌(*E. coli*)、エンテロバクター、エルビニア(*Erwinia*)、クレブシエラ(*Klebsiella*)、プロテウス(*Proteus*)、サルモネラ、例えばネズミチフス菌(*Salmonella Typhimurium*)、セラチア、例えばセラチア・マルセサンス(*Serratia marcescans*)、及び赤痢菌、並びに桿菌、例えばバチルス・スプチルス(*B. subtilis*)及びバチルス・リチェニフォルミス(*B. licheniformis*) (例えば、1989年4月12日発行のDD266710に記載されたバチルス・リチェニフォルミス41P)、シュドモナス、例えば緑膿菌及びストレプトマイセスなどの腸内細菌科を含む。これらの例は限定ではなく例示である。株W3110は、組換えDNA生成物発酵のための共通の宿主株であるので一つの特に好ましい宿主又は親宿主である。好ましくは、宿主細胞は最小量のタンパク質分解酵素を分泌する。例えば、株W3110を、宿主にとって内因性のタンパク質をコードする遺伝子の遺伝子変異をもたらすように修飾してもよく、そのような宿主の例としては、完全な遺伝子型tonAを有する大腸菌W3110株1A2;完全な遺伝子型tonA ptr3を有する大腸菌W3110株9E4;完全な遺伝子型tonA ptr3 phoA E15 (argF-lac)169 degP ompT kan<sup>r</sup>を有する大腸菌W3110株27C7(ATCC 55,244);完全な遺伝子型tonA ptr3 phoA E15 (argF-lac)169 degP ompT rbs7 ilvG kan<sup>r</sup>を有する大腸菌W3110株37D6;非カナマイシン耐性degP欠失変異を持つ37D6株である大腸菌W3110株40B4;及び1990年8月7日発行の米国特許第4946783号に開示された変異周辺質プロテアーゼを有する大腸菌株を含む。あるいは、クローニングのインビトロ法、例えばPCR又は他の核酸ポリメラーゼ反応が好ましい。

#### 【0245】

完全長抗体、抗体断片、及び抗体融合タンパク質は、治療用の抗体が細胞傷害剤(例えば、毒素)と結合し、その免疫コンジュゲートそのものが腫瘍細胞の破壊において有効性を示す場合など、特にグリコシル化及びFcエフェクター機能が不要な場合に、細菌で産生させることができる。完全長抗体は、血液循環でより長い半減期を有する。大腸菌での産生が、より迅速でより費用効率的である。細菌での抗体断片及びポリペプチドの発現については、例えば、米国特許第5648237号(Carter等)、米国特許第5789199号(Joly等)、及び翻訳開始部位(TIR)及び発現と分泌を最適化するシグナル配列を記載している米国特許第5840523号(Simmons等)を参照のこと。これら特許は、ここに参考文献として取り入れられている。発現の後、抗体は、大腸菌細胞ペーストから可溶性分画へ分離し、例えば、アイソタイプによってプロテインA又はGカラムを介して精製することができる。最終精製は、例えば、CHO細胞で発現させた抗体を精製するための工程と同じようにして行うことができる。

#### 【0246】

原核生物に加えて、糸状菌又は酵母菌のような真核微生物は、抗TAT抗体又はTAT

10

20

30

40

50

ポリペプチドコード化ベクターのための適切なクローニング又は発現宿主である。サッカロミセス・セレヴィシヤは、通常用いられる下等真核生物宿主微生物である。他に、シゾサッカロミセス・ポンベ(*Schizosaccharomyces pombe*) (Beach及びNurse, *Nature*, 290: 140 [1981]; 1985年5月2日公開の欧州特許第139383号); クリュイペロミセス宿主(*Kluyveromyces hosts*) (米国特許第4943529号; Flee等, *Bio/Technology*, 9: 968-975 (1991)), 例えばクリュイペロミセスラクチス(*K. lactis*) (MW98-8C, CBS 683, CBS4574; Louvencourt等, *J. Bacteriol.*, 154(2): 737-742 [1983]), クリュイペロミセス・フラギリス(*K. fragilis*) (ATCC 12424)、クリュイペロミセス・ブルガリクス(*K. bulgaricus*) (ATCC 16045)、クリュイペロミセス・ウイケラミイ(*K. wickerhamii*) (ATCC 24178)、クリュイペロミセス・ワルチイ(*K. waltii*) (ATCC 56500)、クリュイペロミセス・ドロソフィラルム(*K. drosophilum*) (ATCC 36906; Van den Berg等, *Bio/Technology*, 8: 135 (1990)), クリュイペロミセス・テモトレランス(*K. thermotolerans*)及びクリュイペロミセス・マルキシアナス(*K. marxianus*); ヤロウイア(*Yarrowia*) (欧州特許第402226号); ピシア・パストリス(*Pichia pastoris*) (欧州特許第183070号; Sreekrishna等, *J. Basic Microbiol.*, 28: 265-278 [1988]); カンジダ; トリコデルマ・レーシア(*Trichoderma reesia*) (欧州特許第244234号); アカパンカピ(Case等, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 76: 5259-5263 [1979]); シュワニオマイセス(*Schwanniomyces*)、例えばシュワニオマイセス・オクシデンタリス(*Schwanniomyces occidentalis*) (1990年10月31日公開の欧州特許第394538号); 及び糸状真菌、例えば、ニューロスボラ、ペニシリウム、トリポクラジウム(*Tolyposcladium*) (1991年1月10日公開の国際公開91/00357); 及びアスペルギルス宿主、例えばアスペルギルス・ニダランス(Ballance等, *Biochem. Biophys. Res. Commun.*, 112: 284-289 [1983]; Tilburn等, *Gene*, 26: 205-221 [1983]; Yelton等, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 81: 1470-1474 [1984])及びアスペルギルス・ニガー(Kelly及びHynes, *EMBO J.*, 4: 475-479 [1985])が含まれる。ここで好ましいメチロトロピック(C1化合物資化性、Methylotropic)酵母は、これらに限られないが、ハンセヌラ(*Hansenula*)、カンジダ、クロエケラ(*Kloeckera*)、ピシア(*Pichia*)、サッカロミセス、トルロプシス(*Torulopsis*)、及びロドトルラ(*Rhodotorula*)からなる属から選択されたメタノールで成長可能な酵母を含む。この酵母の分類の例示である特定の種のリストは、C. Anthony, *The Biochemistry of Methylotrophs*, 269 (1982)に記載されている。

#### 【0247】

グリコシル化抗TAT抗体又はTATポリペプチドの発現に適した宿主細胞は、多細胞生物から由来のものである。非脊椎動物細胞の例には、植物細胞、例えば綿、トウモロコシ、ジャガイモ、大豆、ペチュニア、トマト及びタバコの細胞培養と同様に、ショウジョウバエS2及びヨトウ(*Spodoptera sf9*)等の昆虫細胞が含まれる。多くのバキュロウイルス株及び変異体、及びヨトウガ(*Spodoptera frugiperda*) (幼虫(caterpillar))、ネッタイシマカ(蚊)、ヒトスジシマカ(蚊)、キイロショウジョウバエ(ショウジョウバエ)、及びカイコ等の宿主に対応する許容性昆虫宿主細胞が同定されている。種々のトランスフェクション用のウイルス株、例えばオートグラフィア・カルフォルニカ(*Autographa californica*) NPVのL-1変異株、カイコNPVのBm-5株が公に入手でき、このようなウイルスは、本発明に係るウイルスとして、特に、ヨトウガ細胞のトランスフェクションのために使用してもよい。

#### 【0248】

しかし、最大の関心は脊椎動物細胞に向けられ、培養(組織培養)した脊椎動物細胞の増殖がルーチン作業となった。有用な哺乳動物宿主細胞株の例は、SV40(COS-7, ATCC CRL 1651)で形質転換させたサル腎CV1細胞株; ヒト胚芽腎細胞株(293又は懸濁培養で成長するようにサブクローン化された293細胞, Graham等, *J. Gen. Virol.*, 36:59 (1977)); ベビーハムスター腎細胞(BHK, ATCC CCL 10); チャイニーズハムスター卵巣細胞/ - DHFR (CHO, Urlaub等, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA* 77:

4216 (1980)); マウスセルトリ細胞 (T M 4, Mather, Biol.Reprod., 23: 243-251 (1980)); サル腎細胞 (C V 1 A T C C C C L 7 0); アフリカミドリザル腎細胞 (V E R O - 7 6, A T C C C R L - 1 5 8 7); ヒト頸管腫瘍細胞 (H E L A, A T C C C C L 2); イヌ腎細胞 (M D C K, A T C C C C L 3 4); パッファローラット肝細胞 (B R L 3 A, A T C C C R L 1 4 4 2); ヒト肺細胞 (W 1 3 8, A T C C C C L 7 5); ヒト肝細胞 (H e p G 2, H B 8 0 6 5); マウス乳房腫瘍細胞 (M M T 0 6 0 5 6 2, A T C C C C L 5 1); T R I 細胞 (Mather 等, Annals N.Y.Acad.Sci., 383:44-68 (1982)); M R C 5 細胞; F S 4 細胞; 及びヒト肝臓癌細胞 (H e p G 2) である。

#### 【0249】

宿主細胞は、抗 T A T 抗体又は T A T ポリペプチド生成のために上述の発現又はクローニングベクターで形質転換され、プロモーターを誘発し、形質転換体を選出し、又は所望の配列をコードする遺伝子を増幅するために適切に修正した通常の栄養培地で培養される。

10

#### 【0250】

##### 3. 複製可能なベクターの選択及び使用

抗 T A T 抗体又は T A T ポリペプチドをコードする核酸 (例えば、c D N A 又はゲノム D N A) は、クローニング (D N A の増幅) 又は発現のために複製可能なベクター内に挿入される。様々なベクターが公的に入手可能である。ベクターは、例えば、プラスミド、コスミド、ウイルス粒子、又はファージの形態とすることができる。適切な核酸配列が、種々の手法によってベクターに挿入される。一般に、D N A はこの分野で周知の技術を用いて適当な制限エンドヌクレアーゼ部位に挿入される。ベクター成分としては、一般に、これらに制限されるものではないが、一又は複数のシグナル配列、複製開始点、一又は複数のマーカー遺伝子、エンハンサーエレメント、プロモーター、及び転写終結配列を含む。これらの成分の一又は複数を含む適当なベクターの作成には、当業者に知られた標準的なライゲーション技術を用いる。

20

#### 【0251】

T A T は直接的に組換え手法によって生成されるだけでなく、シグナル配列あるいは成熟タンパク質あるいはポリペプチドの N-末端に特異的切断部位を有する他のポリペプチドである異種性ポリペプチドとの融合ペプチドとしても生成される。一般に、シグナル配列はベクターの成分であるか、ベクターに挿入される抗 T A T 抗体又は T A T ポリペプチド-コード化 D N A の一部である。シグナル配列は、例えばアルカリフォスターゼ、ペニシリナーゼ、l p p あるいは熱安定性エンテロトキシン I E リーダーの群から選択される原核生物シグナル配列であってよい。酵母の分泌に関しては、シグナル配列は、酵母インベルターゼリーダー、アルファ因子リーダー (酵母菌属 (Saccharomyces) 及びクリュイペロミセス (Kluyveromyces) 因子リーダーを含み、後者は米国特許第 5 0 1 0 1 8 2 号に記載されている)、又は酸ホスフォターゼリーダー、カンジダ・アルビカンス (C.albicans) グルコアミラーゼリーダー (1990年4月4日発行の欧州特許第 3 6 2 1 7 9 号)、又は 1990年11月15日に公開された国際公開 9 0 / 1 3 6 4 6 に記載されているシグナルであり得る。哺乳動物細胞の発現においては、哺乳動物シグナル配列は、同一あるいは関連種の分泌ポリペプチド由来のシグナル配列並びにウイルス分泌リーダーのようなタンパク質の直接分泌に使用してもよい。

30

40

#### 【0252】

発現及びクローニングベクターは共に一又は複数の選択された宿主細胞においてベクターの複製を可能にする核酸配列を含む。そのような配列は多くの細菌、酵母及びウイルスについてよく知られている。プラスミド p B R 3 2 2 に由来する複製開始点は大部分のグラム陰性細菌に好適であり、2  $\mu$  プラスミド開始点は酵母に適しており、様々なウイルス開始点 (S V 4 0、ポリオーマ、アデノウイルス、V S V 又は B P V) は哺乳動物細胞におけるクローニングベクターに有用である。

#### 【0253】

発現及びクローニングベクターは、典型的には、選べるマーカーとも称される選択遺伝

50

子を含む。典型的な選択遺伝子は、(a)アンピシリン、ネオマイシン、メトトレキセートあるいはテトラサイクリンのような抗生物質あるいは他の毒素に耐性を与え、(b)栄養要求性欠陥を補い、又は(c)複合培地から得られない重要な栄養素を供給するタンパク質をコードしており、例えばパシリのD-アラニンラセマーゼをコードする遺伝子がある。

#### 【0254】

哺乳動物細胞に適切な選べるマーカーの例は、DHFRあるいはチミジンキナーゼのように、抗TAT抗体又はTATポリペプチド-コード化核酸を取り込むことのできる細胞成分を同定することのできるものである。野生型DHFRを用いた場合の好適な宿主細胞は、Urlaub等により、Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 77:4216 (1980)に記載されているようにして調製され増殖されたDHFR活性に欠陥のあるCHO株化細胞である。酵母菌中での使用に好適な選択遺伝子は酵母プラスミドYRp7に存在するtrp1遺伝子である [Stinchcomb等, Nature, 282:39(1979); Kingsman等, Gene, 7:141(1979); Tschemper等, Gene, 10:157(1980)]。trp1遺伝子は、例えば、ATCC番号44076あるいはPEP4-1のようなトリプトファンで成長する能力を欠く酵母菌の突然変異株に対する選択マーカーを提供する [Jones, Genetics, 85:12 (1977)]。

10

#### 【0255】

発現及びクローニングベクターは、通常、抗TAT抗体又はTATポリペプチド-コード化核酸配列に作用可能に結合し、mRNA合成を方向付けるプロモーターを含む。種々の有能な宿主細胞により認識されるプロモーターが知られている。原核生物宿主との使用に適したプロモーターは、-ラクタマーゼ及びラクトースプロモーター系 [Chang等, Nature, 275:615 (1978); Goeddel等, Nature, 281:544 (1979)]、アルカリフォスファターゼ、トリプトファン(trp)プロモーター系 [Goeddel, Nucleic Acids Res., 8:4057 (1980)]; 欧州特許第36776号]、及びハイブリッドプロモーター、例えばtacプロモーター [deBoer等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 80:21-25 (1983)]を含む。細菌系で使用するプロモーターもまた抗TAT抗体又はTATポリペプチドをコードするDNAと作用可能に結合したシャイン・ダルガーノ(S.D.)配列を有する。

20

#### 【0256】

酵母宿主との使用に適したプロモーター配列の例としては、3-ホスホグリセラートキナーゼ [Hitzeman等, J. Biol. Chem., 255:2073 (1980)]又は他の糖分解酵素 [Hess等, J. Adv. Enzyme Reg., 7:149 (1968); Holland, Biochemistry, 17:4900(1978)]、例えばエノラーゼ、グリセルアルデヒド-3-リン酸デヒドロゲナーゼ、ヘキソキナーゼ、ピルビン酸デカルボキシラーゼ、ホスホフルクトキナーゼ、グルコース-6-リン酸イソメラーゼ、3-ホスホグリセレートムターゼ、ピルビン酸キナーゼ、トリオセリン酸イソメラーゼ、ホスホグルコースイソメラーゼ、及びグルコキナーゼが含まれる。

30

#### 【0257】

他の酵母プロモーターとしては、成長条件によって転写が制御される付加的効果を有する誘発的プロモーターであり、アルコールデヒドロゲナーゼ2、イソチトクロムC、酸フォスファターゼ、窒素代謝と関連する分解性酵素、メタロチオネイン、グリセルアルデヒド-3-リン酸デヒドロゲナーゼ、及びマルトース及びガラクトースの利用を支配する酵素のプロモーター領域がある。酵母菌での発現に好適に用いられるベクターとプロモーターは欧州特許第73657号に更に記載されている。

40

#### 【0258】

哺乳動物の宿主細胞におけるベクターからの抗TAT抗体又はTATポリペプチド転写は、例えば、ポリオーマウイルス、伝染性上皮腫ウイルス(1989年7月5日公開の英国特許第2211504号)、アデノウイルス(例えばアデノウイルス2)、ウシ乳頭腫ウイルス、トリ肉腫ウイルス、サイトメガロウイルス、レトロウイルス、B型肝炎ウイルス及びサルウイルス40(SV40)のようなウイルスのゲノムから得られるプロモーター、異種性哺乳動物プロモーター、例えばアクチンプロモーター又は免疫グロブリンプロモーター、及び熱衝撃プロモーターから得られるプロモーターによって、このようなプロモ

50

ーターが宿主細胞系に適合し得る限り制御される。

【0259】

より高等の真核生物による抗TAT抗体又はTATポリペプチドをコードするDNAの転写は、ベクター中にエンハンサー配列を挿入することによって増強され得る。エンハンサーは、通常は約10から300塩基対で、プロモーターに作用してその転写を増強するDNAのシス作用要素である。哺乳動物遺伝子由来の多くのエンハンサー配列が現在知られている(グロビン、エラスターゼ、アルブミン、 $\alpha$ -フェトプロテイン及びインスリン)。しかしながら、典型的には、真核細胞ウイルス由来のエンハンサーが用いられるであろう。例としては、複製開始点の後期側のSV40エンハンサー(100-270塩基対)、サイトメガロウイルス初期プロモーターエンハンサー、複製開始点の後期側のポリオーマエンハンサー及びアデノウイルスエンハンサーが含まれる。エンハンサーは、抗TAT抗体又はTATポリペプチドコード化配列の5'又は3'位でベクター中にスプライシングされ得るが、好ましくはプロモーターから5'位に位置している。

10

【0260】

また真核生物宿主細胞(酵母、真菌、昆虫、植物、動物、ヒト、又は他の多細胞生物由来の有核細胞)に用いられる発現ベクターは、転写の終結及びmRNAの安定化に必要な配列も含む。このような配列は、真核生物又はウイルスのDNA又はcDNAの通常は5'、時には3'の非翻訳領域から取得できる。これらの領域は、抗TAT抗体又はTATポリペプチドをコードするmRNAの非翻訳部分にポリアデニル化断片として転写されるヌクレオチドセグメントを含む。

20

【0261】

組換え脊椎動物細胞培養での抗TAT抗体又はTATポリペプチドの合成に適応化するのに適切な他の方法、ベクター及び宿主細胞は、Gething等, Nature, 293:620-625 (1981); Mantei等, Nature, 281:40-46 (1979); 欧州特許第117060号; 及び欧州特許第117058号に記載されている。

【0262】

4. 宿主細胞の培養

本発明の抗TAT抗体又はTATポリペプチドを生成するために用いられる宿主細胞は種々の培地において培養することができる。市販培地の例としては、ハム(Ham)のF10(シグマ)、最小必須培地((MEM),シグマ)、RPMI-1640(シグマ)及びダルベッコの改良イーグル培地((DMEM),シグマ)が宿主細胞の培養に好適である。また、Ham等, Meth. Enz. 58:44 (1979), Barnes等, Anal. Biochem. 102:255 (1980), 米国特許第4767704号; 同4657866号; 同4927762号; 同4560655号; 又は同5122469号; 国際公開第90/03430号; 国際公開第87/00195号; 又は米国特許再発行第30985号に記載された任意の培地も宿主細胞に対する培養培地として使用できる。これらの培地はいずれも、ホルモン及び/又は他の成長因子(例えばインスリン、トランスフェリン、又は表皮成長因子)、塩類(例えば、塩化ナトリウム、カルシウム、マグネシウム及びリン酸塩)、バッファー(例えばHEPES)、ヌクレオシド(例えばアデノシン及びチミジン)、抗生物質(例えば、ゲンタマイシン(商品名)薬)、微量元素(マイクロモル範囲の最終濃度で通常は存在する無機化合物として定義される)及びグルコース又は同等のエネルギー源を必要に応じて補充することができる。任意の他の必要な補充物質もまた当業者に知られている適当な濃度で含まれてもよい。培養条件、例えば温度、pH等々は、発現のために選ばれた宿主細胞について以前から用いられているものであり、当業者には明らかであろう。

30

40

【0263】

5. 遺伝子増幅/発現の検出

遺伝子の増幅及び/又は発現は、ここで提供された配列に基づき、適切に標識されたプローブを用い、例えば、従来よりのサザンプロット法、mRNAの転写を定量化するノーザンプロット法[Thomas, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 77:5201-5205 (1980)]、ドットプロット法(DNA分析)、又はインサイツハイブリダイゼーションによって、直接的に試

50

料中で測定することができる。あるいは、DNA二本鎖、RNA二本鎖、及びDNA-RNAハイブリッド二本鎖又はDNA-タンパク二本鎖を含む、特異的二本鎖を認識することができる抗体を用いることもできる。次いで、抗体を標識し、アッセイを実施することができ、ここで二本鎖は表面に結合しており、その結果、表面での二本鎖の形成の時点でその二本鎖に結合した抗体の存在を検出することができる。

#### 【0264】

あるいは、遺伝子の発現は、遺伝子産物の発現を直接的に定量化する免疫学的な方法、例えば細胞又は組織切片の免疫組織化学的染色及び細胞培養又は体液のアッセイによって、測定することもできる。試料液の免疫組織化学的染色及び/又はアッセイに有用な抗体は、モノクローナルでもポリクローナルでもよく、任意の哺乳動物で調製することができる。簡便には、抗体は、天然配列TATポリペプチドに対して、又はここで提供されるDNA配列をベースとした合成ペプチドに対して、又はTAT DNAに融合し特異的抗体エピトープをコードする外因性配列に対して調製され得る。

#### 【0265】

##### 6. 抗TAT抗体及びTATポリペプチドの精製

抗TAT抗体及びTATポリペプチドの形態は、培地又は宿主細胞の溶菌液から回収することができる。膜結合性であるならば、適切な洗浄液(例えばトリトン-X100)を用いて又は酵素的切断により膜から引き離すことができる。抗TAT抗体及びTATポリペプチドの発現に用いられる細胞は、凍結融解サイクル、超音波処理、機械的破壊、又は細胞溶解剤などの種々の化学的又は物理的手段によって破壊することができる。

#### 【0266】

抗TAT抗体及びTATポリペプチドは、組換え細胞タンパク又はポリペプチドから精製することが望ましい。適切な精製手順の例である次の手順により精製される：すなわち、イオン交換カラムでの分画；エタノール沈殿；逆相HPLC；シリカ又はカチオン交換樹脂、例えばDEAEによるクロマトグラフィー；クロマトフォーカシング；SDS-PAGE；硫酸アンモニウム沈殿；例えばセファデックスG-75を用いるゲル濾過；IgGのような汚染物を除くプロテインAセファロースカラム；及び抗TAT抗体及びTATポリペプチドのエピトープタグ形態を結合させる金属キレート化カラムである。この分野で知られ、例えば、Deutscher, *Methods in Enzymology*, 182 (1990)；Scopes, *Protein Purification: Principles and Practice*, Springer-Verlag, New York (1982)に記載された多くのタンパク質精製方法を用いることができる。選ばれる精製過程は、例えば、用いられる生成方法及び特に生成される特定の抗TAT抗体又はTATポリペプチドの性質に依存する。

#### 【0267】

組換え技術を使用する場合、抗体は細胞内、細胞膜周辺腔内に生成されるか、又は培地に直接分泌され得る。抗体が細胞内に生成される場合、第1工程として、粒状屑、宿主細胞又は溶菌断片を、例えば遠心分離又は超遠心分離にかけて取り除く。Carter等, *Bio/Technology* 10:163-167(1992)は、大腸菌の細胞膜周辺腔に分泌される抗体を単離するための手順について記載している。簡単に述べると、細胞ペーストを酢酸ナトリウム(pH 3.5)、EDTA、及びフェニルメチルスルホニルフロリド(PMSF)の存在下で、30分以上かけて解凍する。細胞屑は遠心分離により除去することができる。抗体が培地へ分泌されている場合、そのような発現系からの上清は、一般的には、市販のタンパク質濃縮フィルター、例えばAmicon又はMillipore Pelliconの限外濾過ユニットを用いて最初に濃縮する。PMSFなどのプロテアーゼ阻害剤を上記の任意の工程に含めてタンパク質分解を阻害してもよく、抗生物質が外来性の汚染菌の増殖を防止するために含められ得る。

#### 【0268】

細胞から調製した抗体組成物は、例えば、ヒドロキシルアパタイトクロマトグラフィー、ゲル電気泳動、透析、及びアフィニティークロマトグラフィーを用いて精製でき、アフィニティークロマトグラフィーが好ましい精製技術である。アフィニティリガンドとして

の蛋白質 A の適合性は抗体に存在する免疫グロブリン Fc 領域の種及びアイソタイプに依存する。蛋白質 A は、ヒト 1、2、又は 4 重鎖に基づく抗体の精製に用いることができる (Lindmark 等, J. Immunol. Meth. 62: 1-13 [1983])。蛋白質 G は、全てのマウスアイソタイプ及びヒト 3 に推奨されている (Guss 等, EMBO J. 5: 15671-575 [1986])。アフィニティリガンドが結合されるマトリクスはアガロースであることが最も多いが、他の材料も使用可能である。孔制御ガラスやポリ(スチレンジビニル)ベンゼン等の機械的に安定なマトリクスは、アガロースで達成できるものより早い流速及び短い処理時間を可能にする。抗体が C<sub>H</sub>3 ドメインを含む場合、Bakerbond ABX (商標) 樹脂 (J. T. Baker, Phillipsburg, NJ) が精製に有用である。イオン交換カラムでの分画、エタノール沈殿、逆相 HPLC、シリカ上のクロマトグラフィー、アニオン又はカチオン交換樹脂 (ポリアスパラギン酸カラム) 上でのヘパリン SEPHAROSE (商品名) クロマトグラフィー、クロマトフォーカシング、SDS-PAGE、及び硫酸アンモニウム沈殿などの他のタンパク質精製技術も、回収される抗体に応じて利用可能である。

10

## 【0269】

任意の予備精製工程に続いて、対象とする抗体と汚染物とを含む混合物に、約 2.5 - 4.5 の pH での溶離バッファーを用いて、低 pH 疎水性相互作用クロマトグラフィーを施してもよく、好ましくは低い塩濃度 (例えば、約 0 - 0.25 M 塩) で実施される。

## 【0270】

## J. 製薬製剤

本発明に係る抗 TAT 抗体、TAT 結合オリゴペプチド、TAT 結合有機分子及び/又は TAT ポリペプチドの治療的製剤は、所望される程度の純度を持つ抗体、ポリペプチド、オリゴペプチド又は有機分子を凍結乾燥製剤又は水性溶液の形態で、最適な製薬上許容される担体、賦形剤又は安定化剤と混合することにより調製され保存される (Remington's Pharmaceutical Sciences 16th 版, Osol, A. 編. [1980])。許容される担体、賦形剤、又は安定化剤は、用いられる用量及び濃度で受容者に非毒性であり、酢酸、Tris、リン酸、クエン酸、及び他の有機酸などの緩衝液; アスコルビン酸及びメチオニンを含む酸化防止剤; 防腐剤 (オクタデシルジメチルベンジルアンモニウムクロライド; ヘキサメトニウムクロライド; ベンズアルコニウムクロライド、ベンズエトニウムクロライド; フェノール、ブチル又はベンジルアルコール; メチル又はプロピルパラベン等のアルキルパラベン; カテコール; レゾルシノール; シクロヘキサノール; 3-ペンタノール; 及び m-クレゾールなど); 低分子量 (約 10 残基未満) ポリペプチド; 血清アルブミン、ゼラチン、又は免疫グロブリン等のタンパク質; ポリビニルピロリドン等の親水性ポリマー; グリシン、グルタミン、アスパラギン、ヒスチジン、アルギニン、又はリジン等のアミノ酸; グルコース、マンノース、又はデキストリンを含む単糖類、二糖類、及び他の炭水化物; EDTA 等のキレート剤; トレハロース及び塩化ナトリウムなどのトニシファイヤー; スクロース、マンニトール、トレハロース又はソルビトールなどの糖; ポリソルベート等の界面活性剤; ナトリウムなどの塩形成対イオン; 金属錯体 (例えば、Zn-タンパク質錯体); 及び/又はトゥイーン (TWEEN) (登録商標)、プルロニクス (PLURONICS) (登録商標)、又はポリエチレングリコール (PEG) 等の非イオン性界面活性剤を含む。抗体は、好ましくは 5 - 200 mg/ml の間、好ましくは 10 - 100 mg/ml の間の濃度の抗体で構成される。

20

30

40

## 【0271】

ここでの製剤は、また、治療すべき特定の徴候の必要に応じて一以上の活性化化合物、好ましくは互いに悪影響を及ぼさない相補的活性を持つものも含んでよい。例えば、抗 TAT 抗体、TAT 結合オリゴペプチド又は TAT 結合有機分子に加えて、1つの製剤に、例えば、TAT ポリペプチド上の異なるエピトープと結合する第二抗 TAT 抗体、又は特定の癌の増殖に影響を与える成長因子のような何らかの他の標的に対する抗体を含めることは望ましい。あるいは、又はさらに、この組成物は、更に化学療法剤、細胞障害性剤、サイトカイン、増殖阻害剤、抗-ホルモン剤、及び/又は心臓保護剤を含んでもよい。この

50

ような分子は、意図する目的にとって有効な量の組み合わせで適切に存在する。

また、活性成分は、例えばコアセルベーション技術により又は界面重合により調製されたマイクロカプセル、例えば、各々ヒドロキシメチルセルロース又はゼラチン-マイクロカプセル及びポリ(メタクリル酸メチル)マイクロカプセル中、コロイド状薬物送達系(例えば、リポソーム、アルブミン小球、マイクロエマルジョン、ナノ粒子及びナノカプセル)中、又はマイクロエマルジョン中に包括されていてもよい。これらの技術は、Remington's Pharmaceutical Sciences 16th edition, Osol, A. Ed. (1980)に開示されている。

【0272】

徐放性製剤を調製してもよい。徐放性製剤の好適な例は、抗体を含有する固体疎水性ポリマーの半透性マトリクスを含み、このマトリクスは成形された物品、例えばフィルム、又はマイクロカプセルの形状である。徐放性マトリクスの例には、ポリエステル、ヒドロゲル(例えば、ポリ(2-ヒドロキシエチル-メタクリレート)又はポリ(ビニルアルコール))、ポリアクチド(米国特許第3773919号)、L-グルタミン酸及びエチル-L-グルタメートのコポリマー、非分解性エチレン-酢酸ビニル、LUPRON DEPOT(登録商標)(乳酸-グリコール酸コポリマーと酢酸リュープロリドの注射可能な小球)などの分解性乳酸-グリコール酸コポリマー、ポリ-(D)-(-)-3-ヒドロキシブチル酸が含まれる。

10

【0273】

インビボ投与に使用される製剤は無菌でなければならない。これは、滅菌濾過膜を通した濾過により容易に達成される。

20

【0274】

K. 抗TAT抗体、TAT結合オリゴペプチド又はTAT結合有機分子を用いる診断及び治療

癌におけるTAT発現を定量するために、種々の診断アッセイが利用可能である。一実施態様では、TATポリペプチド過剰発現は、免疫組織化学(IHC)によって分析される。腫瘍生検からのパラフィン包埋組織切片をIHCアッセイへ供してもよいし、次のようなTATタンパク質染色強度基準と合致させてもよい:

スコア0 - 染色が観察されないか、又は膜染色が腫瘍細胞の10%未満で観察される。

30

スコア1+ - わずかに/弱く認知できる程度の膜染色が腫瘍細胞の10%を越えて検出される。細胞はそれらの膜の一部のみが染色される。

スコア2+ - 弱いないしは中程度の完全な膜染色が腫瘍細胞の10%を越えて観察される。

スコア3+ - 中程度から強い完全な膜染色が腫瘍細胞の10%を越えて観察される。

TATポリペプチド発現に関して0又は1+スコアの腫瘍は、TATが過剰発現していないことを特徴としうるものであるのに対し、2+又は3+スコアの腫瘍はTATが過剰発現していることを特徴としうる。

【0275】

別に、又は付加的に、FISHアッセイ、例えばINFORM(登録商標)(Ventana, Arizonaから販売)又はPATHVISION(登録商標)(Vysis, Illinois)を、ホルマリン固定、パラフィン包埋された腫瘍組織で実施して、腫瘍におけるTAT過剰発現の程度(生じているならば)を測定してもよい。

40

【0276】

TAT過剰発現又は増幅は、インビボ診断アッセイを使用して評価することができ、例えば検出される分子に結合し、検出可能な標識(例えば、放射性同位体又は蛍光標識)が付けられた分子(例えば抗体、オリゴペプチド又は有機分子)を投与し、標識の局在化について患者を外部スキャンニングする。

【0277】

上に記載したように、本発明の抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子には、種々

50

の非治療的用途がある。本発明の抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、TATポリペプチドを発現している癌の診断及び染色にとって有用である（例えば、ラジオイメージングで）。他の細胞の精製の工程として、混合細胞の集団からTAT発現細胞を死滅させて除去するために、この抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、また、例えば、ELISA又はウエスタンブロットにおいて、インビトロでTATポリペプチドの検出及び定量のために、細胞からTATポリペプチドを精製又は免疫沈降するのに有用である。

#### 【0278】

現在、癌の段階に応じて、癌の治療には、次の治療：外科手術による癌組織の除去、放射線治療、及び化学治療の一つ、又はそれらを組合せたものが含まれる。抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子による治療は、特に、化学治療における副作用や毒素に対する耐性がない老年の患者、及び放射線治療の有用性に限界がある転移性疾患において所望されている。本発明の腫瘍標的化抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、疾患の初期診断時及び再発中におけるTAT-発現癌の緩和に有用である。治療用途に関しては、抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、単独で、あるいは例えば、ホルモン、抗血管形成、又は放射線標識された化合物と共に、又は外科手術、寒冷療法、及び/又は放射線治療と組み合わせてもよく、使用してもよい。抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子による治療は、従来の治療の前又は後のいずれかに連続させて、他の形態の従来の治療と共に実施することができる。化学療法剤、例えばタキソテレ(登録商標)(ドセタキセル)、タキソール(登録商標)(パリクタキセル)、エストラムスチン及びミトキサントロンは、癌、特に危険性の少ない患者の癌治療に使用される。癌を治療又は緩和するための本発明の方法において、上述した一又は複数の化学療法剤による治療と組合せて、癌患者に抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を投与することができる。特に、パリクタキセル及び改変誘導体との組合せ治療が考えられる(例えば、欧州特許第0600517号を参照のこと)。抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子は治療的有効量の化学療法剤と共に投与されるであろう。他の実施態様では、抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子は化学療法剤、例えばパクリタキセルの活性及び効力を高めるための化学治療と組合せて投与される。医師用卓上参考書(PDR)には、種々の癌治療に使用されるこれらの薬剤の用量が開示されている。治療的に有効な上述の化学療法剤の投薬計画及び用量は、治療される特定の癌、疾患の程度、及び当該技術分野の医師によく知られている他の因子に依存し、医師が決定することができる。

#### 【0279】

特定の一実施態様では、細胞障害性剤に結合した抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含有する毒素コンジュゲートを患者に投与する。好ましくは、TATタンパク質に結合した免疫コンジュゲートは細胞によりインターナリゼーションし、結果として、それが結合した癌細胞の殺傷性における免疫コンジュゲートの治療的効果が向上する。好ましい実施態様では、細胞障害性剤は、癌細胞内の核酸を標的とするか、又はこれに干渉する。このような細胞障害性剤の例は、上述されており、メイタンシノイド、カリケアマイシン、リボヌクレアーゼ及びDNAエンドヌクレアーゼを含む。

#### 【0280】

抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子又はその免疫コンジュゲートは、公知の方法、例えばボラス、もしくは一定時間にわたる連続注入による静脈内投与、筋肉内、腹腔内、脳脊髄内、皮下、関節内、滑液包内、くも膜下腔内、経口、局所的、又は吸入経路により、ヒトの患者に投与される。抗体、オリゴペプチド又は有機分子の静脈内又は皮下投与が好ましい。

#### 【0281】

他の治療計画を抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子の投与と組合せてもよい。組合せ投与には、別々の製剤又は単一の医薬製剤を使用する同時投与、及び好ましくは両方(又は全ての)活性剤が同時にその生物学的活性を働かせる時間があるいずれかの順での連続投与が含まれる。このような組合せ治療により、結果として相乗的治療効果が生じることが好ましい。

## 【0282】

また、特定の癌に関連した他の腫瘍抗原に対する抗体の投与と共に、抗TAT抗体又は抗体類、オリゴペプチド又は有機分子の投与を組合せることが望ましい。

## 【0283】

他の実施態様では、本発明の治療方法は、異なる化学療法剤の混合物の同時投与を含む、抗TAT抗体(又は抗体類)、オリゴペプチド又は有機分子と一又は複数の化学療法剤又は増殖阻害剤との組合せ投与を含む。化学療法剤には、リン酸エストラムスチン、プレドニムスチン、シスプラチン、5-フルオロウラシル、メルファラン、シクロホスファミド、ヒドロキシ尿素及びヒドロキシ尿素タキサン類(hydroxyureataxanes)(例えばパクリタキセル及びドキシタキセル)及び/又はアントラサイクリン抗生物質が含まれる。このような化学療法剤の調製及び投与スケジュールは製造者の注意書きに従い使用されるか、又は熟練した実務者により経験的に決定される。このような化学療法剤の調製及び投与スケジュールは、Chemotherapy Service編 M.C.Perry, Williams & Wilkins, Baltimore, MD(1992)にも記載されている。

10

## 【0284】

抗体、オリゴペプチド有機分子は、抗ホルモン化合物；例えばタモキシフェン等の抗-エストロゲン化合物；抗-プロゲステロン、例えばオナプリストン(onapristone)(欧州特許第616812号を参照)；又は抗アンドロゲン、例えばフルタミドを、このような分子に対して既知の用量で組合せてもよい。治療される癌がアンドロゲン非依存性癌である場合、患者は予め抗アンドロゲン治療を受け、癌がアンドロゲン非依存性になった後、抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子(及び場合によってはここに記載した他の薬剤)を患者に投与してもよい。

20

## 【0285】

しばしば、心臓保護剤(治療に関連する心筋の機能不全を防止又は低減するため)又は一又は複数のサイトカインを患者に同時投与することも有益なことである。上述した治療薬生に加えて、抗体、オリゴペプチド又は有機分子治療の前、同時又は治療後に、外科的に癌細胞を取り除くか、及び/又は放射線治療を施してもよい。上述した任意の同時投与される薬剤の適切な用量は現在使用されている量であり、抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子と薬剤の組合せ作用(相乗作用)に応じてより少なくしてもよい。

## 【0286】

疾患の予防又は治療のための投与量及び方式は、公知の基準に従い、医師により選択されるであろう。抗体、オリゴペプチド又は有機分子の適切な用量は、上記のような治療される疾患の種類、疾患の重症度及び過程、抗体、オリゴペプチド又は有機分子を予防目的で投与するのか治療目的で投与するのか、過去の治療、患者の臨床歴及び抗体、オリゴペプチド又は有機分子の応答性、手当てをする医師の裁量に依存するであろう。抗体、オリゴペプチド又は有機分子は一度に又は一連の処置にわたって患者に適切に投与される。好ましくは、抗体、オリゴペプチド又は有機分子は静脈注入又は皮下注射により投与される。疾患の種類及び重症度に応じて、例えば一又は複数の別個の投与又は連続注入のいずれであれ、体重1kg当たり約1µgないし50mg(例えば0.1-15mg/kg/用量)の抗体を患者への最初の投与量の候補とすることができる。投薬計画は、約4mg/kgの初期負荷量、続いて1週間に約2mg/kgの維持用量の抗TAT抗体を投与することからなってもよい。しかしながら、他の投薬計画も有効であろう。上述した因子に応じて、典型的な一日の投与量は約1µg/kgから100mg/kgあるいはそれ以上の範囲である。数日間又はそれ以上の繰り返し投与の場合、状態によっては、疾患の徴候の望ましい抑制が生じるまで処置を維持する。この治療の進行状態は、医師又は他の当業者に公知の基準をベースにした通常の方法やアッセイで容易にモニターされる。

30

40

## 【0287】

抗体タンパク質の患者への投与の他に、本出願は遺伝子治療による抗体の投与を考察する。抗体をコードする核酸の投与は「抗体を治療的有効量で投与する」という表現に含まれる。例えば、遺伝子治療を用いた細胞内抗体の産生に関する、1996年3月14日に

50

公開された国際公開第 9 6 / 0 7 3 2 1 号を参照のこと。

【 0 2 8 8 】

核酸（場合によってはベクター内に含まれたもの）を患者の細胞に入れるために：インビボ及びエキソビボという2つの主要な方法がある。インビボ送達では、核酸は、通常は抗体が必要とされている部位に直接注入される。エキソビボ処理では、患者の細胞を取り出し、核酸をこれらの単離された細胞に導入し、修飾された細胞を患者に、直接、又は例えば患者に埋め込まれる多孔性膜にカプセル化して投与する（米国特許第 4 8 9 2 5 3 8 号及び第 5 2 8 3 1 8 7 号参照）。核酸を生細胞に導入するために利用可能な種々の技術がある。これらの技術は、核酸が培養された細胞にインビトロで移入されるか、又は対象とする宿主にインビボで移入されるかによって異なる。哺乳動物細胞にインビトロで核酸を移入するのに適した技術は、リポソーム、エレクトロポレーション、マイクロインジェクション、細胞融合、D E A E -デキストラン、リン酸カルシウム沈降法などの使用を含む。遺伝子のエキソビボ送達に通常用いられるベクターはレトロウイルスベクターである。

10

【 0 2 8 9 】

現在好まれているインビボ核酸移入技術は、ウイルスベクター（例えば、アデノウイルス、単純ヘルペスウイルス、又はアデノ関連ウイルス）、及び脂質ベースの系（例えば、遺伝子の脂質媒介移入に有用な脂質は、D O T M A、D O P E、及びD C - C h o l である）での形質移入を含む。現在知られている遺伝子マーキング及び遺伝子治療プロトコールの概説については、Anderson等、Science, 256:808-813 (1992)を参照のこと。また、国際公開第 9 3 / 2 5 6 7 3 号及びそこに引用された参考文献も参照。

20

【 0 2 9 0 】

本発明の抗 T A T 抗体は、ここでの「抗体」の定義により包含される様々な形態であってよい。よって、抗体には、完全長又は無傷抗体、抗体断片、天然配列抗体又はアミノ酸変異体、ヒト化、キメラ又は融合抗体、免疫コンジュゲート、及びそれらの機能的断片が含まれる。融合抗体において、抗体配列は異種ポリペプチド配列に融合している。抗体は F c 領域が修飾されて、所望のエフェクター機能を提供することができる。以下の段落に詳細に記載されるように、適切な F c 領域と共に、細胞表面に結合したそのままの抗体は、例えば抗体-依存性細胞障害 (A D C C) を介して又は補体依存性細胞障害において補体を補充することにより、又は他のいくつかのメカニズムにより、細胞障害性を誘発し得る。また、副作用及び治療による合併症を最小にするようにエフェクター機能を除去又は低減することが望ましい場合には、所定の他の F c 領域が使用される。

30

【 0 2 9 1 】

一実施態様では、抗体は、本発明の抗体と同じエピトープとの結合に関して競合するか、又はこれに実質的に結合する。また、本発明の抗 T A T 抗体の生物学的特徴を有する抗体、特にインビボ腫瘍ターゲティング及び任意の細胞増殖阻害又は細胞障害特性を含むものが考察される。

上述した抗体の産生方法をここで詳細に記載する。

【 0 2 9 2 】

本抗 T A T 抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、哺乳動物における T A T -発現癌の治療又は一又は複数の癌の徴候の緩和に有用である。このような癌には、前立腺癌、尿道癌、肺癌、乳癌、結腸癌及び卵巣癌、特に前立腺癌腫 (p r o s t a t e a d e n o c a r c i n o m a)、腎細胞癌腫、結腸直腸腺癌、肺腺癌、肺細胞の扁平癌腫、及び胸膜中皮腫が含まれる。癌には、上述した任意の転移性癌が含まれる。抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、哺乳動物において T A T ポリペプチドを発現している癌細胞の少なくとも一部に結合可能である。好ましい実施態様では、抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、インビボ又はインビトロで細胞の T A T ポリペプチドに結合して、T A T -発現腫瘍細胞を破壊又は死滅させるか、又はこのような腫瘍細胞の増殖を阻害するのに効果的である。このような抗体には、裸の抗 T A T 抗体 (いかなる薬剤にも結合していない) が含まれる。細胞傷害性又は細胞増殖阻害特性を有する裸の抗体は、細胞障害性剤と併用すると、より

40

50

強く腫瘍細胞を破壊することが可能である。例えば細胞障害性剤と抗体とを結合させ、以下に記載するような免疫コンジュゲートを形成させることによって、細胞障害特性を抗TAT抗体に付与することができる。この細胞障害性剤又は増殖阻害剤は、好ましくは小分子である。毒素、例えばカリケアマイシン又はメイトンシノイド、及びそれらの類似物又は誘導体が好ましい。

#### 【0293】

本発明は、本発明の抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子と担体を含有する組成物を提供する。癌の治療のために、組成物はその治療の必要性に応じて患者に投与することができ、ここで組成物は免疫コンジュゲート又は裸の抗体として存在する一又は複数の抗TAT抗体を含有し得る。さらなる実施態様においては、組成物は、他の療法剤、例えば化学療法剤を含む増殖阻害剤又は細胞障害性剤とこれらの抗体、オリゴペプチド又は有機分子を組合せて含有することもできる。また本発明は、本発明の抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子と担体を含有する製剤も提供する。一実施態様では、製剤は製薬的に許容可能な担体を含有する治療用製剤である。

10

#### 【0294】

本発明の他の態様は、抗TAT抗体をコードする単離された核酸分子である。H及びL鎖、特に高頻度可変領域残基をコードする核酸、天然配列抗体及び変異体をコードする鎖、該抗体の修飾体及びヒト化形態を含む。

#### 【0295】

本発明は、抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を治療的有効量、哺乳動物に投与することを含む、哺乳動物におけるTATポリペプチド-発現癌の治療又は癌の一又は複数の徴候を緩和するのに有用な方法を提供する。抗体、オリゴペプチド又は有機分子治療組成物は、医師の指示通りに、短い期間(急性)又は慢性的に、又は間欠的に投与することができる。また、TATポリペプチド-発現細胞の増殖を阻害し、該細胞を殺傷する方法も提供される。

20

#### 【0296】

本発明は少なくとも一つの抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含有するキット又は製造品も提供する。抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含有するキットは、例えばTAT細胞殺傷アッセイ、細胞からのTATポリペプチドの精製又は免疫沈降における用途が見出されている。例えば、TATの単離及び精製のためには、キットはビーズ(例えばセファロースビーズ)に結合した抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含有することができる。インビトロにおけるTATの検出及び定量化、例えばELISA又はウエスタンブロットにおける抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含有するキットを提供することもできる。検出に有用なこのような抗体、オリゴペプチド又は有機分子は、蛍光又は放射標識などの標識が付されて提供され得る。

30

#### 【0297】

##### L. 製造品及びキット

本発明の他の実施態様は、抗TAT発現癌の治療に有用な物質を含有する製造品である。この製造品は容器と容器に付与又は添付されるラベル又はパッケージ挿入物を含んでなる。好適な容器は、例えば、ビン、バイアル、シリンジ等を含む。容器は、ガラス又はプラスチックなどの多様な材料から形成されてよい。容器は、癌の状態の治療に有効な組成物を収容し、無菌のアクセスポートを有し得る(例えば、容器は皮下注射針で貫通可能なストッパーを有する静脈内溶液バッグ又はバイアルであってよい)。組成物中の少なくとも一つの活性剤は本発明の抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子である。ラベル又はパッケージ挿入物は、組成物が癌の治療のために使用されることを示す。ラベル又はパッケージ挿入物は、癌患者に抗体、オリゴペプチド又は有機分子組成物を投与する際の注意書きをさらに含む。製造品はさらに、製薬的に許容可能なバッファー、例えば注射用の静菌水(BWFI)、リン酸緩衝塩水、リンガー液及びデキストロース溶液を含む第2の容器を具備してもよい。さらに、他のバッファー、希釈剤、フィルター、針及びシリンジを含む商業的及び使用者の見地から望ましい他の材料を含んでもよい。

40

50

## 【0298】

種々の目的、例えばTAT発現細胞殺傷アッセイ、細胞からのTATポリペプチドの精製又は免疫沈降に有用なキットも提供される。TATポリペプチドの単離及び精製において、キットはビーズ(例えばセファロースビーズ)に結合した抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含むことが可能である。インビトロにおけるTATポリペプチドの検出及び定量化、例えばELISA又はウエスタンブロットのための抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含むキットを提供することもできる。製造品と同様、キットも容器と容器に付与又は添付されるラベル又は能書を含んでなる。容器には少なくとも1つの本発明の抗TAT抗体、オリゴペプチド又は有機分子を含有する組成物が収容されている。希釈液及びバッファー、コントロール抗体等を収容する付加的な容器を具備していてもよい。ラベル又は能書は、組成物についての記載、並びに意図するインビトロ又は診断での使用に関する注意書きを提供するものである。

10

## 【0299】

## M. TATポリペプチド及びTAT-ポリペプチドコード核酸の用途

TATポリペプチドをコードする核酸配列(又はそれらの相補鎖)は、ハイブリダイゼーションプローブとしての使用を含む分子生物学の分野において、染色体及び遺伝子マッピングにおいて、及びアンチセンスRNA及びDNAプローブの生成において種々の用途を有している。また、TATコード化核酸は、ここに記載される組換え技術によるTATポリペプチドの調製に有用であり、これらTATポリペプチドは、例えば、ここで記載の抗TAT抗体の調製において用途を見出し得る。

20

## 【0300】

完全長天然配列TAT遺伝子又はその一部は、完全長TAT cDNAの単離又はここに開示した天然TAT配列に対して所望の配列同一性を持つ更に他のcDNA(例えば、TATの天然発生変異体又は他の種からのTATをコードするもの)の単離のために、cDNAライブラリ用のハイブリダイゼーションプローブとして使用できる。場合によっては、プローブの長さは約20~約50塩基である。このハイブリダイゼーションプローブは、少なくとも部分的に完全長天然ヌクレオチド配列の新規な領域から誘導してもよく、それらの領域は、過度の実験をすることなく、天然配列TATのプロモーター、エンハンサー成分及びイントロンを含むゲノム配列から判定され得る。例えば、スクリーニング法は、TAT遺伝子のコード化領域を周知のDNA配列を用いて単離して約40塩基の選択されたプローブを合成することを含む。ハイブリダイゼーションプローブは、 $^{32}\text{P}$ 又は $^{35}\text{S}$ 等の放射性ヌクレオチド、又はアビディン/ビオチン結合系を介してプローブに結合したアルカリホスファターゼ等の酵素標識を含む種々の標識で標識され得る。本発明のTAT遺伝子の配列に相補的な配列を有する標識されたプローブは、ヒトcDNA、ゲノムDNA又はmRNAのライブラリーをスクリーニングし、そのライブラリーの何れのメンバーにプローブがハイブッド形成するかを決定するのに使用できる。ハイブリダイゼーション技術を、以下の実施例において更に詳細に記載する。本出願に開示されている任意のEST配列は、ここに開示している方法を利用して、同じようにプローブとして用い得る。

30

## 【0301】

TATコード核酸の他の有用な断片には、標的TAT mRNA(センス)又はTAT DNA(アンチセンス)配列と結合できる一本鎖核酸配列(RNA又はDNAのいずれか)を含むアンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドが含まれる。本発明によると、アンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドは、TAT DNAのコード化領域の断片を含む。そのような断片は、一般的には少なくとも約14ヌクレオチド、好ましくは約14から30ヌクレオチドを含む。与えられたタンパク質をコードするcDNA配列に基づいて、アンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドを得る能力は、例えば、Stein及びCohen(Cancer Res. 48:2659, 1988)及びvan der Krol等(BioTechniques 6:958, 1988)に記載されている。

40

## 【0302】

50

アンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドの標的核酸配列への結合は二重鎖の形成をもたらす、それは、二重鎖の分解の促進、転写又は翻訳の未熟終止を含む幾つかの方法の一つ、又は他の方法により、標的配列の転写又は翻訳を阻止する。そのような方法は、本発明に含まれている。よって、アンチセンスオリゴヌクレオチドは、T A Tタンパク質の発現を阻止するのに用いられ、それらT A Tタンパク質は、哺乳動物での癌の誘導を担い得る。アンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドは、修飾糖-ホスホジエステル骨格（又は他の糖結合、国際公開91/06629に記載のもの等）を有するオリゴヌクレオチドを更に含み、そのような糖結合は内因性ヌクレアーゼ耐性である。そのような耐性糖結合を持つオリゴヌクレオチドは、インピボで安定であるが（つまり、酵素分解に耐えうるが）、標的ヌクレオチド配列に結合できる配列特異性は保持している。

10

## 【0303】

アンチセンス結合の好適な遺伝子内部には、遺伝子のオープンリーディングフレーム（ORF）の翻訳開始/開始コドン（5'-AUG/5'-ATG）又は終結/停止コドン（5'-UAA、5'-UAG及び5'-UGA/5'-TAA、5'-TAG及び5'-TGA）を含む領域が含まれる。これらの領域は翻訳開始又は終結コドンから何れかの方向（つまり5'又は3'）に約25から約50の近接ヌクレオチドを包含するmRNA又は遺伝子の一部を意味する。アンチセンス結合のための他の好適な領域には、イントロン；エキソン；イントロン-エキソン接合部；翻訳開始コドンと翻訳終結コドンの間の領域であるオープンリーディングフレーム（ORF）又は「コード領域」；5'-5'トリホスフェート結合を介してmRNAの5'-最末端残基に結合したN7-メチル化グアノシン残基を含み、5'キャップ構造自体と同様にキャップに隣接する最初の50ヌクレオチドを含むmRNAの5'キャップ；翻訳開始コドンから5'方向のmRNAの部分で、mRNA又は遺伝子上の対応するヌクレオチドの翻訳開始コドンと5'キャップ部位の間のヌクレオチドを含む5'の未翻訳領域（5'UTR）；及び翻訳終結コドンから3'方向のmRNAの部分で、mRNA又は遺伝子上の対応するヌクレオチドの3'末端と翻訳停止コドンの間のヌクレオチドを含む、3'未翻訳領域（3'UTR）が含まれる。

20

## 【0304】

T A Tタンパク質の発現を阻害するのに有用な好適なアンチセンス化合物の特定の例には、修飾骨格又は非天然ヌクレオシド間結合を含むオリゴヌクレオチドが含まれる。修飾された骨格を有するオリゴヌクレオチドには骨格にリン原子を保持しているものと骨格にリン原子を有していないものが含まれる。この明細書の目的のために、また当該分野でしばしば引用されるように、そのヌクレオシド間骨格にリン原子を持たない修飾オリゴヌクレオチドはまたオリゴヌクレオシドであると考えられることができる。好適な修飾オリゴヌクレオチド骨格には、例えばホスホロチオネート、キラルホスホロチオネート、ホスホロチオネート、ホスホトリエステル、アミノアルキルホスホトリエステル、メチル及び他のアルキルホスホネートで、3'-アルキレンホスホネート、5'-アルキレンホスホネート及びキラルホスホネートを含むもの、ホスフィンート、ホスホルアミデートで、3'-アミノホスホルアミデート及びアミノアルキルホスホルアミデートを含むもの、チオノホスホルアミデート、チオノアルキルホスホネート、チオノアルキルホスホトリエステル、セレノホスフェート及びボラノ-ホスフェートで通常の3'-5'結合を持つもの、これらの2'-5'結合類似体、及び一又は複数のヌクレオチド間結合が3'から3'、5'から5'又は2'から2'結合である逆転された極性を持つものが含まれる。逆転した極性を持つ好適なオリゴヌクレオチドは単一の3'から3'結合を最も3'側のヌクレオチド間結合、つまり、非塩基性(abasic)でありうる単一の逆転ヌクレオシド残基（核酸塩基がないか、又はその代わりにヒドロキシル基を有する）を含む。様々な塩、混合された塩及び遊離の酸形態がまた含まれる。リン含有結合の調製を教唆する代表的な米国特許には、限定されるものではないが、米国特許3687808；4469863；4476301；5023243；5177196；5188897；5264423；5276019；5278302；5286717；5321131；5399676；5405939；5453496；5455233；5466677；5476925；5519126；5536821；

30

40

50

5 5 4 1 3 0 6 ; 5 5 5 0 1 1 1 ; 5 5 6 3 2 5 3 ; 5 5 7 1 7 9 9 ; 5 5 8 7 3 6 1 ;  
5 1 9 4 5 9 9 ; 5 5 6 5 5 5 5 ; 5 5 2 7 8 9 9 ; 5 7 2 1 2 1 8 ; 5 6 7 2 6 9 7 及  
び 5 6 2 5 0 5 0 が含まれ、その各々は出典明示によりここに取り込まれる。

【 0 3 0 5 】

リン原子をそこに含まない好適な修飾オリゴヌクレオチド骨格は短鎖アルキル又はシクロアルキルヌクレオシド間結合、混合ヘテロ原子及びアルキル又はシクロアルキルヌクレオシド間結合、又は一又は複数の短鎖ヘテロ原子又は複素環ヌクレオシド間結合によって形成される骨格を有する。これらには、モルホリノ結合（ヌクレオシドの糖部分から部分的に形成される）を有するもの；シロキサ骨格；スルフィド、スルホキシド及びスルホン骨格；ホルムアセチル及びチオホルムアセチル骨格；メチレンホルムアセチル及びチオホルムアセチル骨格；リボアセチル骨格；アルケン含有骨格；スルファメート骨格；メチレンイミノ及びメチレンヒドラジノ骨格；スルホネート及びスルホンアミド骨格；アミド骨格；及び混合N、O、S及びCH<sub>2</sub>成分部分を有する他のものが含まれる。このようなオリゴヌクレオチドの調製を教唆する代表的な米国特許には、限定されるものではないが、米国特許 5 0 3 4 5 0 6 ; 5 1 6 6 3 1 5 ; 5 1 8 5 4 4 4 ; 5 2 1 4 1 3 4 ; 5 2 1 6 1 4 1 ; 5 2 3 5 0 3 3 ; 5 2 6 4 5 6 2 ; 5 2 6 4 5 6 4 ; 5 4 0 5 9 3 8 ; 5 4 3 4 2 5 7 ; 5 4 6 6 6 7 7 ; 5 4 7 0 9 6 7 ; 5 4 8 9 6 7 7 ; 5 5 4 1 3 0 7 ; 5 5 6 1 2 2 5 ; 5 5 9 6 0 8 6 ; 5 6 0 2 2 4 0 ; 5 6 1 0 2 8 9 ; 5 6 0 2 2 4 0 ; 5 6 0 8 0 4 6 ; 5 6 1 0 2 8 9 ; 5 6 1 8 7 0 4 ; 5 6 2 3 0 7 0 ; 5 6 6 3 3 1 2 ; 5 6 3 3 3 6 0 ; 5 6 7 7 4 3 7 ; 5 7 9 2 6 0 8 ; 5 6 4 6 2 6 9 及び 5 6 7 7 4 3 9 が含まれ、その各々は出典明示によりここに取り込まれる。

10

20

【 0 3 0 6 】

他の好適なアンチセンスオリゴヌクレオチドでは、糖とヌクレオシド間結合の双方、つまりヌクレオチド単位の骨格が新規な基と置換される。ベース単位は適切な核酸標的化合物とのハイブリダイゼーションのために維持される。一つのそのようなオリゴマー化合物である、優れたハイブリダイゼーション特性を持つことが示されているオリゴヌクレオチド擬態体はペプチド核酸（PNA）と呼ばれる。PNA化合物では、オリゴヌクレオチドの糖骨格はアミド含有骨格、特にアミノエチルグリシン骨格と置き換えられている。核酸塩基は保持され、骨格のアミド部分のアザ窒素原子に直接又は間接に結合している。PNA化合物の調製を教唆する代表的な米国特許には、限定されるものではないが、米国特許 5 5 3 9 0 8 2 ; 5 7 1 4 3 3 1 ; 及び 5 7 1 9 2 6 2 が含まれ、その各々は出典明示によりここに取り込まれる。PNA化合物の更なる教示はNielsen等, Science, 1991, 254, 1497-1500に見出すことができる。

30

40

【 0 3 0 7 】

好適なアンチセンスオリゴヌクレオチドはホスホロチオネート骨格及び/又はヘテロ原子骨格、特に-CH<sub>2</sub>-NH-O-CH<sub>2</sub>-、-CH<sub>2</sub>-N(CH<sub>3</sub>)-O-CH<sub>2</sub>-[メチレン(メチルイミノ)又はMMI骨格として知られる]、-CH<sub>2</sub>-O-N(CH<sub>3</sub>)-CH<sub>2</sub>-、-CH<sub>2</sub>-N(CH<sub>3</sub>)-N(CH<sub>3</sub>)-CH<sub>2</sub>-、及び上で参照した米国特許第 5 4 8 9 6 7 7 号に記載された-O-N(CH<sub>3</sub>)-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-[ここで天然ホスホジエステル骨格は-O-P-O-CH<sub>2</sub>-と表される]及び上で参照された米国特許第 5 6 0 2 2 4 0 号のアミド骨格を含む。また好ましいものは上で参照した米国特許第 5 0 3 4 5 0 6 号のモルホリノ骨格構造を有するアンチセンスオリゴヌクレオチドである。

【 0 3 0 8 】

修飾オリゴヌクレオチドはまた一又は複数の置換糖部分を含みうる。好適なオリゴヌクレオチドは2'位に次のものの一つを含む：OH；F；O-アルキル、S-アルキル、又はN-アルキル；O-アルケニル、S-アルケニル又はN-アルケニル；O-アルキニル、S-アルキニル又はN-アルキニル；又はO-アルキル-O-アルキルを含み、ここでアルキル、アルケニル及びアルキニルは置換又は非置換C<sub>1</sub>~C<sub>10</sub>アルキル又はC<sub>2</sub>~C<sub>10</sub>アルケニル及びアルキニルでありうる。特に好ましいものはO[(CH<sub>2</sub>)<sub>n</sub>O]<sub>m</sub>CH<sub>3</sub>、O(CH<sub>2</sub>)<sub>n</sub>OCH<sub>3</sub>、O(CH<sub>2</sub>)<sub>n</sub>NH<sub>2</sub>、O(CH<sub>2</sub>)<sub>n</sub>CH<sub>3</sub>、O(CH<sub>2</sub>)<sub>n</sub>ONH<sub>2</sub>、

50

及び  $O(CH_2)_n ON[(CH_2)_n CH_3]_2$  であり、ここで  $n$  及び  $m$  は 1 から約 10 である。他の好適なアンチセンスオリゴヌクレオチドは 2' 位に次のものの一つを含む： $C_1 \sim C_{10}$  低級アルキル、置換低級アルキル、アルケニル、アルキニル、アルカリル、アラキル、 $O$ -アルカリル又は  $O$ -アラキル、 $SH$ 、 $SCH_3$ 、 $OCN$ 、 $Cl$ 、 $Br$ 、 $CN$ 、 $CF_3$ 、 $OCF_3$ 、 $SOCH_3$ 、 $SO_2CH_3$ 、 $ONO_2$ 、 $NO_2$ 、 $N_3$ 、 $NH_2$ 、ヘテロシクロアルキル、ヘテロシクロアルカリル、アミノアルキルアミノ、ポリアルキルアミノ、置換シリル、RNA 切断基、レポーター基、インターカレーター、オリゴヌクレオチドの薬物動態学的性質を改善する基、オリゴヌクレオチドの薬理的性質を改善する基、及び同様な性質を持つ他の置換基。好適な修飾は 2'-メトキシエトキシ(2'- $O$ -(2-メトキシエチル)又は 2'- $MOE$ としても知られている 2'- $O-CH_2CH_2OCH_3$ ) (Marti n等, *Helv. Chim. Acta.*, 1995, 78, 486-504)、つまりアルコキシアルコキシ基を含む。更に好適な修飾は、以下の実施例に記載されているように 2'-ジメチルアミノオキシエトキシ、つまり 2'- $DMAOE$ としても知られている  $O(CH_2)_2 ON(CH_3)_2$  基、及び 2'-ジメチルアミノエトキシエトキシ(2'- $O$ -ジメチルアミノエトキシエチル又は 2'- $DMAEOE$ としても知られている)、つまり 2'- $O-CH_2-O-CH_2-N(CH_2)$  を含む。

10

## 【0309】

更に好適な修飾は、2'-ヒドロキシル基が糖環の 3' 又は 4' 炭素原子に結合され二環糖部分を形成する固定核酸(Locked Nucleic Acids: LNAs)を含む。結合は好ましくは  $n$  が 1 又は 2 である 2' 酸素原子と 4' 炭素原子を架橋するメチレン( $-CH_2-$ ) $_n$  基である。LNAs 及びその製造方法は国際公開 98/39352 及び国際公開 99/14226 に記載されている。

20

## 【0310】

他の好適な修飾は 2'-メトキシ(2'- $O-CH_3$ )、2'-アミノプロポキシ(2'- $OCH_2CH_2CH_2NH_2$ )、2'-アリル(2'- $CH_2-CH=CH_2$ )、2'- $O$ -アリル(2'- $O-CH_2-CH=CH_2$ ) 及び 2'-フルオロ(2'- $F$ )を含む。2'-修飾はアラビノ(上)位置又はリボ(下)位置においてでありうる。好適な 2'-アラビノ修飾は 2'- $F$  である。同様の修飾はまたオリゴヌクレオチドの他の位置、特に 3' 末端ヌクレオチドの糖の 3' 位又は 2'-5' 結合オリゴヌクレオチド及び 5' 末端ヌクレオチドの 5' 位になすことができる。オリゴヌクレオチドはまたペントフラノシル糖の代わりにシクロブチル部分のような糖擬態体を有しうる。そのような修飾糖構造の調製を教唆する代表的な米国特許には、限定されるものではないが、米国特許 4981957; 5118800; 5319080; 5359044; 5393878; 5446137; 5466786; 5514785; 5519134; 5567811; 5576427; 5591722; 5597909; 5610300; 5627053; 5639873; 5646265; 5658873; 5670633; 5792747; 及び 5700920 が含まれ、その各々は出典明示により全体がここに取り込まれる。

30

## 【0311】

オリゴヌクレオチドにはまた核酸塩基(当該分野ではしばしば単に「塩基」と称される)の修飾又は置換が含まれうる。ここで使用される場合、「未修飾の」又は「天然の」核酸塩基にはプリン塩基アデニン(A)及びグアニン(G)及びピリミジン塩基チミン(T)、シトシン(C)及びウラシル(U)が含まれる。修飾核酸塩基には、他の合成及び天然核酸塩基、例えば 5-メチルシトシン(5-me-C)、5-ヒドロキシメチルシトシン、キサンチン、ヒポキサンチン、2-アミノアデニン、6-メチル及び他のアデニン及びグアニンのアルキル誘導体、2-プロピル及び他のアデニン及びグアニンのアルキル誘導体、2-チオウラシル、2-チオチミン及び 2-チオシトシン、5-ハロウラシル及びシトシン、5-プロポニル( $-C(CH_3)_2-CH_2$  又は  $CH_2-C(CH_3)_2$ )ウラシル及びシトシン及び他のピリミジン塩基のアルキル誘導体、6-アゾウラシル、シトシン及びチミン、5-ウラシル(プソイドウラシル)、4-チオウラシル、8-ハロ、8-アミノ、8-チオール、8-チオアルキル、8-ヒドロキシル及び他の 8-置換アデニン類及びグアニン類、5-ハロ、特に 5-

40

50

ブロモ、5-トリフルオロメチル及び他の5-置換ウラシル類及びシトシン類、7-メチルグアニン及び7-メチルアデニン、2-F-アデニン、2-アミノ-アデニン、8-アザグアニン及び8-アザアデニン、7-デアザグアニン及び7-デアザアデニン及び3-デアザグアニン及び3-デアザアデニンが含まれる。更なる修飾核酸塩基には、三環系ピリミジン類、例えばフェノキサジンシチジン(1H-ピリミド[5,4-b][1,4]ベンゾキサジン-2(3H)-オン)、フェノチアジンシチジン(1H-ピリミド[5,4-b][1,4]ベンゾチアジン-2(3H)-オン)、G-クランプ、例えば置換フェノキサジンシチジン(例えば9-(2-アミノエトキシ)-H-ピリミド[5,4-b][1,4]ベンゾキサジン-2(3H)-オン)、カルバゾールシチジン(2H-ピリミド[4,5-b]インドール-2-オン)、ピリドインドールシチジン(H-ピリド[3',2':4,5]ピロロ[2,3-d]ピリミジン-2-オン)が含まれる。修飾核酸塩基にはまたプリン又はピリミジン塩基が他の複素環で置き換えられているもの、例えば7-デアザ-アデニン、7-デアザグアノシン、2-アミノピリジン及び2-ピリドンが含まれる。更なる核酸塩基には米国特許第3687808号に開示されているもの、The Concise Encyclopedia Of Polymer Science And Engineering, 858-859頁, Kroschwitz, J.I.編 John Wiley & Sons, 1990に開示されているもの、及びEnglisch等, Angewandte Chemie, International Edition, 1991, 30,613に開示されているものが含まれる。これらの核酸塩基のある種のもは本発明のオリゴマー化合物の結合親和性を増大させるのに特に有用である。これらには、5-置換ピリミジン、6-アザピリミジン及びN-2、N-6及びO-6置換プリンで、2-アミノプロピルアデニン、5-プロピニルウラシル及び5-プロピニルシトシンを含むものが含まれる。5-メチルシトシン置換は0.6-1.2だけ核酸二重安定性を増大させることが知られており(Sanghvi等, Antisense Research and Applications, CRC Press, Boca Raton, 1993, pp.276-278)、より詳細には2'-O-メトキシエチル糖修飾と組み合わせた場合には、好適な塩基置換である。修飾核酸塩基の製造を教唆する代表的な米国特許には、限定されるものではないが、米国特許3687808;並びに米国特許4845205;5130302;5134066;5175273;5367066;5432272;5457187;5459255;5484908;5502177;5525711;5552540;5587469;5594121;5596091;5614617;5645985;5830653;5763588;6005096;5681941及び5750692が含まれ、その各々は出典明示によりここに取り込まれる。

10

20

30

40

50

#### 【0312】

アンチセンスオリゴヌクレオチドの他の修飾は、オリゴヌクレオチドの活性、細胞分布又は細胞取り込みを亢進する一又は複数の部分又はコンジュゲートをオリゴヌクレオチドに化学的に結合させる。本発明の化合物は第1級又は第2級ヒドロキシル基のような官能基に共有結合したコンジュゲート基を含みうる。本発明のコンジュゲート基には、介入物(インターカレーター)、レポーター分子、ポリアミン、ポリアミド、ポリエチレングリコール、ポリエーテル、オリゴマーの薬理的性質を増強する基、及びオリゴマーの薬物動態学的性質を増強する基が含まれる。典型的なコンジュゲート基には、コレステロール、脂質、カチオン脂質、リン脂質、カチオン性リン脂質、ビオチン、フェナジン、葉酸塩、フェナントリジン、アントラキノン、アクリジン、フルオレセイン、ローダミン、クマリン、及び染料が含まれる。この発明の文脈における薬理的性質を増強する基には、オリゴマー取り込みを改善し、分解に対するオリゴマーの耐性を亢進し、及び/又はRNAとの配列特異的ハイブリダイゼーションを補強する基が含まれる。この発明の文脈における薬物動態学的性質を増強する基には、オリゴマー取り込み、分散、代謝又は排出を改善する基が含まれる。コンジュゲート部分には限定されるものではないが、脂質分子、例えばコレステロール部分(Letsinger等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 1989, 86, 6553-6556)、コール酸(Manoharan等, Bioorg. Med. Chem. Let., 1994, 4, 1053-1063)、チオエーテル、例えばヘキシル-S-トリチルチオール(Manoharan等, Ann. N.Y. Acad. Sci., 1992, 660-306-309; Manoharan等, Bioorg. Med. Chem. Let., 1993, 3, 2765-2770)、チオコレステロール(Oberhauser等, Nucl. Acids Res., 1992, 20, 533-538)、脂肪族鎖

、例えばドデカンジオール又はウンデシル残基 (Saison-Behmoaras等, EMBOJ., 1991, 10, 1111-1118; Kabanov等, FEBS Lett., 1990, 259, 327-330; Svinarchuk等, Biochimie, 1993, 75, 49-54)、リン脂質、例えばジ-ヘキサデシル-rac-グリセロール又はトリエチル-アンモニウム 1, 2 -ジ-O-ヘキサデシル-rac-グリセロ-3-H-ホスホナート (Manoharan等, Tetrahedron Lett., 1995, 36, 3651-3654; Shea等, Nucl. Acids Res., 1990, 18, 3777-3783)、ポリアミン又はポリエチレングリコール鎖 (Manoharan等, Nucleosides & Nucleotides, 1995, 14, 969-973)、又はアダマンタン酢酸 (Manoharan等, Tetrahedron Lett., 1995, 36, 3651-3654)、パルミチル部分 (Mishra等, Biochim. Biophys. Acta, 1995, 1264, 229-237)、又はオクタデシルアミン又はヘキシルアミノ-カルボニル-オキシコレステロール部分が含まれる。本発明のオリゴヌクレオチドはまた活性な薬物物質、例えばアスピリン、ワルファリン、フェニルブタゾン、イブプロフェン、スプロフェン、フェンブフェン、ケトプロフェン、(S)-(+)-プラノプロフェン、カルプロフェン、ダンシルサルコシン、2, 3, 5-トリヨード安息香酸、フルフェナム酸、フォリン酸、ベンゾチアジド、クロロチアジド、ジアゼピン、インドメチシン、バルビツレート、セファロsporin、サルファ剤、抗糖尿病剤、抗菌剤又は抗生物質にコンジュゲートすることができる。オリゴヌクレオチド-薬剤コンジュゲート及びその製造方法は米国特許出願第 09 / 334 130 号 (1999年6月15日出願) 及び米国特許 4 828 979 ; 4 94 8 8 8 2 ; 5 2 1 8 1 0 5 ; 5 5 2 5 4 6 5 ; 5 5 4 1 3 1 3 ; 5 5 4 5 7 3 0 ; 5 5 5 2 5 3 8 ; 5 5 7 8 7 1 7 ; 5 5 8 0 7 3 1 ; 5 5 8 0 7 3 1 ; 5 5 9 1 5 8 4 ; 5 1 0 9 1 2 4 ; 5 1 1 8 8 0 2 ; 5 1 3 8 0 4 5 ; 5 4 1 4 0 7 7 ; 5 4 8 6 6 0 3 ; 5 5 1 2 4 3 9 ; 5 5 7 8 7 1 8 ; 5 6 0 8 0 4 6 ; 4 5 8 7 0 4 4 ; 4 6 0 5 7 3 5 ; 4 6 6 7 0 2 5 ; 4 7 6 2 7 7 9 ; 4 7 8 9 7 3 7 ; 4 8 2 4 9 4 1 ; 4 8 3 5 2 6 3 ; 4 8 7 6 3 3 5 ; 4 9 0 4 5 8 2 ; 4 9 5 8 0 1 3 ; 5 0 8 2 8 3 0 ; 5 1 1 2 9 6 3 ; 5 2 4 1 1 3 6 ; 5 0 8 2 8 3 0 ; 5 1 1 2 9 6 3 ; 5 2 1 4 1 3 6 ; 5 2 4 5 0 2 2 ; 5 2 5 4 4 6 9 ; 5 2 5 8 5 0 6 ; 5 2 6 2 5 3 6 ; 5 2 7 2 2 5 0 ; 5 2 9 2 8 7 3 ; 5 3 1 7 0 9 8 ; 5 3 7 1 2 4 1 ; 5 3 9 1 7 2 3 ; 5 4 1 6 2 0 3 ; 5 4 5 1 4 6 3 ; 5 5 1 0 4 7 5 ; 5 5 1 2 6 6 7 ; 5 5 1 4 7 8 5 ; 5 5 6 5 5 5 2 ; 5 5 6 7 8 1 0 ; 5 5 7 4 1 4 2 ; 5 5 8 5 4 8 1 ; 5 5 8 7 3 7 1 ; 5 5 9 5 7 2 6 ; 5 5 9 7 6 9 6 ; 5 5 9 9 9 2 3 ; 5 5 9 9 9 2 8 及び 5 6 8 8 9 4 1 に記載され、その各々は出典明示によりここに取り込まれる。

### 【0313】

与えられた化合物の全ての位置を一様に修飾する必要はなく、実際、一を超える上述の修飾を単一化合物中に又はオリゴヌクレオチド内の単一ヌクレオチドにさえ導入することができる。本発明はまたキメラ化合物であるアンチセンス化合物を含む。本発明の文脈における「キメラ」アンチセンス化合物又は「キメラ」は、それぞれが少なくとも一モノマー単位、つまりオリゴヌクレオチド化合物の場合にはヌクレオチドからなる2以上の化学的に区別される領域を含むアンチセンス化合物、特にオリゴヌクレオチドである。これらのオリゴヌクレオチドは典型的にはオリゴヌクレオチドにヌクレアーゼ分解に対する増大した耐性、増大した細胞性取り込み、及び/又は標的核酸に対する増大した結合親和性を付与するようにオリゴヌクレオチドが修飾されている少なくとも一の領域を含む。オリゴヌクレオチドの更なる領域はRNA : DNA又はRNA : RNAハイブリッドを切断可能な酵素の基質となりうる。例を挙げると、RNAアーゼHはRNA : DNA二本鎖のRNA鎖を切断する細胞性エンドヌクレアーゼである。故に、RNAアーゼHの活性化はRNA標的の開裂を生じ、遺伝子発現のオリゴヌクレオチド阻害の効果を大きく向上させる。従って、同じ標的領域にハイブリダイズするホスホロチオネートデオキシオリゴヌクレオチドと比較して、キメラオリゴヌクレオチドが使用される場合、より短いオリゴヌクレオチドで同等の結果をしばしば得ることができる。本発明のキメラアンチセンス化合物は上述の二以上のオリゴヌクレオチド、修飾オリゴヌクレオチド、オリゴヌクレオチド及び/又はオリゴヌクレオチド擬態体の複合構造体として形成されてもよい。好適なキメラアンチセンスオリゴヌクレオチドはヌクレアーゼ耐性を付与するために3'末端に少なくとも一

の2'修飾糖(好ましくは2'-O-(CH<sub>2</sub>)<sub>2</sub>-O-CH<sub>3</sub>)とRNアーゼH活性を付与するために少なくとも4の隣接した2'-H糖を持つ領域を含む。このような化合物はまた当該分野においてハイブリッド又はギャプマー(gapmers)とも呼ばれている。好適なギャプマーは少なくとも4の隣接した2'-H糖を持つ少なくとも一の領域で分離した3'末端と5'末端2'修飾糖(好ましくは2'-O-(CH<sub>2</sub>)<sub>2</sub>-O-CH<sub>3</sub>)の領域を持ち、好ましくはホスホロチオネート骨格結合を含む。このようなハイブリッド構造の調製を教示する代表的な米国特許には、限定されるものではないが、米国特許第5013830; 5149797; 5220007; 5256775; 5366878; 5403711; 5491133; 5565350; 5623065; 5652355; 5652356; 及び5700922が含まれ、これらのそれぞれが出典明示によりここに取り込まれる。

10

## 【0314】

本発明において使用されるアンチセンス化合物は固相合成のよく知られた技術によって簡便かつ常套的に製造することができる。そのような合成のための装置は、例えばApplied Biosystems(Foster City, Calif.)を含む幾つかのメーカーによって販売されている。当該分野で知られているそのような合成のための任意の他の手段を付加的に又は別に使用してもよい。オリゴヌクレオチド、例えばホスホロチオネート及びアルキル化誘導体を調製するために類似の技術を使用することはよく知られている。本発明の化合物は、また、取り込み、分散及び/又は吸収を補助するための他の分子、分子構造又は化合物混合物、例えばリボソーム、レセプター標的分子、経口、直腸、局所適用又は他の製剤と、混合、カプセル化、コンジュゲート又はその他、組み合わせられてもよい。そのような取り込み、分散及び/又は吸収を補助する製剤の調製を教示する代表的な米国特許には、限定されるものではないが、米国特許第5108921; 5354844; 5416016; 5459127; 5521291; 5543158; 5547932; 5583020; 5591721; 4426330; 4534899; 5013556; 5108921; 5213804; 5227170; 5264221; 5356633; 5395619; 5416016; 5417978; 5462854; 5469854; 5512295; 5527528; 5534259; 5543152; 5556948; 5580575; 及び5595756が含まれ、これらのそれぞれが出典明示によりここに取り込まれる。

20

## 【0315】

センス又はアンチセンスオリゴヌクレオチドの他の例は、国際公開90/10048に記載されているもののような、有機部分、及びオリゴヌクレオチドの標的核酸配列への親和性を向上させる他の部分、例えばポリ-(L-リジン)に共有結合したオリゴヌクレオチドを含む。さらにまた、エリプチシン等の挿入剤及びアルキル化剤又は金属錯体をセンス又はアンチセンスオリゴヌクレオチドに結合させ、アンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドの標的ヌクレオチド配列への結合特異性を改変してもよい。

30

## 【0316】

アンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドは、例えば、CaPO<sub>4</sub>-媒介DNAトランスフェクション、エレクトロポレーションを含む任意の遺伝子転換方法により、又はエプスタイン-バーウイルスなどの遺伝子転換ベクターを用いることにより、標的核酸配列を含む細胞に導入される。好ましい方法では、アンチセンス又はセンスオリゴヌクレオチドは、適切なレトロウイルスベクターに挿入される。標的核酸配列を含む細胞は、インビボ又はエキソビボで組換えレトロウイルスベクターに接触させる。好適なレトロウイルスベクターは、これらに限られないが、マウスレトロウイルスM-MuLVから誘導されるもの、N2(M-MuLVから誘導されたレトロウイルス)、又はDCT5A、DCT5B及びDCT5Cと命名されたダブルコピーベクター(国際公開90/13641参照)を含む。

40

## 【0317】

また、センス又はアンチセンスオリゴヌクレオチドは、国際公開91/04753に記載されているように、リガンド結合分子との複合体の形成により標的ヌクレオチド配列を

50

含む細胞に導入してもよい。適切なリガンド結合分子は、これらに限られないが、細胞表面レセプター、成長因子、他のサイトカイン、又は細胞表面レセプターに結合する他のリガンドを含む。好ましくは、リガンド結合分子の複合体形成は、リガンド結合分子がその対応する分子又はレセプターに結合する、あるいはセンス又はアンチセンスオリゴヌクレオチド又はその複合体の細胞への侵入を阻止する能力を実質的に阻害しない。

【0318】

あるいは、センス又はアンチセンスオリゴヌクレオチドは、国際公開90/10448に記載されたように、オリゴヌクレオチド-脂質複合体の形成により標的核酸配列を含む細胞に導入してもよい。センス又はアンチセンスオリゴヌクレオチド-脂質複合体は、好ましくは内因性リパーゼにより細胞内で分解される。

10

【0319】

アンチセンス又はセンスRNA又はDNA分子は、通常は少なくとも約5ヌクレオチド長、あるいは少なくとも約6、7、8、9、10、11、12、13、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、35、40、45、50、55、60、65、70、75、80、85、90、95、100、105、110、115、120、125、130、135、140、145、150、155、160、165、170、175、180、185、190、195、200、210、220、230、240、250、260、270、280、290、300、310、320、330、340、350、360、370、380、390、400、410、420、430、440、450、460、470、480、490、500、510、520、530、540、550、560、570、580、590、600、610、620、630、640、650、660、670、680、690、700、710、720、730、740、750、760、770、780、790、800、810、820、830、840、850、860、870、880、890、900、910、920、930、940、950、960、970、980、990、又は1000ヌクレオチド長であり、この文脈の「約」という用語は、参照ヌクレオチド配列長にその参照長の10%を加えるか又は減じたものを意味する。

20

【0320】

また、プローブをPCR技術に用いて、密接に関連したTATコード化配列の同定のための配列のプールを作成することができる。

30

【0321】

また、TATをコードするヌクレオチド配列は、そのTATをコードする遺伝子のマッピングのため、及び遺伝子疾患を持つ個体の遺伝子分析のためのハイブリダイゼーションプローブの作成にも用いることができる。ここに提供されるヌクレオチド配列は、インサイツハイブリダイゼーション、既知の染色体マーカーに対する連鎖分析、及びライブラリーでのハイブリダイゼーションスクリーニング等の周知の技術を用いて、染色体及び染色体の特定領域にマッピングすることができる。

【0322】

TATのコード化配列が他のタンパク質に結合するタンパク質をコードする場合（例えば、TATがレセプターである場合）、TATは、結合相互作用に関わっている他のタンパク質又は分子を同定するためのアッセイに使用することができる。このような方法により、レセプター/リガンド結合性相互作用の阻害剤を同定することができる。また、このような結合性相互作用に含まれるタンパク質は、ペプチド又は小分子阻害剤又は結合性相互作用のアゴニストのスクリーニングに用いることができる。また、レセプターTATは関連するリガンドの単離に使用できる。スクリーニングアッセイは、天然TAT又はTATのレセプターの生物学的活性を模倣するリード化合物を見出すために設計してよい。このようなスクリーニングアッセイは、化学的ライブラリーの高スループットスクリーニングを施すことができるアッセイを含み、それらアッセイを特に小分子薬剤候補を同定することに適したものにす。考慮される小分子は、合成有機又は無機化合物を含む。アッセイは、この分野で良く特徴付けられているタンパク質-タンパク質結合アッセイ、生物学

40

50

的スクリーニングアッセイ、免疫検定及び細胞ベースのアッセイを含む種々の型式で実施される。

#### 【0323】

また、T A T又はその修飾型をコードする核酸は、トランスジェニック動物又は「ノックアウト」動物のいずれかを産生することに使用でき、これらは治療的に有用な試薬の開発やスクリーニングに有用である。トランスジェニック動物(例えばマウス又はラット)とは、出生前、例えば胚段階で、その動物又はその動物の祖先に導入された導入遺伝子を含む細胞を有する動物である。導入遺伝子とは、トランスジェニック動物が発生する細胞のゲノムに組み込まれたDNAである。一実施態様では、T A TをコードするcDNAは、T A TをコードするDNAを発現する細胞を含むトランスジェニック動物を作製するために使用するゲノム配列及び確立された技術に基づいて、T A TをコードするゲノムDNAをクローン化するために使用することができる。トランスジェニック動物、特にマウス又はラット等を産生する方法は、当該分野において常套的になっており、例えば米国特許第4736866号や第4870009号に記述されている。典型的には、特定の細胞を組織特異的エンハンサーでのT A T導入遺伝子の導入の標的にする。胚段階で動物の生殖系列に導入されたT A Tをコードする導入遺伝子のコピーを含むトランスジェニック動物はT A TをコードするDNAの増大した発現の影響を調べるために使用できる。このような動物は、例えばその過剰発現を伴う病理学的状態に対して保護をもたらすと思われる試薬のテスター動物として使用できる。本発明のこの態様においては、動物を試薬で治療し、導入遺伝子を有する未治療の動物に比べ病理学的状態の発症率が低ければ、病理学的状態に対する治療上の処置の可能性が示される。

10

20

#### 【0324】

あるいは、T A Tの非ヒト相同体は、動物の胚性細胞に導入されたT A Tをコードする変更ゲノムDNAと、T A Tをコードする内在性遺伝子との間の相同的組換えによって、T A Tをコードする欠陥又は変更遺伝子を有するT A T「ノックアウト」動物を作成するために使用できる。例えば、T A TをコードするcDNAは、確立された技術に従い、T A TをコードするゲノムDNAのクローニングに使用できる。T A TをコードするゲノムDNAの一部を欠失させたり、組み込みをモニターするために使用する選択性マーカーをコードする遺伝子等の他の遺伝子で置換することができる。典型的には、ベクターは無変化のフランキングDNA(5'と3'末端の両方)を数千ベース含む[例えば、相同組換えベクターについてはThomas及びCapecchi, Cell, 51:503(1987)を参照のこと]。ベクターを胚幹細胞株に(例えばエレクトロポレーションによって)導入し、導入されたDNAが内在性DNAと相同的に組換えられた細胞を選択する[例えば、Li等, Cell, 69:915(1992)参照]。選択された細胞は次に動物(例えばマウス又はラット)の胚盤胞内に注入されて集合キメラを形成する[例えば、Bradley, Teratocarcinomas and Embryonic Stem Cells: A Practical Approach, E. J. Robertson編 (IRL, Oxford, 1987), pp. 113-152参照のこと]。その後、キメラ胚を適切な偽妊娠の雌性乳母動物に移植し、期間を置いて「ノックアウト」動物を作り出す。胚細胞に相同的に組換えられたDNAを有する子孫は標準的な技術により同定され、それらを利用して動物の全細胞が相同的に組換えられたDNAを含む動物を繁殖させることができる。ノックアウト動物は、T A Tポリペプチドの欠乏によるある種の病理学的状態及びその病理学的状態の進行に対する防御能力によって特徴付けられる。

30

40

#### 【0325】

また、T A Tポリペプチドをコードする核酸は遺伝子治療にも使用できる。遺伝子治療用途においては、例えば欠陥遺伝子を置換するため、治療的に有効な遺伝子産物のインピボ合成を達成するために遺伝子が細胞内に導入される。「遺伝子治療」とは、1回の処理により継続的効果が達成される従来の遺伝子治療と、治療的に有効なDNA又はmRNAの1回又は繰り返し投与を含む遺伝子治療薬の投与の両方を含む。アンチセンスRNA及びDNAは、ある種の遺伝子のインピボ発現を阻止する治療薬として用いることができる。短いアンチセンスオリゴヌクレオチドを、細胞膜による制限された取り込みに起因する

50

低い細胞内濃度にもかかわらず、それが阻害剤として作用する細胞中に移入できることは既に示されている (Zamecnik等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 83:4143-4146 [1986])。オリゴヌクレオチドは、それらの負に荷電したリン酸ジエステル基を非荷電基で置換することによって取り込みを促進するように修飾してもよい。

#### 【0326】

生細胞に核酸を導入するための種々の技術が存在する。これらの技術は、核酸が培養細胞にインビトロで、あるいは意図する宿主の細胞においてインビボで移入されるかに応じて変わる。核酸を哺乳動物細胞にインビトロで移入するのに適した技術は、リボソーム、エレクトロポレーション、マイクロインジェクション、細胞融合、DEAE-デキストラン、リン酸カルシウム沈殿法などを含む。現在好ましいインビボ遺伝子移入技術は、ウイルス(典型的にはレトロウイルス)ベクターでのトランスフェクション及びウイルス被覆タンパク質-リボソーム媒介トランスフェクションである (Dzau等, Trends in Biotechnology 11, 205-210(1993))。幾つかの状況では、核酸供給源を、細胞表面膜タンパク質又は標的細胞に特異的な抗体、標的細胞上のレセプターに対するリガンド等の標的細胞を標的化する薬剤とともに提供するのが望ましい。リボソームを用いる場合、エンドサイトーシスを伴って細胞表面膜タンパク質に結合するタンパク質、例えば、特定の細胞型向性のキャプシドタンパク質又はその断片、サイクルにおいてインターナリゼーションを受けるタンパク質に対する抗体、細胞内局在化を標的とし細胞内半減期を向上させるタンパク質が、標的化及び/又は取り込みの促進のために用いられる。レセプター媒介エンドサイトーシス技術は、例えば、Wu等, J. Biol. Chem. 262, 4429-4432 (1987); 及びWagner等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 87, 3410-3414 (1990)によって記述されている。遺伝子作成及び遺伝子治療のプロトコルの概説については、Anderson等, Science 256, 808-813 (1992)を参照のこと。

10

20

#### 【0327】

ここに記載したTATポリペプチド又はその断片をコードする核酸分子は、染色体の同定に有用である。この点において、実際の配列データに基づく染色体マーキング試薬は殆ど利用可能ではないため、目下のところ新規な染色体マーカーの同定の必要である。本発明の各TAT核酸分子は染色体マーカーとして使用できる。

#### 【0328】

また、本発明のTATポリペプチド及び核酸分子は組織タイピングの診断に使用でき、本発明のTATポリペプチドは、その他の組織と比較して1つの組織において、好ましくは同じ組織型の正常組織と比較して疾患性組織において特異的に発現する。TAT核酸分子には、PCR、ノーザン分析、サザン分析及びウェスタン分析のプロンプ生成のための用途が見出されるであろう。

30

#### 【0329】

この発明は、TATポリペプチド(アゴニスト)を模倣、又はTATポリペプチド(アンタゴニスト)の効果を防ぐものを同定するための化合物をスクリーニングする方法を含む。アンタゴニスト薬候補に関するスクリーニングアッセイは、ここで同定された遺伝子によってコードされたTATポリペプチドと結合又は複合化する、さもなければコードされているポリペプチドと他の細胞タンパク質の相互作用を妨害する化合物、例えば、細胞からのTATポリペプチドの発現を阻害するものを含む化合物を同定するように設計されている。そのようなスクリーニングアッセイには、化学的ライブラリの高スループットスクリーニングを施すことができるアッセイが含まれ、それらアッセイを特に小分子薬剤候補の同定に適したものにす。

40

#### 【0330】

このアッセイは、タンパク質-タンパク質結合アッセイ、生化学スクリーニングアッセイ、免疫アッセイ、そして細胞ベースアッセイを含む、当該分野で良く特徴付けられている種々の形式で行うことができる。

#### 【0331】

アンタゴニストに関する全てのアッセイは、薬候補をここで同定された核酸によってコ

50

ードされているTATポリペプチドと、これら両成分が相互作用するのに十分な条件下及び時間にわたって接触させることを必要とする点で共通である。

【0332】

結合アッセイにおいて、相互作用は結合であり、形成された複合体は単離されるか、又は反応混合物中で検出される。特別な実施態様では、ここに同定された遺伝子にコードされるTATポリペプチド又は薬候補が、共有又は非共有結合により固相、例えばマイクロタイタープレートに固定化される。非共有結合は、一般的に固体表面をTATポリペプチドの溶液で被覆し乾燥させることにより達成される。あるいは、固定化すべきTATポリペプチドに特異的な固定化抗体、例えばモノクローナル抗体を固体表面に固着させるために用いることができる。アッセイは、固定化成分、例えば固着成分を含む被覆表面に、検出可能な標識で標識されていてもよい非固定化成分を添加することにより実施される。反応が完了したとき、未反応成分を例えば洗浄により除去し、固体表面に固着した複合体を検出する。最初の非固定化成分が検出可能な標識を有している場合、表面に固定化された標識の検出は複合体形成が起こったことを示す。最初の非固定化成分が標識を持たない場合は、複合体形成は、例えば、固定化された複合体に特異的に結合する標識抗体の使用によって検出できる。

10

【0333】

候補化合物が相互作用するがここに同定した遺伝子によってコードされる特定のTATポリペプチドと結合しない場合、そのポリペプチドとの相互作用は、タンパク質-タンパク質相互作用を検出するために良く知られた方法によってアッセイすることができる。そのようなアッセイは、架橋、同時免疫沈降、及び勾配又はクロマトグラフィーのカラムを通す同時精製などの伝統的な手法を含む。さらに、タンパク質-タンパク質相互作用は、Chevray及びNathans Proc.Natl. Acad. Sci. USA, 89:5789-5793 (1991)に開示されているようにして、Fields及び共同研究者等 [Fields及びSong, Nature(London), 340, :245-246(1989); Chien等, Proc.Natl. Acad. Sci. USA, 88:9578-9582 (1991)] に記載された酵母菌ベースの遺伝子系を用いることにより監視することができる。酵母菌GAL4などの多くの転写活性化剤は、2つの物理的に別個のモジュラードメインからなり、一方はDNA結合ドメインとして作用し、他方は転写活性化ドメインとして機能する。以前の文献に記載された酵母菌発現系(一般に「2-ハイブリッド系」と呼ばれる)は、この特性の長所を利用して、2つのハイブリッドタンパク質を用い、一方では標的タンパク質がGAL4のDNA結合ドメインに融合し、他方では、候補となる活性化タンパク質が活性化ドメインに融合している。GAL1-1lacZリポーター遺伝子のGAL4活性化プロモーターの制御下での発現は、タンパク質-タンパク質相互作用を介したGAL4活性の再構成に依存する。相互作用するポリペプチドを含むコロニーは、 $\beta$ -ガラクトシダーゼに対する色素生産性物質で検出される。2-ハイブリッド技術を用いた2つの特定なタンパク質間のタンパク質-タンパク質相互作用を同定するための完全なキット(MATCHMAKER(商品名))は、Clontechから商業的に入手可能である。この系は、特定のタンパク質相互作用に含まれるタンパク質ドメインのマッピング、並びにこの相互作用にとって重要なアミノ酸残基の特定にも拡張することができる。

20

30

【0334】

ここで同定されたTATポリペプチドをコードする遺伝子と他の細胞内又は細胞外成分との相互作用を阻害する化合物は、次のように試験できる:通常は反応混合物は、遺伝子産物と細胞内又は細胞外成分を、それら2つの生成物が相互作用及び結合する条件下及び時間で調製される。候補化合物の結合阻害能力を試験するために、反応は試験化合物の不存在及び存在下で実施される。さらに、プラシーボを第3の反応混合物に添加してポジティブコントロールを提供してもよい。混合物中に存在する試験化合物と細胞内又は細胞外成分との結合(複合体形成)は上記のように監視される。試験化合物を含有する反応混合物ではなくコントロール反応における複合体の形成は、試験化合物が試験化合物とその反応パートナーとの相互作用を阻害することを示す。

40

【0335】

50

アンタゴニストを検定するために、T A Tポリペプチドを、特定の活性についてスクリーニングされる化合物とともに細胞に添加してもよく、T A Tポリペプチド存在下で対象とする活性を阻害する当該化合物の能力が、当該化合物がT A Tポリペプチドのアンタゴニストであることを示す。あるいは、アンタゴニストは、T A Tポリペプチド及び潜在的アンタゴニストを、膜結合T A Tポリペプチドレセプター又は組換えレセプターと、競合的阻害アッセイに適した条件下で結合させることにより検出してもよい。T A Tポリペプチドは、放射活性等で標識でき、レセプターに結合したT A Tポリペプチド分子の数を潜在的アンタゴニストの有効性を決定するのに使用できる。レセプターをコードする遺伝子は、当業者に知られた多くの方法、例えばリガンドパニング及びF A C Sソーティングにより同定できる。Coligan等, *Current Protocols in Immun.*, 1(2): 5章 (1991)。好ましくは発現クローニングが用いられ、ここではポリアデニル化R N AがT A Tポリペプチドに反応性の細胞から調製され、このR N Aから生成されたc D N Aライブラリがプールに分配され、C O S細胞又は他のT A Tポリペプチドに反応性でない細胞の形質移入に使用される。スライドガラスで成長させた形質移入細胞を、標識したT A Tポリペプチドへ曝露する。T A Tポリペプチドは、ヨウ素化又は部位特異的タンパク質キナーゼの認識部位の包含を含む種々の手段で標識できる。固定及びインキュベーションの後、スライドにオートラジオグラフ分析を施す。ポジティブプールを同定し、対話型サブプール化及び再スクリーニング法を用いてサブプールを調製して再形質移入し、最終的に推定レセプターをコードする単一のクローンを生成する。

10

20

**【0336】**

レセプター同定の代替的方法として、標識したT A Tポリペプチドをレセプター分子を発現する細胞膜又は抽出調製物に光親和性結合させることができる。架橋材料をP A G Eで分離し、X線フィルムに曝す。レセプターを含む標識複合体を励起し、ペプチド断片に分離し、タンパク質マイクロシーケンシングを施してよい。マイクロシーケンシングから得たアミノ酸配列は、推定レセプターをコードする遺伝子を同定するc D N Aライブラリをスクリーニングする縮重オリゴヌクレオチドプローブの組の設計に用いられる。

**【0337】**

アンタゴニストの他の検定では、レセプターを発現する哺乳動物細胞又は膜調製物を、候補化合物の存在下で標識T A Tポリペプチドとともにインキュベートする。次いで、この相互作用を促進又は阻止する化合物の能力を測定する。

30

**【0338】**

潜在的なアンタゴニストのより特別な例は、免疫グロブリンとT A Tポリペプチドとの融合体に結合するオリゴヌクレオチド、特に、限られないが、ポリ-及びモノクローナル抗体及び抗体断片、一本鎖抗体、抗-イディオタイプ抗体、及びこれらの抗体又は断片のキメラ又はヒト化形態、並びにヒト抗体及び抗体断片を含む抗体を含んでいる。あるいは、潜在的アンタゴニストは、密接に関連したタンパク質、例えば、レセプターを認識するが効果を与えず、よってT A Tポリペプチドの作用を競合的に阻害するT A Tポリペプチドの変異形態であってもよい。

**【0339】**

他の潜在的なT A Tポリペプチドアンタゴニストは、アンチセンス技術を用いて調製されたアンチセンスR N A又はD N Aコンストラクトであり、例えば、アンチセンスR N A又はD N A分子は、標的m R N Aにハイブリダイゼーションしてタンパク質翻訳を妨害することによりm R N Aの翻訳を直接阻止するように作用する。アンチセンス技術は、三重螺旋形成又はアンチセンスD N A又はR N Aを通して遺伝子発現を制御するのに使用でき、それらの方法はともに、ポリヌクレオチドのD N A又はR N Aへの結合に基づく。例えば、ここでの成熟T A Tポリペプチドをコードするポリヌクレオチド配列の5'コード化部分は、約10から40塩基対長のアンチセンスR N Aオリゴヌクレオチドの設計に使用される。D N Aオリゴヌクレオチドは、転写に含まれる遺伝子の領域に相補的であるように設計され(三重螺旋 - Lee等, *Nucl. Acid Res.*, 6: 3073 (1979); Cooney等, *Science*, 241: 456 (1988); Dervan等, *Science*, 251: 1360 (1991)参照)、それによりT A Tポ

40

50

リペプチドの転写及び生成を防止する。アンチセンスRNAオリゴヌクレオチドはインビボでmRNAにハイブリダイゼーションしてmRNA分子のTATポリペプチドへの翻訳を阻止する(アンチセンス - Okano, Neurochem., 56: 560 (1991); Oligodeoxynucleotides as Antisense Inhibitors of Gene Expression (CRC Press: Boca Raton, FL, 1988))。また上記のオリゴヌクレオチドは、細胞に輸送され、アンチセンスRNA又はDNAをインビボで発現させて、TATポリペプチドの産生を阻害することもできる。アンチセンスDNAが用いられる場合、翻訳開始部位、例えば標的遺伝子ヌクレオチド配列の-10から+10位置の間から誘導されるオリゴデオキシリボヌクレオチドが好ましい。

#### 【0340】

潜在的アンタゴニストは、TATポリペプチドの活性部位、レセプター結合部位、又は成長因子又は他の関連結合部位に結合し、それによりTATポリペプチドの正常な生物学的活性を阻止する小分子を含む。小分子の例は、これらに限られないが、小型ペプチド又はペプチド様分子、好ましくは可溶性ペプチド、及び合成非ペプチド有機又は無機化合物を含む。

#### 【0341】

リボザイムは、RNAの特異的切断を触媒できる酵素的RNA分子である。リボザイムは、相補的標的RNAへの配列特異的ハイブリダイゼーション、次いでエンドヌクレアーゼ的切断により作用する。潜在的RNA標的内の特異的リボザイム切断部位は、既知の技術で同定できる。更なる詳細は、例えば、Rossi, Current Biology 4: 469-471 (1994)及びPCT公報、国際公開第97/33551号(1997年9月18日公開)を参照。

#### 【0342】

転写阻害に用いられる三重螺旋形成における核酸分子は一本鎖でデオキシヌクレオチドからなる。これらのオリゴヌクレオチドの基本組成は、フーグスティン(Hoogsteen)塩基対則を介する三重螺旋形成を促進するように設計され、それは一般に二重鎖の一方の鎖上のプリン又はピリミジンのかなり大きな伸張を必要とする。さらなる詳細は、例えば、上掲のPCT公報、国際公開97/33551を参照。

#### 【0343】

これらの小分子は、上記で議論したスクリーニングアッセイの一又は複数の任意のものにより及び/又は当業者に良く知られた他の任意のスクリーニング技術により同定できる。

#### 【0344】

単離されたTATポリペプチド-コード化核酸は、ここに記載されているような当該分野で良く知られている技術を用いて、組み換え的にTATポリペプチドを生成するために、ここで用いることが可能である。次に、生成されたTATポリペプチドは、ここに記載されているような当該分野で良く知られている技術を用いて、抗TAT抗体を生成するために用いることが可能である。

#### 【0345】

ここで同定されるTATポリペプチドに特異的に結合する抗体、並びに上記に開示したスクリーニングアッセイによって同定された他の分子は、種々の疾患の治療のために、製薬組成物の形態で投与することができる。

#### 【0346】

TATポリペプチドが細胞内にあり、全抗体が阻害剤として用いられる場合、取り込める抗体が好ましい。しかし、リボフェクション又はリボソームもまた抗体又は抗体断片を細胞に搬送するために使用できる。抗体断片が用いられる場合、標的タンパク質の結合ドメインに特異的に結合する最小阻害断片が好ましい。例えば、抗体の可変領域配列に基づいて、標的タンパク質配列に結合する能力を保持したペプチド分子が設計できる。このようなペプチドは、化学的に合成でき、及び/又は組換えDNA技術によって生成できる。例えば、Marasco等, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 90, 7889-7893 (1993)参照。

#### 【0347】

ここでの製剤は、治療すべき特定の徴候に必要な場合に1つ以上の活性化化合物、好まし

10

20

30

40

50

くは互いに悪影響を及ぼさない相補的活性を持つものも含んでよい。あるいは、又はそれに加えて、組成物は、細胞障害性薬、サイトカイン、化学療法剤、又は増殖阻害剤のようなその機能を高める薬剤を含んでもよい。これらの分子は、適切には、意図する目的に有効な量の組み合わせで存在する。

【0348】

以下の実施例は例示するためにのみ提供されるものであって、本発明の範囲を決して限定することを意図するものではない。

【0349】

本明細書で引用した全ての特許及び参考文献の全体を、出典明示によりここに取り込む。

【実施例】

【0350】

実施例で言及されている市販試薬は、特に示さない限りは製造者の使用説明に従い使用した。ATCC受託番号により以下の実施例及び明細書全体の中で特定されている細胞の供給源はアメリカン・タイプ・カルチャー・コレクション、マナッサス、バージニアである。

【0351】

実施例1：GeneExpress（登録商標）を用いた組織発現プロファイリング

他のヒト腫瘍及び/又は正常ヒト組織に比べて対象となる特定のヒト腫瘍組織において発現が顕著に且つ検出可能に上方制御されるポリペプチド（及びそれをコードする核酸）を同定するために、遺伝子発現情報を含む専有データベース（GeneExpress（登録商標）、GeneLogicInc.、米国メリーランド州ゲイサーズバーグ）を分析した。具体的に言うと、GeneExpress（登録商標）データベースの分析は、GeneLogicInc.（米国メリーランド州ゲイサーズバーグ）から入手できるGeneExpress（登録商標）データベースで使用するソフトウェア、又はGeneExpress（登録商標）データベースで使用する、ジェネンテック社で作成され、開発された専有ソフトウェアを用いて行った。分析のポジティブヒットの評価は、例えば、正常基本組織及び/又は正常増殖性組織における組織特異性、腫瘍特異性及び発現レベルなどを含むいくつかの基準に基づく。このmRNAの発現分析を用いて、TAT194ポリペプチドをコードするmRNAが、ヒト乳房腫瘍及び肺腫瘍（ヒト非小細胞肺腫瘍を含む）において、それぞれ対応する正常なヒト乳房組織及び肺組織に比べて、顕著に、再現可能に、且つ検出可能に過剰発現することが決定された。

【0352】

実施例2：癌性腫瘍におけるTATポリペプチドの上方制御を検出するためのマイクロアレイ分析

しばしば何千もの遺伝子配列を含む核酸マイクロアレイは、それらの正常な対応物と比較して、疾患組織において差次的に発現される遺伝子を同定するために有用である。核酸マイクロアレイを用いて、試験及びコントロール組織試料由来の試験及びコントロールmRNA試料は逆転写され、cDNAプローブを生成するために標識される。次いで、cDNAプローブは固体支持体上に固定化された核酸のアレイにハイブリダイズされる。アレイは、アレイの各メンバーの配列と位置がわかるように構成される。例えば、特定の疾患状態において発現されることが知られている遺伝子の選択を、固体支持体上に配列することができる。特定のアレイメンバーとの標識プローブのハイブリダイゼーションは、プローブが由来する試料がその遺伝子を発現することを示している。試験（疾患組織）試料からのプローブのハイブリダイゼーションシグナルが、コントロール（正常組織）試料からのプローブのハイブリダイゼーションシグナルよりも大きい場合、疾患組織において過剰発現される遺伝子（単数又は複数）が同定される。この結果の意味は、疾患組織で過剰発現されたタンパク質は、疾患状態の存在の診断マーカーとしてだけでなく、疾患状態の治療のための治療標的としても有用であることである。

【0353】

10

20

30

40

50

核酸ハイブリダイゼーションの方法論及びマイクロアレイ技術は当該技術分野で周知である。本実施例では、ハイブリダイゼーションのための核酸及びプローブの具体的な調製、スライド、及びハイブリダイゼーション条件は全て、2001年3月30日に出願されたPCT特許出願番号PCT/US01/10482に詳述されており、それは参照により本明細書に援用される。

#### 【0354】

本実施例では、特定の癌性腫瘍（単数又は複数）中で過剰発現されるポリペプチドを同定する試みにおいて、種々のヒト組織由来の癌性腫瘍が、異なる組織型の癌性腫瘍及び/又は非癌性ヒト組織に比べて上方制御される遺伝子の発現について研究された。ある実験において、癌性ヒト腫瘍組織及び（多くの場合同一患者からの）同一組織型の非癌性ヒト腫瘍組織を得て、TATポリペプチド発現について分析した。更に、様々な異なるヒト腫瘍のいずれかからの癌性ヒト腫瘍組織を得て、肝臓、腎臓、及び肺を含む上皮起源の非癌性ヒト組織をプールすることによって調製した「普遍的（universal）」上皮コントロール試料と比較した。プールされた上皮組織から単離されたmRNAは、種々の異なる上皮組織から発現された遺伝子産物の混合物を表し、従って、それに対して上皮起源の腫瘍における遺伝子発現レベルを定量的に比較する優れた負のコントロールを提供する。プールされたコントロール試料を用いたマイクロアレイハイブリダイゼーション実験は、2色解析において線形プロットを生成した。2色分析において生成された直線の勾配は、その後、各実験内での（試験：コントロール検出）の比を正規化するために使用された。種々の実験から正規化された比率は次いで比較され、遺伝子発現のクラスタリングを同定するために使用された。このように、プールされた「普遍的コントロール」試料は単純な2つの試料の比較において効果的な相対的な遺伝子発現の決定を可能とするのみならず、それはまた、幾つかの実験にわたって多数の試料の比較をも可能にした。

10

20

#### 【0355】

本実験において、本明細書に記載のTATポリペプチドをコードする核酸配列に由来する核酸プローブがマイクロアレイの作成に使用され、様々な腫瘍組織由来のRNAがそれに対するハイブリダイゼーションのために使用された。正規化された比率：実験的な比率に基づく値を「カットオフ比率」と指定した。このカットオフ比率を超えた値のみが有意であると決定された。比率の有意性は、各実験に関連したノイズや散乱の量から見積もられたが、一般的には、1.8倍～2倍もしくはそれ以上の比率カットオフが、対応する正常な組織及び/又はプールされた正常上皮の普遍的コントロールと比較して腫瘍試料において比較的過剰に発現された候補遺伝子を同定するために使用された。このようにして腫瘍試料において比較的過剰に発現されていると同定された遺伝子についての比率は、2倍から40倍もしくはそれ以上変化した。比較によって、同じRNAは各々の色で標識され、それ自体に対してハイブリダイズされるコントロール実験において、バックグラウンドを超えるシグナルを持つ事実上全ての遺伝子について、観察された比率は1.8倍よりも有意に小さい。これは、1.8倍の比率を上回る実験ノイズは極端に低く、観察された1.8倍以上の倍率変化は、分析・比較された試料間の発現において、実在する、検出可能かつ再現可能な相違を表すと期待されることを示している。

30

#### 【0356】

これらの実験からのデータは、TAT194ポリペプチドが、ヒト乳房腫瘍組織において、対応する正常ヒト乳房組織及び/又はプールされた正常上皮コントロール組織と比較して、有意に、検出可能かつ再現可能に過剰発現されることを実証した。このデータは、TAT194ポリペプチドは、ヒト乳癌において上方制御されていることを示す以前の報告と一致している（Esseghir et al., Cancer Research 67(24):11732-11741 (2007)を参照）。定量的には、これらの実験からのデータは、正常なヒト乳房組織と比較して、特定のヒト乳房腫瘍組織試料におけるTAT194の発現の比率は、乳房腫瘍試料において約2倍から約9倍の範囲であったことを実証した。上述したように、これらのデータは、本発明のTAT194ポリペプチドは、一以上の癌性腫瘍の存在についての診断マーカーとして有用のみならず、TAT194ポリペプチドを過剰発現する腫瘍の治療のための治療

40

50

標的としても役立つことを証明する。

【0357】

実施例3：T A T m R N A 発現の定量的解析

このアッセイでは、5'ヌクレアーゼアッセイ（例えば、TaqMan（登録商標））及びリアルタイム定量的PCR（例えば、ABI Prism 7700配列検出システム（登録商標）（パーキンエルマー、アプライドバイオシステムズディビジョン、フォスターシティ、CA））が、他の癌性腫瘍又は正常非癌性組織と比較して、癌性腫瘍又は腫瘍において有意に過剰発現される遺伝子を発見するために使用された。5'ヌクレアーゼアッセイ反応は、リアルタイムで遺伝子発現をモニターするためにTaq DNAポリメラーゼ酵素の5'エキソヌクレアーゼ活性を利用する蛍光PCRに基づいた技術である。（配列が目的の遺伝子又はEST配列に基づいている）2つのオリゴヌクレオチドプライマーが、PCR反応に典型的なアンプリコンを生成するために使用される。第三のオリゴヌクレオチド、又はプローブは、2つのPCRプライマーの間に位置するヌクレオチド配列を検出するために設計される。プローブは、Taq DNAポリメラーゼ酵素によって伸長不可能であり、レポーター蛍光色素及び消光蛍光色素で標識される。レポーター色素からの任意のレーザー誘導発光は、消光色素によって、2つの色素がプローブ上で一緒に近接して配置される場合に、消光される。PCR増幅反応の間、Taq DNAポリメラーゼ酵素は、鑄型依存的にプローブを開裂する。得られたプローブ断片は溶液中で解離し、放出されたレポーター色素からのシグナルは、第2のフルオロフォアの消光効果を受けない。レポーター色素の一分子が、合成された各新規分子に対して遊離され、非消光レポーター色素の検出は、データの定量的及び定量的解釈の根拠を与える。このアッセイはよく知られており、2つの異なるヒト組織試料間の遺伝子発現の違いを定量的に同定するために、当技術分野で日常的に使用されている。例えば、Higuchi et al., *Biotechnology* 10:413-417 (1992); Livak et al., *PCR Methods Appl.*, 4:357-362 (1995); Heid et al., *Genome Res.* 6:986-994 (1996); Pennica et al., *Proc. Natl. Acad. Sci. USA* 95(25):14717-14722 (1998); Pitti et al., *Nature* 396(6712):699-703 (1998)及びBieche et al., *Int. J. Cancer* 78:661-666 (1998)を参照。

10

20

30

40

50

【0358】

5'ヌクレアーゼの手順は、ABI Prism 7700TM配列検出などのリアルタイム定量的PCR装置上で実行される。このシステムは、サーモサイクラー、レーザー、電荷結合素子（CCD）カメラ及びコンピュータからなる。このシステムは、サーモサイクラー上で96-ウェル形式で試料を増幅する。増幅の間、レーザー誘導蛍光シグナルは、全ての96ウェルについて光ファイバーケーブルを介してリアルタイムで収集され、CCDで検出される。本システムは、機器を作動するため及びデータを分析するためのソフトウェアを含む。

【0359】

スクリーニングのための出発材料は、様々な異なる癌性組織から単離したmRNAである。mRNAは、例えば蛍光定量的に正確に定量される。陰性コントロールとして、試験されている癌性組織と同じ組織型の様々な正常組織からRNAが単離された。しばしば、腫瘍試料（複数可）は、腫瘍及び正常試料（複数可）が同じ個体から得られることを意味する、同じ組織型の「一致する」正常試料（複数可）と直接比較される。

【0360】

5'ヌクレアーゼアッセイデータは、最初にCt、又は閾値サイクルとして表される。これは、レポーターシグナルが蛍光のバックグラウンドレベルを超えて蓄積するサイクルとして定義される。Ct値は、正常なヒトmRNAの結果に対して癌のmRNAの結果を比較する場合、核酸試料中の特定の標的配列の開始コピーの相対数の定量的測定として用いられる。1つのCt単位が1回のPCRサイクル又は正常に対する約2倍の相対的な増加に対応し、2つの単位が4倍の相対的な増加に対応し、3つの単位が8倍の相対的な増加に対応する等により、二以上の異なる組織間のmRNA発現の相対的倍率の増加を量的かつ定量的に測定することができる。これに関して、このアッセイは、正常コントロールと

比較してヒト腫瘍試料におけるmRNA発現の少なくとも2倍の増加を再現可能に検出するために十分に技術的に高感度であると当技術分野で十分に受け入れられている。

【0361】

この技術を用いて、8つのヒト基底乳房腫瘍試料のうち4つ、14のHER2+ヒト乳房腫瘍試料のうち12、及び19のヒト管腔乳房腫瘍試料のうち11で、TAT194ポリペプチドは、(正常ヒト乳房組織と比較して)有意かつ検出可能に過剰発現されたことが確認されている。再び、これらのデータは、ヒト乳癌におけるTAT194タンパク質発現の上方制御についての以前の報告を確認する(Essegir et al., Cancer Research 67(24):11732-11741 (2007)を参照)。

【0362】

実施例4：TAT194ポリペプチドに結合する抗体の調製

この実施例は、TAT194に特異的に結合できるモノクローナル抗体の調製を例示する。

【0363】

モノクローナル抗体の生産のための技術は、この分野で知られており、例えば、上掲のGodingに記載されている。使用することができる免疫原には、精製TAT、TATを含む融合タンパク質、及び細胞表面上に組換えTATを発現する細胞が含まれる。免疫原の選択は、当業者が過度の実験をすることなくすることができる。

【0364】

Balb/c等のマウスを、完全フロイントアジュバントに乳化して皮下又は腹腔内に1-100マイクログラムで注入したTAT免疫原で免疫化する。あるいは、免疫原をMPL-TDMアジュバント(Ribi Immunochemical Research, Hamilton, MT)に乳化し、動物の後足蹠に注入してもよい。免疫化したマウスは、次いで10から12日後に、選択したアジュバント中に乳化した付加的免疫原で追加免疫する。その後、数週間、マウスをさらなる免疫化注射で追加免疫する。抗TAT抗体の検出のためのELISAアッセイで試験するために、後眼窩の出血からの血清試料をマウスから周期的に採取してもよい。

【0365】

適当な抗体力価が検出された後、抗体に「ポジティブ(陽性)」な動物に、TATの静脈内注射の最後の注入をすることができる。3から4日後、マウスを屠殺し、脾臓細胞を取り出す。次いで脾臓細胞を(35%ポリエチレングリコールを用いて)、ATCCから番号CRL1597で入手可能なP3X63AgU.1等の選択されたマウス骨髄腫細胞株に融合させる。融合によりハイブリドーマ細胞が生成され、次いで、HAT(ヒポキサンチン、アミノプテリン、及びチミジン)培地を含む96ウェル組織培養プレートに蒔き、非融合細胞、骨髄腫ハイブリッド、及び脾臓細胞ハイブリッドの増殖を阻害する。

【0366】

ハイブリドーマ細胞は、TATに対する反応性についてのELISAでスクリーニングされる。TATに対する所望のモノクローナル抗体を分泌する「ポジティブ(陽性)」ハイブリドーマ細胞の決定は、技術常識の範囲内である。

【0367】

陽性ハイブリドーマ細胞を同系のBalb/cマウスに腹腔内注入し、抗TATモノクローナル抗体を含む腹水を生成させる。あるいは、ハイブリドーマ細胞を、組織培養フラスコ又はローラーボトルで増殖させることもできる。腹水中に生成されたモノクローナル抗体の精製は、硫酸アンモニウム沈降、それに続くゲル排除クロマトグラフィ-を用いて行うことができる。あるいは、抗体のプロテインA又はプロテインGへの親和性に基づくアフィニティクロマトグラフィ-を用いることもできる。

【0368】

上記の技術を使用して、様々な別々の異なるハイブリドーマ細胞株が産生された。このハイブリドーマ細胞株それぞれはTAT194ポリペプチドと結合するモノクローナル抗体を産生する。これらのハイブリドーマ株によって生産されるモノクローナル抗体は、周

10

20

30

40

50

知かつ慣例的に用いられる技術、例えばウエスタンブロット、E L I S A 分析、T A T 1 9 4 ポリペプチドを発現している細胞 ( T A T 1 9 4 ポリペプチドを細胞表面に発現するようにトランスフェクトされた 2 9 3 細胞及び T A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する特定のヒト腫瘍細胞株の両方 ) の F A C S 分類分析及び / 又は免疫組織化学分析を用いて、それらが T A T 1 9 4 ポリペプチドと結合することが示されている点で機能的である。特定のこれらの抗体は本明細書において R 4 2 0 3、R 4 2 0 4、R 4 2 0 5、R 4 2 0 6、R 4 2 0 7、R 4 2 0 8、R 4 2 0 9、R 4 2 1 0 及び R 4 2 1 2 と命名され ( その各々は細胞の表面上で T A T 1 9 4 ポリペプチドに特異的に結合することが示されている )、V L、V H 及び / 又は C D R ドメインを含むこれらのモノクローナル抗体に関連するアミノ酸配列は、図 4 - 1 1 に示される。特定のこれらの抗体の K d ( n M ) ( 標準的な B I A c o r e 分析により測定される ) 及び E C 5 0 ( F A C S 分析により測定される ) の値を下記の表 2 に示す。

10

【 0 3 6 9 】

表2

抗体	kd (nM)	EC50
R4203	0.1	ND
R4204	169	3.7
R4205	0.18	2.76
R4206	0.34	2.61
R4207	0.54	1.98
R4208	1.25	3.3
R4209	2.55	2.32
R4212	105	ND

20

30

【 0 3 7 0 】

## 実施例 5 : 免疫組織化学分析

T A T 1 9 4 ポリペプチドに対する抗体を上述のように調製し、以下のようにして R 4 2 1 0 抗 T A T 1 9 4 モノクローナル抗体 ( V L - 配列番号 5 6、V H - 配列番号 6 5 ) を用いて免疫組織化学分析を行った。まず組織切片をアセトン / エタノール ( 凍結又はパラフィン包埋 ) 中で 5 分間固定した。次いで組織切片を P B S で洗浄し、その後アビジン及びビオチン ( V e c t o r K i t ) でそれぞれ 1 0 分間遮断した後、P B S で洗浄した。次いで切片を 1 0 % の血清で 2 0 分間遮断し、その後プロットニングにより過剰量を取り除いた。その後切片に 1 0 μ g / m l の濃度で 1 時間にわたり一次抗体を添加し、その後 P B S で洗浄した。次いでビオチン標識した二次抗体 ( 抗一次抗体 ) を 3 0 分間にわたって切片に添加し、その後切片を P B S で洗浄した。次に切片を V e c t o r A B C キットの試薬に 3 0 分間曝し、その後 P B S で洗浄した。さらに切片をジアミノベンジジン ( P i e r c e ) に 5 分間曝し、その後 P B S で洗浄した。次いで M a y e r s のヘマトキシリンを用いて切片を対比染色し、カバーガラスで覆って可視化した。また、Sambrook 等、Molecular Cloning: A Laboratory Manual, New York: Cold Spring Harbor Press, 1989 及び Ausubel 等、Current Protocols of Molecular Biology, Unit 3.16, John Wi

40

50

ley及びSons (1997)に記載のようにして、免疫組織化学分析を行うこともできる。

【0371】

これらの分析の結果は、採用された抗TAT194モノクローナル抗体は、48の独立した原発性ヒト乳癌試料のうち19(40%)でTAT194の発現を同定し、ここでTAT194の発現について陽性であると同定されたそれら19の独立した試料のうち8つは、腫瘍細胞の表面で中程度から強のTAT194の発現を証明したことを示している。更に、採用された抗TAT194モノクローナル抗体は、48の独立した転移性ヒト乳癌試料のうち17(35%)でTAT194の発現を同定し、ここでTAT194の発現について陽性であると同定されたそれら17の独立した試料のうち9つは、腫瘍細胞の表面で中程度から強のTAT194の発現を証明した。

10

【0372】

実施例6：抗TAT194抗体のインターナリゼーションアッセイ

この例では、抗TAT194モノクローナル抗体は、細胞の表面上でのTAT194ポリペプチドへの抗体結合に続いて細胞内にインターナライズ(内部移行)されることを示している。

【0373】

具体的には、293細胞をTAT194ポリペプチドをコードするベクターを用いてトランスフェクトし、細胞表面上でTAT194ポリペプチドを発現しているクローン(293-RET)を確認した。抗TAT194ポリペプチドモノクローナル抗体を、Alexa-Fluor488にコンジュゲートさせ、293-RET細胞とともに4で1時間インキュベートした後、細胞を洗浄した。次いで、抗体結合細胞を、2時間、37でインキュベートし、結合した抗体のインターナリゼーション(内部移行)を生じさせ、その後細胞を、抗Alexa-Fluor488抗体の存在下で20分間、4でインキュベートした。次いで細胞表面及び内部の平均蛍光強度の両方を測定した。

20

【0374】

これらの分析からの結果は、R4203、R4204、R4205、R4206、R4207、R4208及びR4209の全てが細胞表面上のTAT194ポリペプチドに結合すると、優れた細胞インターナリゼーション能力を示すことを実証した。R4212抗体はまた、試験した他の抗TAT194抗体よりも低い定量的なレベルでインターナリゼーションすることができた。これらのデータは、このアッセイにおいて試験された抗TAT194抗体は全て、細胞表面上にTAT194ポリペプチドを発現する細胞の内部に化合物(例えば、細胞毒素)を導くための効果的な試薬となることを実証している。

30

【0375】

実施例7：TAT194に結合する、毒素をコンジュゲートした抗体の調製

細胞障害性又は細胞分裂停止性の薬剤、すなわち癌治療において腫瘍細胞を殺すか又は阻害するための薬剤の局部運搬に抗体-薬剤コンジュゲート(ADC)、つまり免疫複合体を用いると(Payne (2003) *Cancer Cell* 3:207-212; Syrigos及びEpenetos (1999) *Anti cancer Research* 19:605-614; Niculescu-Duvaz及びSpringer (1997) *Adv. Drg Del. Rev.* 26:151-172; 米国特許第4975278号)、腫瘍への薬剤部分の標的とする運搬とそこでの細胞内集積が可能となり、この非コンジュゲート薬物作用剤の全身性投与により正常細胞並びに除去しようとする腫瘍細胞への毒性が容認できないレベルとなりうる(Baldwinら、(1986) *Lancet* (Mar. 15, 1986):pp603-05; Thorpe, (1985) 「Antibody Carriers Of Cytotoxic Agents In Cancer Therapy: A Review,」 in *Monoclonal Antibodies '84: Biological And Clinical Applications*, A. Pincheraら (ed.s), pp. 475-506)。そのため、最小限の毒性で最大限の効果が求められる。ADCを設計して精製するために、モノクローナル抗体(mAb)の選択性並びに薬剤結合特性及び薬剤放出特性に注目した。ポリクローナル抗体及びモノクローナル抗体は共に、この方策に有用であるとして報告されている(Rowland等、(1986) *Cancer Immunol. Immunother.*, 21:183-87)。これらの方法に用いる薬物には、ダウノマイシン、ドキソルピシン、メトトレキサート及びビンデシンが含まれる(Rowland等、(1986)、上掲)。抗体-毒素コンジュゲートに用いる毒素には、ジ

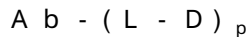
40

50

フテリア毒素などの細菌性毒素、リシンなどの植物毒素、ゲルダナマイシン(Mandlerら(2000) J. of the Nat. Cancer Inst. 92(19):1573-1581; Mandlerら(2000) Bioorganic & Med. Chem. Letters 10:1025-1028; Mandlerら(2002) Bioconjugate Chem. 13:786-791)、メイタンシノイド(欧州特許第1391213号; Liu等、(1996) Proc. Natl. Acad. Sci. USA 93:8618-8623)、及びカリケアマイシン(Lodeら(1998) Cancer Res. 58:2928; Hinmanら(1993) Cancer Res. 53:3336-3342)などの小分子毒素が含まれる。

#### 【0376】

本発明の抗体薬剤コンジュゲート(ADC)において、抗体(Ab)は、リンカー(L)を介して、一以上の薬剤部分(D)、例えば抗体につき約1~約20の薬剤部分にコンジュゲートする。式：



を有するADCはいくつかの手段、当業者に周知の有機化学反応、状態及び試薬を用いて調製される：(1)共有結合の後に薬剤部分Dと反応してAb-Lを形成するための、二価のリンカー試薬を用いた抗体の求核基の反応；及び(2)共有結合の後に抗体の求核基と反応してD-Lを形成するための、二価のリンカー試薬を用いた薬剤部分の求核基の反応、が含まれる。ADCを調製するための更なる方法は本願明細書中に記載される。

#### 【0377】

リンカーは、一以上のリンカー成分から成ってもよい。例示的なリンカー成分は、6-マレイミドカプロイル(「MC」)、マレイミドプロパノイル(「MP」)、バリン-シトルリン(「val-cit」)、アラニン-フェニルアラニン(「ala-phe」)、p-アミノベンジルオキシカルボニル(「PAB」)、N-スクシンイミジル4-(2-ピリジルチオ)ペンタノエート(「SPP」)、N-スクシンイミジル4-(N-マレイミドメチル)シクロヘキサ-1カルボキシレート(「SMCC」)、及びN-スクシンイミジル(4-ヨード-アセチル)アミノ安息香酸エステル(「SIAB」)を含む。更なるリンカー成分は当分野で周知であり、そのいくつかは本願明細書において記述される。

#### 【0378】

いくつかの実施態様では、リンカーはアミノ酸残基を含みうる。例示的なアミノ酸リンカー成分には、ジペプチド、トリペプチド、テトラペプチド又はペンタペプチドなどがある。例示的なジペプチドは、バリン-シトルリン(vc又はval-cit)、アラニン-フェニルアラニン(af又はala-phe)を含む。例示的なトリペプチドは、グリシン-バリン-シトルリン(gly-val-cit)及びグリシン-グリシン-グリシン(gly-gly-gly)を含む。アミノ酸リンカー成分を含んでなるアミノ酸残基は、天然に生じるものの、並びに微量のアミノ酸及び非天然に生じるアミノ酸類似体、例えばシトルリンを含む。アミノ酸リンカー成分は設計可能であり、特に酵素、例えば腫瘍関連プロテアーゼ、カテプシンB、C及びD又はプラスミンプロテアーゼによる酵素的切断の選択性に最適化できる。

#### 【0379】

抗体上の求核基には、限定するものでなく、以下のものを含む：(i) N末端アミン基、(ii) 側鎖アミン基、例えばリシン、(iii) 側鎖チオール基、例えばシステイン、及び(iv) 抗体がグリコシル化される糖水酸基又はアミノ基。アミン、チオール、ヒドロキシル、ヒドラジド、オキシム、ヒドラジン、チオセミカルバゾン、ヒドラジンカルボン酸エステル及びアリアルヒドラジド基は、求核であり、反応して、リンカー部分上の求電子性の群及びリンカー試薬により共有結合を形成することができる：(i) 活性エステル、例えばNHSエステル、HOBTエステル、ハロギ酸及び酸ハロゲン化物；(ii) アルキル及びベンジルハライド、例えばハロアセトアミド；(iii) アルデヒド、ケトン、カルボキシル及びマレイミド基、が含まれる。特定の抗体は、還元しうる鎖間ジスルフィド、すなわちシステイン架橋を有する。抗体は、還元剤、例えばDTT(ジチオトレイトール)による処置によって、リンカー試薬を用いたコンジュゲート反応を行ってもよい。ゆえに、各々のシステイン架橋は、理論的には、2の反応性のチオール求核基を形成する。アミンをチオールに転換させる2-イミノチオラン(トラウトの試薬)を用いてリ

10

20

30

40

50

シンを反応させることによって抗体に付加的な求核基を導入することができる。反応性のチオール基は、1、2、3、4又はそれ以上のシステイン残基を導入する(例えば、一又は複数の非天然のシステインアミノ酸残基を含んでなる変異体抗体を調製する)ことによって抗体(又は、その断片)に導入されてもよい。

【0380】

また、本発明の抗体薬剤コンジュゲートは、抗体を修飾して求電子性の部分を導入する(リンカー試薬又は薬剤上の求核置換基と反応させることができる)ことによって生成してもよい。グリコシル化された抗体の糖質を、例えば過ヨウ素酸塩酸化剤を用いて酸化して、リンカー試薬又は薬剤部分のアミン基と反応するアルデヒド又はケトン基を形成させてもよい。生じたイミンシッフ塩基群が安定結合を形成するか、又は例えば安定アミン結合を形成させるホウ化水素試薬によって、還元してもよい。一実施態様では、ガラクトースオキシダーゼ又はナトリウムメタ過ヨウ素酸塩の何れかによるグリコシル化抗体の炭水化物部分の反応により、薬剤(Hermanson, Bioconjugate Techniques)上の適当な基と反応することができるタンパク質のカルボニル(アルデヒド及びケトン)基が生じうる。他の実施態様では、N末端セリン又はスレオニン残基を含んでいるタンパク質はナトリウムメタ過ヨウ素酸塩と反応して、第一のアミノ酸の代わりにアルデヒドを生成する(Geoghegan & Stroh, (1992) Bioconjugate Chem. 3:138-146; 米国特許第5362852号)。このようなアルデヒドは、薬剤部分又はリンカー求核基と反応することができる。

10

【0381】

別法として、抗体及び細胞障害性剤を含有する融合タンパク質は、例えば組換え技術又はペプチド合成により作製される。DNAの長さは、コンジュゲートの所望する特性を破壊しないリンカーペプチドをコードする領域により離間しているか、又は互いに隣接しているコンジュゲートの2つの部分をコードする領域をそれぞれ含有する。

20

【0382】

他の実施態様において、腫瘍の事前ターゲティングに利用するために、「レセプター」(例えばストレプトアビジン)に抗体をコンジュゲートし、ここで抗体-レセプターコンジュゲートを患者に投与し、続いて清澄剤を使用し、循環から非結合コンジュゲートを除去し、細胞障害性剤(例えば放射性ヌクレオチド)にコンジュゲートする「リガンド」(例えばアビジン)を投与する。

30

【0383】

毒素を精製した抗体に連結することによって抗体-薬剤コンジュゲートを生産するための具体的な技術は周知であり、当分野で慣例的に用いられる。例えば、毒素DM1への精製されたモノクローナル抗体のコンジュゲートは、以下の通りに達成されうる。精製された抗体は、ジチオピリジル基を導入するために、N-スクシンイミジル-4-(2-ピリジルチオ)ペンタノエートによって、誘導体化される。NaCl(50 mM)及びEDTA(1 mM)を含有する44.7 mLの50 mM リン酸カリウムバッファ(pH 6.5)中の抗体(376.0 mg、8 mg/mL)を、SPP(2.3 mL エタノール中に5.3のモル当量)にて処理した。室温、アルゴン下にて90分間インキュベートした後、反応混合物を、35 mMのクエン酸ナトリウム、154 mM NaCl、2 mM EDTAにて平衡化したSephadex G25カラムにゲル濾過する。抗体含有分画をプールして、アッセイする。抗体-SPP-Py(337.0 mg、遊離可能な2-チオピリジン基を有する)を上記の35 mM クエン酸ナトリウムバッファ、pH 6.5にて希釈して、およそ2.5 mg/mLの終濃度にした。次いで、DM1(1.7当量、16.1モル)を含む3.0 Mのジメチルアセトアミド(DMA、最終反応混合物中3% v/v)を抗体溶液に添加する。およそ20時間、室温、アルゴン下にて反応を行う。反応物を、35 mMのクエン酸ナトリウム、154 mMのNaCl、pH 6.5にて平衡化したセファクリルS300ゲル濾過カラム(5.0 cm x 90.0 cm、1.77 L)に流す。流速は5.0 mL/分、65の分画(各々20.0 mL)を回収する。分画をプールし、アッセイする。このアッセイにおいて、抗体分子当たりの結合されるDM1薬剤分子の数(p')は、252 nm及び

40

50

280 nmの吸光度を測定して決定する。

【0384】

また、例示として、毒素DM1への精製されたモノクローナル抗体のコンジュゲートは、以下の通りに達成されうる。精製された抗体は、(スクシンイミジル4(N-マレイミドメチル)シクロヘキサン-1-カルボキシレート(SMCC、Pierce Biotechnology, Inc)で誘導体化して、SMCCリンカーを導入する。50 mM リン酸カリウム / 50 mM 塩化ナトリウム / 2 mM EDTA、pH 6.5中で、7.5モル当量のSMCC(DMSO中に20 mM、6.7 mg/mL)にて20 mg/mLの抗体を処理した。室温のアルゴン下で2時間攪拌した後に、反応混合物を、50 mM リン酸カリウム / 50 mM 塩化ナトリウム / 2 mM EDTA、pH 6.5にて平衡化したSephadex G25カラムにて濾過する。抗体含有分画をプールして、アッセイする。次いで、抗体-SMCCを、50 mM リン酸カリウム / 50 mM 塩化ナトリウム / 2 mM EDTA、pH 6.5で希釈して、最終濃度およそ10 mg/mLとし、10 mMのDM1(5 SMCC / 抗体と推定して1.7当量、7.37 mg/mL)を含むジメチルアセトアミド溶液と反応させる。反応は、16.5時間、室温、アルゴン下にて攪拌して行う。コンジュゲート反応混合物は、pH 6.5の1xPBSによるSephadex G25ゲル濾過カラム(1.5 x 4.9 cm)で濾過する。次いで、DM1 / 抗体の比(p)を252 nmと280 nmの吸光度にて測定する。

10

【0385】

さらに、選択した抗体の遊離システインを、ビスマレイミド試薬BM(PEO)4(Pierce Chemical)にて修飾して、抗体の表面上の反応していないマレイミド基を除去する。これは、BM(PEO)4を50%のエタノール / 水混合液に10 mMの濃度になるまで溶解して、およそ1.6 mg/mL(10マイクロモル)の濃度でリン酸緩衝生理食塩水中に抗体を含有する溶液に10倍のモル過剰量を加え、1時間反応させることによって達成される。過剰なBM(PEO)4は、30 mMのクエン酸塩(pH 6)中、150 mMのNaCl緩衝液を用いてゲル濾過にて除去する。およそ10倍のモル過剰DM1を、ジメチルアセトアミド(DMA)に溶解して、抗体-BMPEO中間生成物に加える。また、ジメチルホルムアミド(DMF)を用いて薬剤部分の試薬を溶解してもよい。反応混合物を終夜反応させて、PBSでゲル濾過ないし透析を行って反応していない薬剤を取り除く。PBS中のS200カラムによるゲル濾過を用いて、高分子量凝集塊を取り除いて、精製された抗体-BMPEO-DM1コンジュゲートを供給する。

20

30

【0386】

細胞障害性剤は、典型的には抗体のしばしば多数のリジン残基により抗体にコンジュゲートされている。対象の抗体に存在するか、又は対象の抗体中に操作したチオール基によるコンジュゲートもまた達成されている。例えば、システイン残基は遺伝子工学技術によってタンパク質内に導入されて、リガンドの共有結合的付着部位を形成している(Better等(1994) J. Biol. Chem. 13:9644 9650; Bernhard等(1994) Bioconjugate Chem. 5:126 132; Greenwood等(1994) Therapeutic Immunology 1:247 255; Tu等(1999) Proc. Natl. Acad. Sci USA 96:4862 4867; Kanno等(2000) J. of Biotechnology, 76:207 214; Chmura等(2001) Proc. Nat. Acad. Sci. USA 98(15): 8480 8484; 米国特許第6248564号)。一旦遊離システイン残基が対象の抗体の中に存在すると、毒素はその部位に連結されうる。例えば、薬剤リンカー試薬であるマレイミドカプロイル-モノメチルアウリスタチンE(MMAE)、すなわちMC-MMAE、マレイミドカプロイル-モノメチルアウリスタチンF(MMAF)、すなわちMC-MMAF、MC-val-cit-PAB-MM A E又はMC-val-cit-PAB-MMAFをDMSOに溶解して、濃度がわかっているアセトニトリルと水にて希釈して、冷やしたシステイン誘導体化抗体を含むリン酸緩衝生理食塩水(PBS)に添加する。およそ1時間後に、過剰量のマレイミドを添加して反応を止め、反応していない抗体チオール基を覆う。反応混合物を遠心限外濾過によって濃縮し、毒素コンジュゲート抗体を精製して、PBS中のG25樹脂による溶出によって脱塩して、無菌条件下で0.2 mのフィルターにて濾過して、保存のために凍結させる。

40

50

## 【0387】

さらに、本発明の抗TAT194抗体は、以下の技術を用いてアウリスタチン及びドロスタチン毒素(例えばMMAE及びMMAF)にコンジュゲートされうる。抗体は、pH8.0の500mMホウ酸ナトリウムと500mM塩化ナトリウムに溶解して、過剰量の100mMジチオトレイトール(DTT)で処理する。37°Cでおよそ30分インキュベートした後、Sephadex G25樹脂で溶出することによって、バッファを交換して、1mM DTPAを含むPBSにて溶出する。溶液の280nmの吸光度とDTNB(Aldrich, Milwaukee, WI)と反応させて412nmの吸光度の測定によるチオール濃度から、還元した抗体濃度を決定することによって、チオール/Ab値を調べる。PBSに溶解した還元型抗体を氷上で冷やす。

10

## 【0388】

薬剤リンカー試薬である(1)マレイミドカプロイル-モノメチルアウリスタチンE(MMAE)、すなわちMC-MMAE、(2)MC-MMAF、(3)MC-val-cit-PAB-MMAE又は(4)MC-val-cit-PAB-MMAFをDMSOに溶解して、濃度がわかっているアセトニトリルと水にて希釈して、PBS中の冷やした還元型抗体を添加する。およそ1時間後に、過剰量のマレイミドを添加して反応を止め、反応していない抗体チオール基を覆う。反応混合物を遠心限外濾過によって濃縮し、コンジュゲートした抗体を精製して、PBS中のG25樹脂による溶出によって脱塩して、無菌条件下で0.2mのフィルターにて濾過して、保存のために凍結させる。

20

## 【0389】

本明細書中に記載されるMMAE及びDM1毒素コンジュゲート抗TAT194抗体は両方とも記載の通りに調製され、どちらかの毒素へのコンジュゲーションがTAT194発現細胞の表面上のTAT194ポリペプチドに結合する抗体の能力に影響を与えたかどうかを決定するために、標準的なFACS分析を用いて試験された。これらの分析からの結果は、TAT194ポリペプチドへの結合の低下は、毒素への抗体のコンジュゲーションの際に全く観察されないことを実証した。

## 【0390】

実施例8：抗TAT194抗体のヒト化

抗RETマウスモノクローナル抗体クローン4205は、以下に記載されるようにヒト化された。残基番号は、Kabat et al., Sequences of proteins of immunological interest, 5th Ed., Public Health Service, National Institutes of Health, Bethesda, MD (1991)に従う。

30

## 【0391】

アクセプターヒトコンセンサスフレームワーク上での超可変領域の直接移植。

クローン4205のヒト化中に構築される変異体は、IgGの形態で評価した。マウスクローン4205からのVL及びVHドメインはヒトのVLカッパIV(VL<sub>K<sub>I</sub>V</sub>)及びヒトVHサブグループI(VH<sub>I</sub>)コンセンサス配列と整列させた。マウスクローン4205抗体からの超可変領域は、ヒトアクセプターフレームワーク中に操作した。「バーニア」ゾーンとして作用するフレームワーク残基の一部であることが見出される残基は、CDRの構造を調整し及び抗原適合を微調整することができる。例えば、Foote and Winter, J. Mol. Biol. 224: 487-499 (1992)を参照。これらのCDRの定義は、それらの配列超可変性によって定義された位置(Wu, T. T. & Kabat, E. A. (1970))、それらの構造的な位置(Chothia, C. & Lesk, A. M. (1987))及び抗原抗体接触へのそれらの関与(MacCallum et al. J. Mol. Biol. 262: 732-745 (1996))を含む。

40

## 【0392】

実施例9：インビトロでの腫瘍細胞死滅アッセイ

対象のTAT194ポリペプチドを発現する哺乳動物細胞を、標準的な発現ベクター及びクローニング法を使用して得る。あるいは、対象のTAT194ポリペプチドを発現する多くの腫瘍細胞株は例えばATCCから公的に入手可能であり、標準的なELISA又はFACS分析法を使用して常套的に同定することができる。次いで抗TAT194ポリ

50

ペプチドモノクローナル抗体（及びその毒素コンジュゲート誘導体）をアッセイで用いて、T A T 1 9 4 ポリペプチド発現細胞を死滅させるインビトロでの抗体の能力を測定することができる。

#### 【0393】

例えば、対象のT A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞を上述のようにして得て、96ウェルの皿に蒔く。一分析例では、抗体/毒素コンジュゲート（又は裸の抗体）を4日の期間の細胞インキュベーションの間、含ませる。第二の独立の分析例では、細胞を抗体/毒素コンジュゲート（又は裸の抗体）と共に1時間インキュベートし、次いで洗浄して、4日の期間、抗体/毒素コンジュゲートの不存在下でインキュベートする。更に別の独立した分析では、その細胞表面上にT A T 1 9 4 ポリペプチドを発現するように遺伝子操作された細胞（及びT A T 1 9 4 ポリペプチドを発現しないコントロール細胞）は、毒素コンジュゲート抗T A T 1 9 4 抗体で処置し、比較を行うことができる。次いで、細胞生存度を、PromegaのCell Titer - Glo Luminescent Cell Viability Assay（カタログ番号G7571）を使用して測定する。未処理細胞はネガティブコントロールになる。

10

#### 【0394】

特に本発明に関して特異的である第一の実験では、特定の抗T A T 1 9 4 抗体（R 4 2 0 4、R 4 2 0 5、R 4 2 0 6、及びR 4 2 0 9）のADC MC - v c - P A B - M M A E 毒素コンジュゲートの種々の濃度が、( i ) 細胞表面上にT A T 1 9 4 ポリペプチドを発現するように遺伝子操作された293細胞（293 / R E T 細胞）、及び( i i ) 細胞表面上にT A T 1 9 4 ポリペプチドを発現していない293細胞（293細胞）に結合し死滅させる能力に関して試験された。これらの分析の結果は図12～15に示され、M M A E 毒素がコンジュゲートした各抗T A T 1 9 4 抗体は、293 / R E T 細胞（すなわち、細胞表面上にT A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞）におけるT A T 1 9 4 標的特異的細胞死の有意なレベルを引き起こすが、一方有意なT A T 1 9 4 標的特異的細胞死滅は293細胞では観察されなかったことを実証する。これらのデータは、抗T A T 1 9 4 抗体は、T A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞の表面上でT A T 1 9 4 ポリペプチドに結合し、その細胞死を引き起こすことができることを実証している。

20

#### 【0395】

第二の独立実験では、特定の抗T A T 1 9 4 抗体（R 4 2 0 4、R 4 2 0 5、R 4 2 0 6、及びR 4 2 0 9）のADC M C C - D M 1 毒素コンジュゲートの種々の濃度が、( i ) 293 / R E T 細胞、及び( i i ) 293細胞に結合し、死滅させる能力について試験された。これらの分析の結果は図16～19に示され、D M 1 毒素がコンジュゲートした各抗T A T 1 9 4 抗体は、293 / R E T 細胞（すなわち、細胞表面上にT A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞）におけるT A T 1 9 4 標的特異的細胞死の有意なレベルを引き起こすが、一方有意なT A T 1 9 4 標的特異的細胞死滅は293細胞では観察されなかったことを実証する。これらのデータは、抗T A T 1 9 4 抗体は、T A T 1 9 4 ポリペプチドを発現する細胞の表面上でT A T 1 9 4 ポリペプチドに結合し、その細胞死を引き起こすことができることを再び実証している。

30

#### 【0396】

これらのデータは、これらのアッセイにおいて使用される種々の抗T A T 1 9 4 抗体は、細胞表面上のT A T 1 9 4 ポリペプチドに結合し、抗体が結合するこれらの細胞の死滅を誘導することができることを実証している。

40

#### 【0397】

実施例10：ハイブリダイゼーションプローブとしてのT A T の使用

以下の方法は、T A T をコードするヌクレオチド配列のハイブリダイゼーションプローブとして、すなわち哺乳類における腫瘍の存在を診断するための使用を記載する。

#### 【0398】

ここに開示した完全長又は成熟T A T のコード化配列を含んでなるDNAを、ヒト組織cDNAライブラリー又はヒト組織ゲノムライブラリーにおける相同的なDNA（例えば

50

、T A Tの天然に生じる変異体をコードするもの)のスクリーニングのためのプローブとしてもまた用いられる。

【0399】

いずれかのライブラリーDNAを含むフィルターのハイブリダイゼーション及び洗浄は、以下の高ストリンジェント条件で実施した。放射標識T A T誘導プローブのフィルターへのハイブリダイゼーションは、50%ホルムアルデヒド、5×SSC、0.1%SDS、0.1%ピロリン酸ナトリウム、50mMリン酸ナトリウム、pH6.8、2×デンハルト溶液、及び10%硫酸デキストランの溶液中で、42℃において20時間行った。フィルターの洗浄は、0.1×SSC及び0.1%SDSの水溶液中、42℃で行った。

【0400】

次いで、完全長天然配列T A TをコードするDNAと所望の配列同一性を有するDNAは、この分野で知られた標準的な方法を用いて同定できる。

【0401】

実施例11：大腸菌中でのT A Tの発現

この実施例は、大腸菌中での組換え発現によるT A Tの非グリコシル化形態の調製を例証する。

【0402】

T A TをコードするDNA配列を、選択されたPCRプライマーを用いて最初に増幅する。プライマーは、選択された発現ベクターの制限酵素部位に対応する制限酵素部位を持たなければならない。種々の発現ベクターが用いられる。好適なベクターの例は、pBR322(大腸菌由来のもの; Bolivar等, Gene, 2:95 (1977)参照)であり、アンピシリン及びテトラサイクリン耐性についての遺伝子を含む。ベクターは、制限酵素で消化され、脱リン酸化される。PCR増幅した配列は、次いで、ベクターに結合させる。ベクターは、好ましくは抗生物質耐性遺伝子、trpプロモーター、ポリ-Hisリーダー(最初の6つのSTIIコドン、ポリ-His配列、及びエンテロキナーゼ切断部位を含む)、T A Tコードする領域、ラムダ転写ターミネーター、及びargU遺伝子を含む。

【0403】

ライゲーション混合物は、次いで、上掲のSambrook等に記載された方法を用いて選択した大腸菌の形質転換に使用される。形質転換体は、それらのLBプレートで増殖する能力により同定され、次いで抗生物質耐性クローンが選択される。プラスミドDNAが単離され、制限分析及びDNA配列で確認される。

【0404】

選択されたクローンは、抗生物質を添加したLBブロスなどの液体培地で終夜増殖させることができる。終夜培地は、続いて大規模培地の播種に用いられる。次に細胞を所望の光学密度まで増殖させ、その間に発現プロモーターが作動する。

【0405】

さらに数時間の細胞培養の後、遠心分離による集菌が可能である。遠心分離で得られた細胞ペレットは、この分野で知られた種々の試薬を用いて可溶化され、次いで可溶化T A Tタンパク質を、タンパク質が強く結合する条件下で金属キレート化カラムを用いて精製可能である。

【0406】

以下の手法を用いて、ポリ-His(ポリ-ヒス)タグ形態でT A Tを大腸菌で発現させてもよい。T A TをコードするDNAを、選択したPCRプライマーを用いて最初に増幅する。プライマーは、選択された発現ベクターの制限酵素部位に対応する制限酵素部位、並びに効率的で信頼性のある翻訳開始、金属キレートカラムでの迅速な精製、及びエンテロキナーゼでのタンパク質分解的除去を与える他の有用な配列を含む。次いでPCR増幅された、ポリ-Hisタグ配列を発現ベクターに結合させ、それを株52(W3110 fuhA(tonA) longale rpoHts(htpRts) clpP(lacIq))に基づく大腸菌宿主の形質転換に使用する。形質転換体は、最初に50mg/mlのカルベニシリンを含有するLB中、30℃で振盪しながら3-5のO.D.600に

10

20

30

40

50

達するまで増殖させる。次いで培地をC R A P培地(3.57gの $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$ 、0.71gのクエン酸ナトリウム・ $2\text{H}_2\text{O}$ 、1.07gのKCl、5.36gのDifco酵母抽出物、500mL水中の5.36gのSheffield hycase SF、並びに110mMのMPOS、pH7.3、0.55%(w/v)のグルコース及び7mMの $\text{MgSO}_4$ の混合で調製)中に50-100倍希釈し、30で振盪させながら約20-30時間増殖させた。試料を取り出してSDS-PAGE分析により発現を確認し、バルク培地を遠心分離して細胞のペレットとする。細胞ペレットを精製及びリフォールディングまで凍結させた。

#### 【0407】

0.5から1Lの発酵(6-10gペレット)からの大腸菌ペーストを、7Mのグアニジン、20mMのトリス、pH8バッファー中で10容量(w/v)で再懸濁させた。固体硫酸ナトリウム及びテトラチオン酸ナトリウムを添加して最終濃度を各々0.1M及び0.02Mとし、溶液を4で終夜攪拌する。この工程により、すべてのシステイン残基が亜硫酸化によりブロックされた変性タンパク質がもたらされる。溶液をBeckmanのUltracentrifuge中で40,000rpmで30分間遠心する。上清を金属キレートカラムバッファー(6Mのグアニジン、20mMのトリス、pH7.4)の3-5容量で希釈し、0.22ミクロンフィルターを通して濾過して透明化する。透明化抽出物を、金属キレートカラムバッファーで平衡化させた5mlのQiagen NINTA金属キレートカラムに充填する。カラムを50mMのイミダゾール(Calbiochem, Utrrol grade)を含む添加バッファー、pH7.4で洗浄する。タンパク質を250mMのイミダゾールを含有するバッファーで溶離する。所望のタンパク質を含有する画分をプールし、4で保存する。タンパク質濃度は、そのアミノ酸配列に基づいて計算した吸光係数を用いて280nmにおけるその吸収により見積もる。

#### 【0408】

試料を、20mMのトリス、pH8.6、0.3MのNaCl、2.5Mの尿素、5mMのシステイン、20mMのグリシン及び1mMのEDTAからなる新たに調製した再生バッファー中に徐々に希釈することによりタンパク質をリフォールディングさせる。リフォールディング容量は、最終的なタンパク質濃度が50~100マイクログラム/mlとなるように選択する。リフォールディング溶液を4で12-36時間ゆっくり攪拌する。リフォールディング反応はTFAを最終濃度0.4%(約3のpH)で添加することにより停止させる。タンパク質をさらに精製する前に、溶液を0.22ミクロンフィルターを通して濾過し、アセトニトリルを最終濃度2-10%で添加する。リフォールディングしたタンパク質を、Poros R1/H逆相カラムで、0.1%TFAの移動バッファーと10~80%のアセトニトリル勾配での溶離を用いてクロマトグラフにかける。A280吸収を持つ画分の一定分量をSDSポリアクリルアミドゲルで分析し、相同なりフォールディングタンパク質を含有する画分をプールする。一般的に、大部分のタンパク質が適正にリフォールドした種は、これらの種が、逆相樹脂との相互作用から遮蔽されているその疎水性内部を伴って最もコンパクトであるので、アセトニトリルの最低濃度で溶離される。凝集した種は通常、より高いアセトニトリル濃度で溶離される。ミスフォールドしたタンパク質を所望の形態から除くのに加えて、逆相工程は試料からエンドトキシンも除去する。

#### 【0409】

フォールドされた所望のTATポリペプチドを含有する画分をプールし、その溶液に向けられた弱い窒素の気流を用いてアセトニトリルを除去する。タンパク質は、透析によるか、又は調製バッファーで平衡化したG25 Superfine(Pharmacia)樹脂を用いたゲル濾過により、0.14Mの塩化ナトリウム及び4%のマンニトールを含む20mMのHepes、pH6.8に調製され、滅菌濾過される。

#### 【0410】

ここで開示される特定のTATポリペプチドは、この方法を使用して成功裏に発現され精製された。

10

20

30

40

50

## 【0411】

実施例12：哺乳動物細胞中でのTATの発現

この実施例は、哺乳動物細胞における組み換え発現によるTATの潜在的なグリコシル化形態の調製を例示する。

## 【0412】

発現ベクターとしてpRK5（1989年3月15日発行の欧州特許第307247号を参照のこと）を用いた。場合によっては、TAT DNAを選択した制限酵素を持つpRK5に結合させ、上掲のSambrook等に記載されたようなライゲーション方法を用いてTAT DNAを挿入させる。得られたベクターは、pRK5-TATと呼ばれる。

## 【0413】

一実施態様では、選択した宿主細胞は293細胞とすることができる。ヒト293細胞（ATCC CCL 1573）は、ウシ胎児血清及び場合によっては栄養成分及び/又は抗生物質を添加したDMEMなどの媒質中で組織培養プレートにおいてコンフルエンスまで増殖させる。約10 $\mu$ gのpRK5-TAT DNAを、VARNA遺伝子をコードする約1 $\mu$ gのDNAと混合し[Thimmappaya等, Cell, 31:543(1982)]、500 $\mu$ lの1mMトリス-HCl、0.1mMのEDTA、0.227MのCaCl<sub>2</sub>に溶解させる。この混合物に、500 $\mu$ lの50mM HEPES (pH7.35)、280mMのNaCl、1.5mMのNaPO<sub>4</sub>を滴下添加し、25 $\times$ で10分間沈殿物を形成させる。沈殿物を懸濁し、293細胞に加えて37 $\times$ で約4時間定着させる。培養培地を吸引し、20%グリセロールを含むPBS溶液2mlを30秒間添加する。293細胞は、次いで無血清培地で洗浄し、新鮮な培地を添加し、細胞を約5日間インキュベートする。

## 【0414】

形質移入の約24時間後、培養培地を除去し、培養培地（単独）又は200 $\mu$ Ci/ml<sup>35</sup>S-システイン及び200 $\mu$ Ci/ml<sup>35</sup>S-メチオニンを含む培養培地で置換する。12時間のインキュベーションの後、条件培地を回収し、スピンフィルターで濃縮し、15%SDSゲルに添加する。処理したゲルを乾燥させ、TATポリペプチドの存在を明らかにするために選択された時間にわたってフィルムにさらす。形質転換した細胞を含む培地は、更なるインキュベーションを施し（無血清培地で）、選択されたバイオアッセイで培地を試験する。

## 【0415】

これに換わる技術において、TATは、Somparyrac等, Proc. Natl. Acad. Sci., 12:7575 (1981)に記載された硫酸デキストラン法を用いて293細胞に一過的に導入される。293細胞は、スピナーフラスコ内で最大密度まで増殖させ、700 $\mu$ gのpRK5-TAT DNAを添加する。細胞は、まずスピナーフラスコから遠心分離によって濃縮し、PBSで洗浄する。DNA-デキストラン沈殿物を細胞ペレット上で4時間インキュベートした。細胞を20%グリセロールで90秒間処理し、組織培養培地で洗浄し、組織培養培地、5 $\mu$ g/mlウシインシュリン及び0.1 $\mu$ g/mlウシトランスフェリンを含むスピナーフラスコに再度導入する。約4日後に、条件培地を遠心分離して濾過し、細胞及び細胞片を除去する。次いで発現されたTATを含む試料を濃縮し、透析及び/又はカラムクロマトグラフィー等の選択した方法によって精製する。

## 【0416】

他の実施態様では、TATをCHO細胞において発現させることができる。pRK5-TATは、CaPO<sub>4</sub>又はDEAE-デキストランなどの周知の試薬を用いてCHO細胞に形質移入することができる。上記したように、細胞培地をインキュベートし、培地を培養培地（単独）又は<sup>35</sup>S-メチオニン等の放射性標識を含む培地に置換することができる。TATポリペプチドの存在を判定した後、培養培地を無血清培地に置換してもよい。好ましくは、培地を約6日間インキュベートし、次いで条件培地を収集する。次いで、発現されたTATを含む培地を濃縮して、任意の選択した方法によって精製することができる。

## 【0417】

また、エピトープタグTATは、宿主CHO細胞において発現させてもよい。TATは、pRK5ベクターからサブクローニングされ得る。サブクローン挿入物は、次いで、PCRを施してパキウイルス発現ベクター中のポリ-Hisタグ等の選択されたエピトープタグを持つ枠に融合できる。ポリ-HisタグTAT挿入物は、次いで、安定なクローンの選択のためのDHFR等の選択マーカーを含むSV40誘導ベクターにサブクローニングできる。最後に、CHO細胞をSV40誘導ベクターで(上記のように)形質移入され得る。発現を確認するために、上記のように標識化を行ってもよい。発現されたポリ-HisタグTATを含む培養培地は、次いで濃縮し、Ni<sup>2+</sup>-キレートアフィニティークロマトグラフィー等の選択された任意の方法により精製できる。

【0418】

また、TATは、一過性発現法によって、CHO及び/又はCOS細胞中で、あるいは他の安定な発現法によってCHO細胞中で発現させることもできる。

【0419】

CHO細胞における安定な発現は、以下の方法を用いて実施することが可能である。タンパク質を、各タンパク質の可溶性のコード化配列(例えば、細胞外ドメイン)がヒンジ、CH2及びCH2ドメインを含むIgG1定常領域配列に融合したIgGコンストラクト(イムノアドヘシン)及び/又はポリ-Hisタグ形態として発現する。

【0420】

PCR増幅に続いて、それぞれのDNAを、Ausubel等、Current Protocols of Molecular Biology, Unit 3.16, John Wiley and Sons (1997)に記載されたような標準的技術を用いてCHO発現ベクターにサブクローニングする。CHO発現ベクターは、対象とするDNAの5'及び3'に適合する制限部位を有し、cDNAの簡便なシャトル化(Shuttling)ができるように作製される。ベクターは、Lucas等、Nucl. Acids Res. 24: 9, 1774-1779 (1996)に記載されたようにCHO細胞での発現を用い、対象とするcDNA及びジヒドロフォレートレダクターゼ(DHFR)の発現の誘導にSV40初期プロモーター/エンハンサーを用いる。DHFR発現は、形質移入に続くプラスミドの安定な維持のための選択を可能にする。

【0421】

所望のプラスミドDNAの12マイクログラムを、市販の形質移入試薬SUPERFECT(登録商標)(Qiagen)、DOSPER(登録商標)又はFUGENE(登録商標)(Boehringer Mannheim)を用いて約一千万のCHO細胞に導入する。細胞は、上掲のLucas等に記載されているように増殖させる。約 $3 \times 10^7$ 細胞を、下記のような更なる増殖及び生産のためにアンプル中で凍結させた。

【0422】

プラスミドDNAを含むアンプルを水槽に配して解凍し、ボルテックスにより混合する。内容物を10mLの媒質を含む遠心管にピペットして、1000rpmで5分間遠心分離する。上清を吸引して細胞を10mLの選択培地(0.2 $\mu$ m濾過PS20、5%の0.2 $\mu$ m透析濾過ウシ胎児血清を添加)中に再懸濁させる。次いで細胞を90mLの選択培地を含む100mLスピナーに等分する。1-2日後、細胞を150mLの選択増殖培地を満たした250mLスピナーに移し、37°Cでインキュベートする。さらに2-3日後、250mL、500mL及び2000mLのスピナーを $3 \times 10^5$ 細胞/mLで播種する。細胞培地を遠心分離により新鮮培地に交換し、生産培地に再懸濁させる。任意の適切なCHO培地を用いてもよいが、実際には1992年6月16日に発行された米国特許第5122469号に記載された生産培地を使用する。3Lの生産スピナーを $1.2 \times 10^6$ 細胞/mLで播種する。0日目に、細胞数とpHを測定する。1日目に、スピナーをサンプリングし、濾過空気での散布を実施する。2日目に、スピナーをサンプリングし、温度を33°Cに変え、500g/Lのグルコース及び0.6mLの10%消泡剤(例えば35%ポリジメチルシロキサンエマルジョン、Dow Corning 365 Medical Grade Emulsion)の30mLとする。生産を通して、pHは7.2近傍に調節し維持する。10日後、又は生存率が70%を下回るまで、細胞培地を遠心分

10

20

30

40

50

離で回収して0.22 µmフィルターを通して濾過する。濾過物は、4 で貯蔵するか、即座に精製用カラムに充填した。

【0423】

ポリ-His タグコンストラクトについて、タンパク質はNi-NTAカラム(Qiagen)を用いて精製する。精製の前に、イミダゾールを条件培地に5 mMの濃度まで添加する。条件培地を、0.3 MのNaCl及び5 mMイミダゾールを含む20 mMのHepes、pH 7.4バッファーで平衡化した6 mlのNi-NTAカラムに4-5 ml/分の流速で4 においてポンプ供給する。充填後、カラムをさらに平衡バッファーで洗浄し、タンパク質を0.25 Mイミダゾールを含む平衡バッファーで溶離する。高度に精製されたタンパク質は、続いて10 mMのHepes、0.14 MのNaCl及び4%のマニトール、pH 6.8を含む貯蔵バッファー中で25 mlのG25 Superfine(Pharmacia)カラムを用いて脱塩し、-80 で貯蔵する。

10

【0424】

イムノアドヘシン(Fc含有)コンストラクトを以下のようにして条件培地から精製する。条件培地を、20 mMのリン酸ナトリウムバッファー、pH 6.8で平衡化した5 mlのプロテインAカラム(Pharmacia)にポンプ供給する。充填後、カラムを平衡バッファーで良く洗浄した後、100 mMのクエン酸、pH 3.5で溶離する。溶離したタンパク質は、1 mlの画分を275 µLの1 Mトリスバッファー、pH 9を含む管に回収することにより即座に中性化する。続いて高度に精製されたタンパク質をポリ-His タグタンパク質について上記した貯蔵バッファー中で脱塩する。均一性はSDSポリアクリルアミドゲルで試験し、エドマン(Edman)分解によりN末端アミノ酸配列決定する。

20

【0425】

本明細書に開示される特定のTATポリペプチドは、この方法を使用して成功裏に発現され精製された。

【0426】

実施例13：酵母中でのTATの発現

以下の方法は、酵母中でのTATの組換え発現を記述する。

第1に、ADH2/GAPDHプロモーターからのTATの細胞内生産又は分泌のための酵母菌発現ベクターを作製する。TATをコードするDNA及びプロモーターを選択したプラスミドの適当な制限酵素部位に挿入してTATの細胞内発現を指示する。分泌のために、TATをコードするDNAを選択したプラスミドに、ADH2/GAPDHプロモーターをコードするDNA、天然TATシグナルペプチド又は他の哺乳動物シグナルペプチド、又は、例えば酵母菌アルファ因子又は転化酵素分泌シグナル/リーダー配列、及び(必要ならば)TATの発現のためのリンカー配列と共にクローニングすることができる。

30

【0427】

酵母菌株AB110等の酵母菌は、次いで上記の発現プラスミドで形質転換し、選択された発酵培地中で培養できる。形質転換した酵母菌上清は、10%トリクロロ酢酸での沈降及びSDS-PAGEによる分離で分析し、次いでクマシーブルー染色でゲルの染色をすることができる。

40

【0428】

続いて組換えTATは、発酵培地から遠心分離により酵母菌細胞を除去し、次いで選択されたカートリッジフィルターを用いて培地を濃縮することによって単離及び精製できる。TATを含む濃縮物は、選択されたカラムクロマトグラフィー樹脂を用いてさらに精製してもよい。

【0429】

本明細書に開示されるTATポリペプチドの一部は、この方法を使用して成功裏に発現され精製された。

【0430】

50

#### 実施例 14 : バキュロウイルス感染昆虫細胞中での T A T の発現

以下の方法は、バキュロウイルス感染昆虫細胞中における T A T の組換え発現を示す。

T A T をコードする配列を、バキュロウイルス発現ベクターに含まれるエピトープタグの上流に融合させた。このようなエピトープタグは、ポリ-H i s タグ及び免疫グロブリンタグ ( I g G の F c 領域など) を含む。p V L 1 3 9 3 ( N o v a g e n ) などの市販されているプラスミドから誘導されるプラスミドを含む種々のプラスミドを用いることができる。簡単に述べると、T A T コード化配列、又は T A T のコード化配列の所望する部分、例えば膜貫通タンパク質の細胞外ドメインをコードする配列又はタンパク質が細胞外である場合の成熟タンパク質をコードする配列が、5' 及び 3' 領域に相補的なプライマーでの P C R により増幅される。5' プライマーは、隣接する ( 選択された ) 制限酵素部位を包含していてもよい。生産物は、次いで、選択された制限酵素で消化され、発現ベクターにサブクローニングされる。

##### 【 0 4 3 1 】

組換えバキュロウイルスは、上記のプラスミド及び B A C U L O G O L D <sup>T M</sup> ウイルス D N A ( P h a r m i n g e n ) を、S p o d o p t e r a f r u g i p e r d a ( 「 S f 9 」 ) 細胞 ( A T C C C R L 1 7 1 1 ) 中にリポフェクチン ( G I B C O - B R L から市販 ) を用いて同時形質移入することにより作製される。28℃ で 4 - 5 日インキュベートした後、放出されたウイルスを回収し、更なる増幅に用いた。ウイルス感染及びタンパク質発現は、O'Reilley 等, Baculovirus expression vectors: A Laboratory Manual, Oxford: Oxford University Press (1994) に記載されているように実施した。

##### 【 0 4 3 2 】

次に、発現されたポリ-H i s タグ T A T は、例えば N i <sup>2+</sup> - キレートアフィニティークロマトグラフィーにより次のように精製される。抽出は、Rupert 等, Nature, 362:175-179 (1993) に記載されているように、ウイルス感染した組み換え S f 9 細胞から調製する。簡単には、S f 9 細胞を洗浄し、超音波処理用バッファー ( 2 5 m L の H e p e s , p H 7 . 9 ; 1 2 . 5 m M の M g C l <sub>2</sub> ; 0 . 1 m M の E D T A ; 1 0 % グリセロール ; 0 . 1 % の N P - 4 0 ; 0 . 4 M の K C l ) 中に再懸濁し、氷上で 2 回 2 0 秒間超音波処理した。超音波処理物を遠心分離で透明化し、上清をローディングバッファー ( 5 0 m M リン酸塩、3 0 0 m M の N a C l 、1 0 % グリセロール、p H 7 . 8 ) で 5 0 倍希釈し、0 . 4 5 μ m フィルターで濾過する。N i <sup>2+</sup> - N T A アガロースカラム ( Q i a g e n から市販 ) を 5 m L の総容積で調製し、2 5 m L の水で洗浄し、2 5 m L のローディングバッファーで平衡させる。濾過した細胞抽出物は、毎分 0 . 5 m L でカラムに充填する。カラムを、分画回収が始まる点である A <sub>280</sub> のベースラインまでローディングバッファーで洗浄する。次に、カラムを、結合タンパク質を非特異的に溶離する二次洗浄バッファー ( 5 0 m M リン酸塩 ; 3 0 0 m M の N a C l 、1 0 % グリセロール、p H 6 . 0 ) で洗浄する。A <sub>280</sub> のベースラインに再度到達した後、カラムを二次洗浄バッファー中で 0 から 5 0 0 m M イミダゾール勾配で展開する。1 m L の分画を回収し、S D S - P A G E 及び銀染色又はアルカリホスファターゼ ( Q i a g e n ) にコンジュゲートした N i <sup>2+</sup> - N T A でのウエスタンブロットで分析する。溶離した H i s <sub>10</sub> - タグ T A T を含む画分をプールしてローディングバッファーで透析する。

##### 【 0 4 3 3 】

あるいは、I g G タグ ( 又は F c タグ ) T A T の精製は、例えば、プロテイン A 又はプロテイン G カラムクロマトグラフィーを含む周知のクロマトグラフィー技術を用いて実施できる。

##### 【 0 4 3 4 】

本明細書に開示される特定の T A T ポリペプチドは、この方法を使用して成功裏に発現され精製された。

##### 【 0 4 3 5 】

#### 実施例 15 : 特異的抗体を用いた T A T ポリペプチドの精製

天然又は組換え T A T ポリペプチドは、この分野の種々の標準的なタンパク質精製方法

10

20

30

40

50

によって精製できる。例えば、プロ-T A Tポリペプチド、成熟T A Tポリペプチド、又はプレ-T A Tポリペプチドは、対象のT A Tポリペプチドに特異的な抗体を用いた免疫親和性クロマトグラフィーによって精製される。一般に、免疫親和性カラムは抗T A Tポリペプチド抗体を活性化クロマトグラフィー樹脂に共有結合させて作製される。

【0436】

ポリクローナル免疫グロブリンは、硫酸アンモニウムでの沈殿又は固定化プロテインA (Pharmacia LKB Biotechnology, Piscataway, N.J.)での精製のいずれかにより免疫血清から調製される。同様に、モノクローナル抗体は、硫酸アンモニウム沈殿又は固定化プロテインAでのクロマトグラフィーによりマウス腹水液から調製される。部分的に精製された免疫グロブリンは、CnBr-活性化セファロース(商標)(Pharmacia LKB Biotechnology)等のクロマトグラフィー樹脂に共有結合される。抗体が樹脂に結合され、樹脂がブロックされ、誘導体樹脂は製造者の指示に従って洗浄される。

10

【0437】

このような免疫親和性カラムは、可溶化形態のT A Tポリペプチドを含有する細胞からの画分を調製することによるT A Tポリペプチドの精製において利用される。この調製物は、洗浄剤の添加又はこの分野で周知の方法により微分遠心分離を介して得られる全細胞又は細胞成分画分の可溶化により誘導される。あるいは、シグナル配列を含む可溶化T A Tポリペプチドは、細胞が増殖する培地中に有用な量で分泌される。

20

【0438】

可溶化T A Tポリペプチド含有調製物は、免疫親和性カラムを通され、カラムはT A Tポリペプチドの優先的な吸着をさせる条件下(例えば、洗浄剤存在下の高イオン強度バッファー)で洗浄される。次いで、カラムは、抗体/T A Tポリペプチド結合を分解する条件下(例えば、約2 - 3といった低いpH、高濃度の尿素又はチオシアン酸イオン等のカオトロップ)で溶離され、T A Tポリペプチドが回収される。

【0439】

実施例16：腹腔内ヒト異種移植腫瘍モデルのインビボ腫瘍細胞死滅アッセイ

抗体-薬剤コンジュゲートのインビボでの効力は、移植したヒト腫瘍(いわゆる異種移植)を有するNCRヌードマウスの治療により測定することができる。これらの研究はヒトの黒色腫細胞株及び腫瘍試料の移植を通じてマウス内で増殖させたヒト腫瘍を使用した。研究では、各々は乳房腫瘍(約100~200mm<sup>3</sup>)を有し、示されるように、単回用量で、尾静脈を通じた静脈注射で治療される。腫瘍の測定は試験期間を通じて行い、続いて腫瘍試料を採取し、その後その試料は「TaqMan(登録商標)」分析並びに組織学的検査のためにホルマリン固定されるか又は瞬間凍結される。

30

【0440】

ヌードマウスの連続継代によって樹立されたヒト乳房細胞株及び腫瘍は、腹腔内(i.p.)又は皮下のどちらか、或いは他に明記したように移植され、研究期間中に増殖が測定される。腫瘍が適当な大きさに達すると、マウスの治療群に、抗体-薬剤コンジュゲートが投与される。異種移植腫瘍の増殖遅延は、ビ-クルコントロール又はコントロール抗体に対する効力の特性である。全体的に、これらの結果は、インビボでの腫瘍増殖モデルにおいて抗RET薬剤コンジュゲートの特異性と有効性を実証する。腫瘍体積の減少における各治療の有効性を決定するために、腫瘍体積は注射後の所定日に各マウスで測定される。加えて、動物の生存率の%は治療後~30日間を通じて毎日測定される。

40

【0441】

これらのインビボでの分析の結果は、ビ-クル単独で又は非RET特異的毒素コンジュゲート抗体で治療されたマウスは、治療後の腫瘍増悪の観察可能な減少をほとんど示さないことを実証する。この結果は、RETポリペプチドに結合しない抗体は、たとえ毒素がコンジュゲートした場合でも、特異的(又は非特異的)な治療効果を与えないことを証明する。対照的に、試験群の動物の大部分は、vc-MMAEコンジュゲート抗RET抗体(4204、4205、及び4209を含む)で治療した場合に、治療後の腫瘍増悪の有

50

意かつ明白な再現可能な減少を証明し、抗RET抗体薬剤コンジュゲートは、RETポリペプチドを発現する腫瘍を持つ動物に対してインビボで特異的な治療効果を与えることを実証している。

【0442】

より具体的には、図20は、抗RETマウス抗体のvc-MMAEコンジュゲートのインビボにおける治療効果が分析された実験から得られたデータを示す。MCF7neoHER2乳房細胞株（細胞表面上でRETポリペプチドを発現する細胞）由来の異種移植片を上記のようにヌードマウスで乳房脂肪体中で増殖させ、続いて、マウスはビークル単独、RETポリペプチドに結合しないMMAEコンジュゲートコントロール抗体、又は様々な量の抗RET-vc-MMAEで上記のように治療された。これらの分析からのデータは、抗RET-vc-MMAE毒素コンジュゲート抗体は、細胞自身の表面にRETを発現する細胞を死滅させることができることを示している。

10

【0443】

更に、図21は、皮下移植KPL1異種移植モデル及び1mg/kg及び3mg/kgの2用量での抗RET4205変異体のみを使用する同様のインビボでの異種移植マウス実験を示す。このデータは、毒素コンジュゲート抗RET抗体はまた、標的特異的かつ用量依存的な様式で異種移植腫瘍の増殖を阻害することができることを実証した。

【0444】

更に、抗RET抗体薬剤コンジュゲートの有効性が、細胞表面上にRETポリペプチドを発現するBT474M1乳房腫瘍異種移植モデルを用いて調べられた。HBSS-マトリゲル中の500万のBT474M1細胞が、腫瘍移植の1から3日前にエストロゲンペレット（0.36mg/ペレット、60日間放出）を補充された、ベージュヌードマウスの胸部乳腺脂肪体に注入された。腫瘍が100~300mm<sup>3</sup>の大きさに達した時、マウスは、5mg/kgのマウス抗RET（クローン4205、4206又は4209）vc-MMAEコンジュゲート、マウス抗gp120vc-MMAEコントロールコンジュゲート（RETポリペプチドに結合しない）、ハーセプチン-DM1、又はビークル単独の単回静脈内注射を受けた。図22に示すように、実質的な腫瘍増殖阻害は、3つ全ての抗RETvc-MMAEコンジュゲート及びトラスツズマブ-DM1で達成された。

20

【0445】

抗RET抗体薬剤コンジュゲートの有効性が、細胞表面上にRETポリペプチドを発現するMDA-MB-175乳房腫瘍異種移植モデルを用いて調べられた。MDA-MB-175腫瘍断片（約2mm x 2mmの長さ）が、腫瘍移植の1から3日前にエストロゲンペレット（0.36mg/ペレット、60日間放出）を補充された、ベージュヌードマウスの胸部乳腺脂肪体に移植された。腫瘍が80~250mm<sup>3</sup>の大きさに達した時、マウスは、5mg/kgのマウス抗RET（4205）vc-MMAEコンジュゲート、マウス抗gp120vc-MMAEコントロールコンジュゲート（RETポリペプチドに結合しない）、ヒト化抗Her2vc-MMAEコンジュゲート、又はビークル単独の静脈内注射2週間、毎週受けた。図23に示すように、実質的な腫瘍増殖阻害は、抗RETvc-MMAE及び抗Her2vc-MMAEコンジュゲートで達成された。

30

【0446】

このようなマウスモデルのデータは、抗RET抗体-薬剤コンジュゲートが、RETポリペプチドを発現する腫瘍の治療における特異的で有意かつ再現可能なインビボでの治療効果を与えることを明らかに実証する。

40

【0447】

上記の文書による明細書は、当業者が本発明を実施できるようにするために十分であると考えられる。寄託した実施物は、本発明のある態様の一つの例示として意図されており、機能的に等価なあらゆるコンストラクトがこの発明の範囲内にあるため、寄託されたコンストラクトにより、本発明の範囲が限定されるものではない。ここでの物質の寄託は、ここに含まれる文書による説明が、そのベストモードを含む、本発明の任意の態様の実施を可能にするために不十分であることを認めるものではないし、それが表す特定の例証に

50



【 図 1 B 】

GAGGAGACACCGTGGTGGACTGTAATAATGCCCCCTCCCTCGAGCCCTCCCTCCACATGGATT
GAAACAAACCTATGGCATGTCAGACCCGAACCTGGCCCTGGGAGGAGCTCTGTACCCTCACGAG
AGCTGATGGCACTAACACTGGTTTCCCAAGATATCCAAATGATAGTGATATCTCAACTGGATGCT
TTACCCCTCAGCGGCAAAATTAATGGACACGTTTGTAGATGTTAACACTTTCTTTGTGAAAGGATATGG
ACTCACAAAGGGGAGAAACATGCTGAGAATGGAAGCTACCGGCCCTTTCTTTGTGAACCTCAC
ATTGGCCGAGCCGTGTTCACTTCCAGGTGGCAGACTCGTTTTTGGTAGTTGTTTTAACTTCCAAAG
GTGCTTTTACTTCTGATAGCCGGTATTTCCCTCTAGCAGACATGCCCACACCCGGGTAAGAGCTC
TGAGCTTAGTGGTAAAGCATTCTTCTCTCAAGTCCAGCAGCAGCCAGTGTGGTGTGTGCTCC
ATCAGTGACCACCAACATTTCTGTTTCAATGTTGGTCCAACTTACTACCTGGTGTATGAAA
TTGGACCTGAACCTGTTGGATTTTCTAGTTGCCCAAAACAGCAAAAAAATTTAAACATGAAGC
ACACACAAAAAAGGGCAGTAGGAAAAATGCTGGCCCTGATGACCTGTCTTATTGAGATGAGA
GACTGCGGGGGGGCCCTGGGGGTAGTGTCAATGCCCTCCAGGCCCTGGAGGGGAAGAGGGGCC
CGAGCATGGCCCTGGCCCTCAGCATTGAGATCTTGAGAAATGATTTTTTAAATCATGCAACCTTT
CCTTAGAAGACATTTGGTTTTCATGATTAAGATGATCTTAGATTTAGCACAATGGAGAGAT
TCCATCGCATCTTATATGATGGATGGTGTATCAGGGAAGAGGGCTCACAAAGACACATTTGTCCC
CCGGGCCACACATATCTCACCTGTTCCGTTACGAGCAGCCTACCCCTGATGAGAACAGTA
TGAAGAAGGGGGCTGTTGGAGTCCAGAATTTGCTGACAGCAGAGGCTTTGCTGTGTAATCC
ACCTGCCACAGCCCTGACACACCCACAGCCAAAGTAGAGGGCAAAAGAGTGGCTCATCTAC
TGTJAGGAGCAGGAGGGCTTGTACTCACCTTAAATTTGAACTTATCAACCTACCTAIAAAGGGAC
AGGCTAGCTAGCTGTGTCAGAAGTAGCAATGACAATGACCAAGGACTGCTACACCTCTGATTACA
ATTTGTAGTGAATAAAGATGGTGTGTTGGCTTTATAGAGCCCTGTGTGAAAGGCCATGGATGAGCT
CTTCTGTGTTGTAATTTAATGCTGCTACAAGATGTTTCTGTTTCTTAGATCTGACCATGACCTAT
AAGCTTCTTGTCTTCAATTTGCTGTTTGGTGTACAGATGACAAACCTCCCTCCAGTCTTGTGG
GGCGAGCTTTTGGGAAGTCTCAGCAGCTCTTCTGGCTGTGTTGTGACAGCTGTAACCTCGAGAAA
AGAGCTGGATTACCAAAACACTGCTGCTCTCAGACTTAAAGCAGTATAGGACTTAAATAGTCT
TCATTTCAAACTGATATTTATATAGGCTTTTACAAAAACAGCAAAATTTGGCTATTTGTGAGG
GCAAGGCTTGGATGCTGTGTAATAGAGCTTATGTTGTGCTGACACACCCAGAGGAGGAGTGT
GAAAAATGCTTATTGGACACAGTAACTGGCTCAATTTGGGCTTTTTTCAGATACACTGTGATAA
GTCTTTTACAAATATCTATAGACATGGTAACTTTTGGTTTTTTCAGATATGCTTAAATGATGCTTA
CTAAATGAGAAATAAAGATAACTTTCTCAAAATTTAAAAATGCTTACACAGTAAAGTGTGAAAT
GCTGCAACAGGTTTGTCTCAGGAGGGTAAGAACTCCAGCTTAAACAGCTGACCCAGTGTAGGG
GAATTTATCCTTGACCAATTTATCTTGTACCAATAACCTAATGCTTATCTGAGTTATAAAGGTC
CCCATCTTATAGCTACTCTGGAATTTTACATACAGTAAATGCTGAGAAAGTACTAAGTATTAAGAT
TACTGAGTATTAAGTAGTAACTGTGCAAGTATTAATAATTTGFAAAATCTATTTATGAAAGGTCATTA
AACAGATCATGTTCTTTTGTGTAATCAAGGTGACTAAGAAAACTAGTTGTGTAATAAATCA
TGATC

【 図 2 】

MAKATSGAAGLR.LLLLLPLLGKVALGLYFSRDAYWEKLYVDQAAGTPLYVHALRDAPEEVPFSRLGQHL
SLDHSWWEKLSVRNRGFP.LLVKLVFLSPTSREGECCWPGCARVYFFNTSFPACSSLKPRELCPETRF
SVAYRLEGEGLPFRCA.PDSEVSTRWALDREQREYELVAVCTVHAGAREEVVMVPPVTVYDEDDSA
VFADADVVPASGLVRRYTS.LLPGDTWAQDTRFVHWPNETSVQANGSFRATVHDYRLVNRNLSISEN
RTRMQLAVLNDSDDFQGGAGVLLHFNVSUJPHI.PSTYSLSVSRARRFAQIGKVCVENCCQAFSGIN
VQKLSHSSGANCSLTVLTVSAEDTSGILFVNDTKALRRPKCAELHYMVVATDQ
QTSRQAQALQVTVYEGSYVAEEAGCPLSCAVSKRLECEEGGLGSPTRGRCEWRQDGGKTRNFST
CSPTKCPDGGCDVETQDINICPDQCLRGSIVGGHEP.GEPRGKAGYGTNCNCFPEEKCFCEPD
IDPLCDELCTVIAAAVLFHSVLLSAFCHYKFAHKPPSSAEMTFRPAAQAFPSYS
SSGARPSLDSMENVQSVDAFKILEDPKWFEPRKNLVLGKTLGEEGFKVVKATAFHLKGRAGY
TAVKMKLENASPSLELDLSEFNVLKQVNHPHVKLYGACSDQDGLLVYKYSRGLRESRNVG
PEYLSGGSRNSSLDPHERALTMGDLISFAWQISQGMQYLAEMKLVHRDLAARNILVA
EGRMKISDFGLSDVYEDSYKRSQGRIPVKKWMAIESLFDHYTTQSDVWFSVGLWEVTLGG
A.PYPGPPRLNLLKTFGRMERPDNCSSEMYRLMLQCWQEPDRPVFADISKLEKMMV
KRRDMLDAASTPSDSLVDGSEETPLVDCNNAPLPRALPSTWIENKLYGRISHAFTRF
LTRADGNTGTFRRPNDSDVYANWMLSPSAAKLMDTFDS

シグナル配列

アミノ酸 1-23

膜貫通ドメイン

アミノ酸 386-406, 633-653

N-グリコシル化部位

アミノ酸 98-101, 151-154, 199-202, 336-339, 343-346, 361-364, 367-370, 377-380, 394-397, 448-451, 468-471, 554-557, 834-837, 975-976, 1092-1095

cAMP-及び cGMP-依存性プロテインキナーゼリン酸化部位

アミノ酸 312-315, 693-696

チロシンキナーゼリン酸化部位

アミノ酸 477-483, 897-905, 1089-1096

N-ミristolル化部位

アミノ酸 28-33, 74-79, 275-280, 446-451, 453-458, 506-511, 514-519, 535-540, 550-555, 588-593, 601-606, 607-612, 810-815, 829-833, 830-835, 831-836, 1082-1087

アミノ酸配列

アミノ酸 884-887

チロシンプロテインキナーゼ特異的活性部位の特徴

アミノ酸 870-882

プロテインキナーゼドメイン

アミノ酸 724-1005

カドヘリンドメイン

アミノ酸 172-261

【 図 3 】

MAKATSGAAGLR.LLLLLPLLGKVALGLYFSRDAYWEKLYVDQAAGTPLYVHALRDAPEEVPFSRLGQHL
SLDHSWWEKLSVRNRGFP.LLVKLVFLSPTSREGECCWPGCARVYFFNTSFPACSSLKPRELCPETRF
SVAYRLEGEGLPFRCA.PDSEVSTRWALDREQREYELVAVCTVHAGAREEVVMVPPVTVYDEDDSA
VFADADVVPASGLVRRYTS.LLPGDTWAQDTRFVHWPNETSVQANGSFRATVHDYRLVNRNLSISEN
RTRMQLAVLNDSDDFQGGAGVLLHFNVSUJPHI.PSTYSLSVSRARRFAQIGKVCVENCCQAFSGIN
VQKLSHSSGANCSLTVLTVSAEDTSGILFVNDTKALRRPKCAELHYMVVATDQ
QTSRQAQALQVTVYEGSYVAEEAGCPLSCAVSKRLECEEGGLGSPTRGRCEWRQDGGKTRNFST
CSPTKCPDGGCDVETQDINICPDQCLRGSIVGGHEP.GEPRGKAGYGTNCNCFPEEKCFCEPD
IDPLCDELCTVIAAAVLFHSVLLSAFCHYKFAHKPPSSAEMTFRPAAQAFPSYS
SSGARPSLDSMENVQSVDAFKILEDPKWFEPRKNLVLGKTLGEEGFKVVKATAFHLKGRAGY
TAVKMKLENASPSLELDLSEFNVLKQVNHPHVKLYGACSDQDGLLVYKYSRGLRESRNVG
PEYLSGGSRNSSLDPHERALTMGDLISFAWQISQGMQYLAEMKLVHRDLAARNILVA
EGRMKISDFGLSDVYEDSYKRSQGRIPVKKWMAIESLFDHYTTQSDVWFSVGLWEVTLGG
A.PYPGPPRLNLLKTFGRMERPDNCSSEMYRLMLQCWQEPDRPVFADISKLEKMMV
KRRDMLDAASTPSDSLVDGSEETPLVDCNNAPLPRALPSTWIENKLYGRISHAFTRF

シグナル配列

アミノ酸 1-23

膜貫通ドメイン

アミノ酸 386-406, 633-653

【 図 4 】

Kabat# 24 25 26 27 A B C D E F 28 29 30 31 32 33 34

R A S E S V D G Y G S S F M H (配列番号 :4)
S A S S S V T Y M Y (配列番号 :5)
R A S K S I S K Y L A (配列番号 :6)
R A S Q E I S G Y L S (配列番号 :7)
K A S Q D V S T A V A (配列番号 :8)
R S S Q S I L L H S N G N T Y L H (配列番号 :9)
R S S Q S I V H S N G N T Y L E (配列番号 :10)

【 図 5 】

Kabat# 50 51 52 53 54 55 56

R T S N L E S (配列番号:11)

L T S K L A S (配列番号:12)

S G S T L Q S (配列番号:13)

A A S T L D S (配列番号:14)

W G S T R H T (配列番号:15)

K V S N R F S (配列番号:16)

【 図 6 】

Kabat# 89 90 91 92 93 94 95 96 97

Q Q N S E D R T (配列番号:17)

Q Q W T G N P L T (配列番号:18)

Q Q H N E Y P W T (配列番号:19)

Q Q Y I E Y P W T (配列番号:20)

L Q Y A G N P F T (配列番号:21)

Q Q H Y N I P W T (配列番号:22)

S Q S T H V P F T (配列番号:23)

F Q G S H V P P T (配列番号:24)

【 図 7 】

Kabat# 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 A

G Y S F T G F T M N (配列番号:25)

G Y T F T T Y W M H (配列番号:26)

G Y S I T S D Y V W N (配列番号:27)

G F S I T S D Y A W N (配列番号:28)

D S E V F P I A Y M S (配列番号:29)

G F T F S N Y W M N (配列番号:30)

G Y I F T T Y W M N (配列番号:31)

G F S L S R Y S V H (配列番号:32)

【 図 8 】

Kabat# 49 50 51 52 A B C 53 54 55 56 57 58 59 60 61 62 63 64 65

G L I N P Y N G V T N Y N Q K F R G (配列番号:33)

G Y I N P S T G Y S E Y N Q K F K D (配列番号:34)

G Y I H Y S G G T S Y N P S L K S (配列番号:35)

A Y I T Y S G D T G Y N P S L K S (配列番号:36)

G D I L P N I G R T I Y G E K F E D (配列番号:37)

A D I S - K S N N Y G T H Y A E S V N G (配列番号:38)

G Q I D P S D S Y T N Y N Q K F K G (配列番号:39)

G M I W L G G S T D Y N S A L K S (配列番号:40)

【 図 9 】

Kabat# 93 94 95 96 97 98 99 100A B C D E F G H I J K 101 102

A R H Y S F A M D Y ( 配列番号:41)

A R W R F Y G S T Y G M D Y ( 配列番号:42)

A R G N Y D W A F A Y ( 配列番号:43)

A R G N Y D W V F A Y ( 配列番号:44)

G R S I T R A W F A Y W G Q G T I V ( 配列番号:45)

A V Y Y Y G V K F Y Y F V L G Y ( 配列番号:46)

A M L D Y ( 配列番号:47)

A R N L D S R G F A H ( 配列番号:48)

【 図 1 0 】

DIVLTQSPASLAVSLGQRATISCRASESVDGYGSSFMHWYQKPGQPKLLIYRTSNLESQIPARFSGSGSTTDFLTINPVEADD  
VATY\*COQNSIEDRTFGGGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:49)

QIVLTQSPALMSAAPPKEKVTLCASSSVTYMYWYQKPRSSPKWVILTSKLSAGVPSRFSGSGSTSPSLTITISMEADAATY  
YCCQWGTGNPLTFGAGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:50)

DVQITQS\*SYLAASPGETITINCRASKSISKYLAWYQEKPGKTNKLLIYSGTLQSGIIPSRFSGSGSGADFTLTISLEPEDFAMYYC  
QQINCYPWTFGGGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:51)

DVQITQS\*SYLAASPGETITINCRASKSISKYLAWYQEKPGKTNKLLIYSGTLQSGIIPSRFSGSGSGADFTLTISLEPEDFAMYYC  
QQIIEYPWTFGGGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:52)

DVQITQS\*SYLAASPGETITINCRASKSISKYLAWYQEKPGKTNKLLIYSGTLQSGIIPSRFSGSGSGADFTLTISLEPEDFAMYYC  
QQIIEYPWTFGGGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:53)

DIQMTQSPSSLSASLGERVSLTCSRASQEIISCYLWYQKPGQ\*IKRLLIYAAS\*TLDSGVPKRFSGSRSGSDYSLTISLASEDFADYFC  
LQYAGNPF\*TFGSGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:54)

DIVMTQSHKFMSTSVGDVRSITCKASQDVSTAVAWYQKPGQSPKLLIYWGSTRHTGVPDRFTGVGSGTDYSLTISVQAEIDL  
ALYCCQHHNIPWTFGGGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:55)

DVVM\*Q\*PLSLPVSIGDQASISCRSSQSLHNSGN\*TYLHWYQKPGQSPKLLIYKVS\*NRFS\*GVPDR\*PSGSGSGTDFTLKISRVEA  
EDLGVYFCQSHV\*P\*TFGSGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQLISGGASVVCFLNN ( 配列番号:56)

DVLM\*Q\*PLSLPVSIGDQASISCRSSQSLHNSGN\*TYLHWYQKPGQSPKLLIYKVS\*NRFS\*GVPDR\*PSGSGSGTDFTLKISRVEA  
DLGVYFCQSHV\*P\*TFGSGTKLEIKRADAAPTIVSIFPPSSSEQL ( 配列番号:57)

【 図 1 1 】

EVQLQDSGPELVKPGASMKISCKASGYSFTGFTMNNWYKQSHGKNLEWIGLINPYNGVTN\*Y\*QKFRGKATLTVDESSSTAYMD  
LLSLTSEDSAVYYCARHYSFAMDYWGQGTSTVVSAAKTPPSVYPLAPGSA ( 配列番号:58)

QVQLQQSGAELAKPGTSVKMSCKASGYFTFTY\*MMHWIKRPPGQGLEWIGYINPSTCYSEY\*Y\*QKFKDKATLTA\*DRSSSTAYM  
QLSSLTSEDSVYYCARWRFPGSTYGM\*DYWGQGTSTVVSAAKTPPSVYPLAPGSA ( 配列番号:59)

QVQLKESGPGLVKPSQSLTCTV\*Y\*GYSITSDY\*AWNW\*IRQF\*P\*GNKLEWMA\*Y\*ITSGDTG\*Y\*NP\*SLKSRISVTRDTSK\*NF\*FL\*H\*LN  
LTTEDAT\*Y\*Y\*CAR\*G\*ND\*W\*F\*AY\*W\*G\*Q\*G\*TL\*V\*V\*SA\*AK\*TP\*P\*SV\*Y\*PL\*AP\*G\*SA\*Q\*TN\*SM\*V\*Y\*G\*CL\*V\*K\*Y\*P\*E\*P\*V\*TV ( 配列番号:60)

DVQLQESGPGLVKPSQSLTCTV\*Y\*GYSITSDY\*AWNW\*IRQF\*P\*GNKLEWMA\*Y\*ITSGDTG\*Y\*NP\*SLKSRISVTRDTSK\*NF\*FL\*H\*LN  
VTTEDAT\*Y\*Y\*CAR\*G\*ND\*W\*F\*AY\*W\*G\*Q\*G\*TL\*V\*V\*SA\*AK\*TP\*P\*SV\*Y\*PL\*AP\*G\*SA ( 配列番号:61)

DVQLQESGPGLVKPSQSLTCTV\*Y\*GYSITSDY\*AWNW\*IRQF\*P\*GNKLEWMA\*Y\*ITSGDTG\*Y\*NP\*SLKSRISVTRDTSK\*NF\*FL\*H\*LN  
VTTEDAT\*Y\*Y\*CAR\*G\*ND\*W\*F\*AY\*W\*G\*Q\*G\*TL\*V\*V\*SA\*AK\*TP\*P\*SV\*Y\*PL\*AP\*G\*SA ( 配列番号:62)

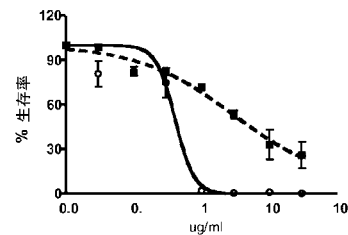
QVHLQDSGSELKPSGSSVLSKDFDSEV\*F\*PI\*AY\*MS\*W\*V\*W\*Q\*P\*G\*H\*G\*F\*E\*W\*G\*D\*L\*P\*N\*I\*G\*RT\*Y\*G\*E\*K\*F\*E\*D\*K\*AT\*L\*DA\*DT\*V\*S\*N\*TA\*Y\*E\*L\*LN  
SLTSEDSAM\*Y\*Y\*G\*G\*S\*I\*T\*RA\*W\*F\*AY\*W\*G\*Q\*G\*TL\*V\*V\*SA\*AK\*TP\*P\*SV\*Y\*PL\*AP\*G\*SA ( 配列番号:63)

EVNLEESGGGLVQPGGSMKLS\*CV\*AS\*G\*FT\*F\*SN\*Y\*W\*M\*N\*W\*V\*Q\*P\*E\*K\*G\*L\*E\*W\*V\*AD\*IS\*L\*K\*S\*N\*Y\*G\*H\*Y\*AE\*V\*N\*G\*R\*F\*TS\*RD\*SS\*Y\*V  
LQ\*M\*N\*N\*LA\*ED\*G\*I\*Y\*CA\*V\*Y\*Y\*G\*V\*K\*F\*Y\*F\*V\*L\*G\*Y\*W\*G\*Q\*G\*TL\*V\*V\*SA\*AK\*TP\*P\*SV\*Y\*PL\*AP\*G\*SA ( 配列番号:64)

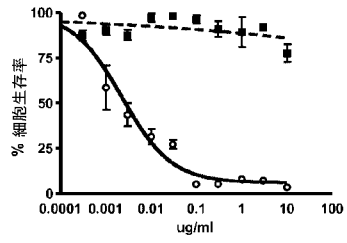
QVQLQQSGAELV\*P\*G\*SS\*V\*LS\*CR\*AS\*G\*Y\*F\*TT\*Y\*W\*M\*N\*W\*V\*Q\*P\*G\*Q\*G\*L\*E\*W\*G\*Q\*Y\*D\*P\*S\*D\*Y\*F\*I\*N\*Y\*Q\*K\*F\*K\*G\*K\*AT\*L\*V\*O\*K\*S\*ST\*Y\*AM  
QLSSLTSEDSAVYY\*CA\*ML\*DY\*W\*G\*Q\*G\*TL\*V\*V\*SA\*AK\*TP\*P\*SV\*Y\*PL\*AP\*G\*SA\*Q\*TN\*SM\*V\*Y\*G\*CL\*V\*K\*Y\*P\*E\*P\*V\*TV ( 配列番号:65)

DVQLQESGPGLVKPSQSLTCTV\*Y\*GYSITSDY\*AWNW\*IRQF\*P\*GNKLEWMA\*Y\*ITSGDTG\*Y\*NP\*SLKSRISVTRDTSK\*NF\*FL\*H\*LN  
LQTD\*DT\*AM\*Y\*Y\*CA\*RN\*LD\*SR\*G\*FA\*H\*W\*G\*Q\*G\*TL\*V\*V\*SA\*AK\*TP\*P\*SV\*Y\*PL\*AP\*G\*SA\*Q\*TN\*SM\*V\*Y\*G\*CL\*V\*K\*Y\*P\*E\*P\*V\*TV ( 配列番号:66)

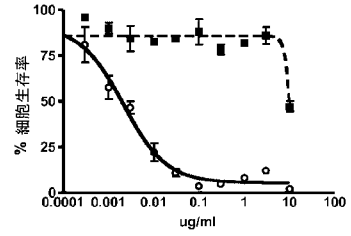
【 図 1 2 】



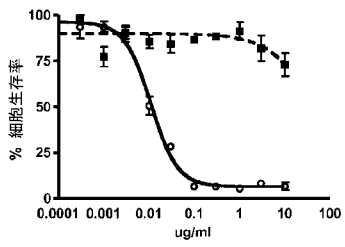
【 図 1 3 】



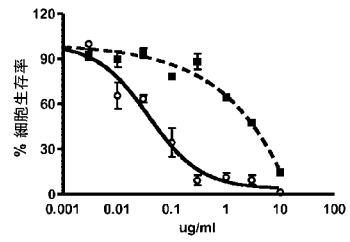
【 図 1 4 】



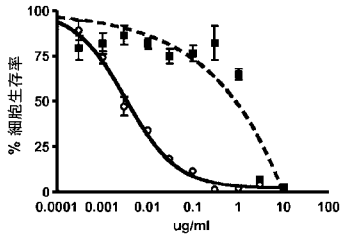
【 図 1 5 】



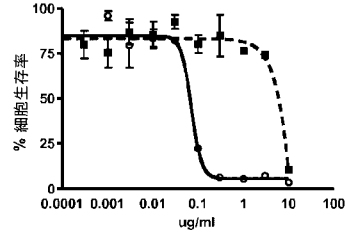
【 図 1 6 】



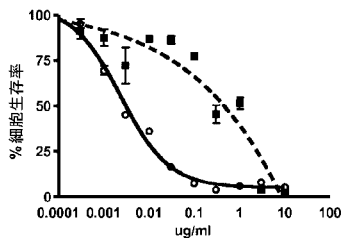
【 図 1 7 】



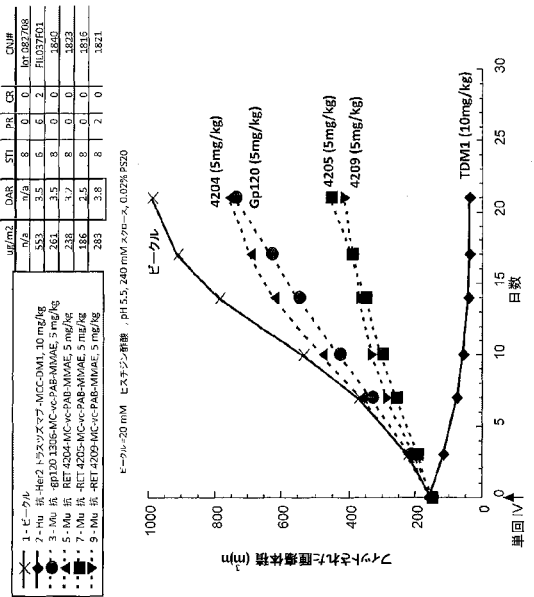
【 図 1 8 】



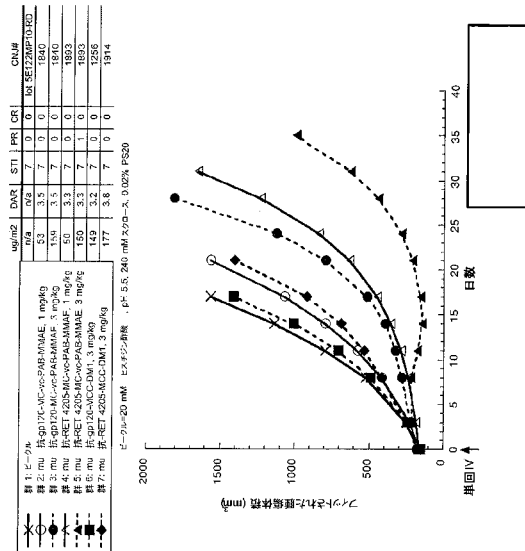
【 図 1 9 】



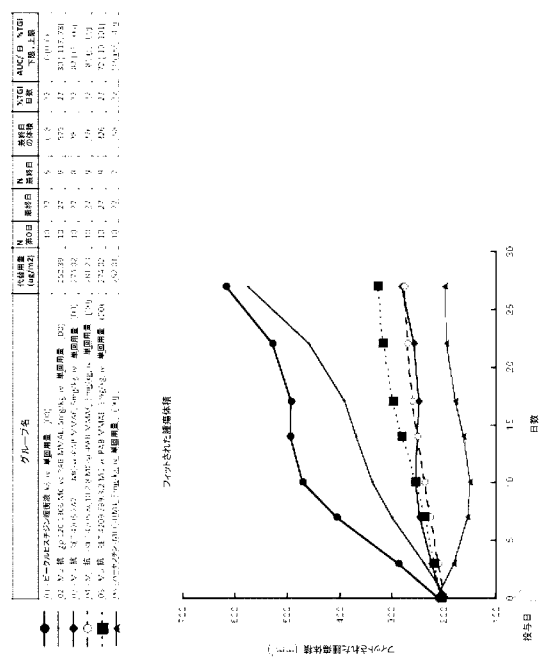
【 図 2 0 】



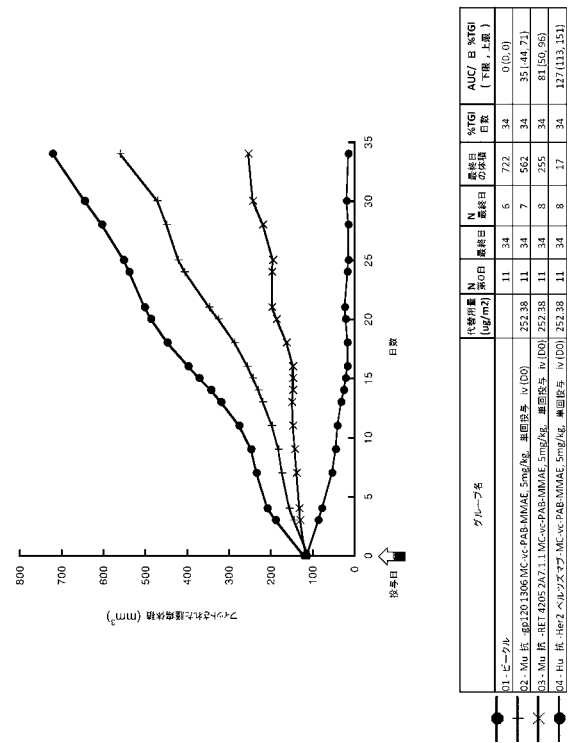
【 図 2 1 】



【 図 2 2 】



【 図 2 3 】



【配列表】

2015523852000001.app

## 【 国際調査報告 】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT		International application No. PCT/AUS2013/031547
<b>A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER</b> IPC(8) - A61K 39/395 (2013.01) USPC - 424/133.1 According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
<b>B. FIELDS SEARCHED</b> Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) IPC(8) - A61K 39/39, 39/395, 39/4; C12Q 1/00; G01N 33/5, 33/532 (2013.01) USPC - 424/130.1, 133.1, 135.1, 139.1, 152.1; 435/7.1 Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched CPC - A61K 39/395, 39/39533, 39/4; C12Q 1/00; G01N 33/5, 33/532 (2013.01) Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) Patbase, Google Patent, Pubmed, NCBI BLAST, Google		
<b>C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT</b>		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X — Y	WO 2010/065496 A1 (LEUNG et al) 10 June 2010 (10.06.2010) entire document	1-3, 11, 27, 28 4-10, 12-15, 29-44, 51-55
Y	US 2012/0034247 A1 (DORONINA et al) 09 February 2012 (09.02.2012) entire document	4-10, 12-15
Y	US 2009/0075278 A1 (FRANTZ et al) 19 March 2009 (19.03.2009) entire document	29-44, 51-55
Y	US 2010/0036091 A1 (ROBINSON et al) 11 February 2010 (11.02.2010) entire document	29
<input type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input type="checkbox"/>		
* Special categories of cited documents: "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier application or patent but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search 02 August 2013		Date of mailing of the international search report <b>06 AUG 2013</b>
Name and mailing address of the ISA/US Mail Stop PCT, Attn: ISA/US, Commissioner for Patents P.O. Box 1450, Alexandria, Virginia 22313-1450 Facsimile No. 571-273-3201		Authorized officer: Blaine R. Copenheaver PCT Helpdesk: 571-272-4300 PCT OSP: 571-272-7774

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/US2013/031547

Box No. 1 Nucleotide and/or amino acid sequence(s) (Continuation of item 1.c of the first sheet)

1. With regard to any nucleotide and/or amino acid sequence disclosed in the international application, the international search was carried out on the basis of a sequence listing filed or furnished:

a. (means)

on paper

in electronic form

b. (time)

in the international application as filed

together with the international application in electronic form

subsequently to this Authority for the purposes of search

2.  In addition, in the case that more than one version or copy of a sequence listing has been filed or furnished, the required statements that the information in the subsequent or additional copies is identical to that in the application as filed or does not go beyond the application as filed, as appropriate, were furnished.

3. Additional comments:

Specifically, sequences 4, 6, 11, 13, 17, 19, 25, 27, 33, 35, 41, 43, 49, 51, 58 and 60 were searched.

<b>INTERNATIONAL SEARCH REPORT</b>		International application No. PCT/US2013/031547
<b>Box No. II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)</b>		
This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:		
1. <input type="checkbox"/>	Claims Nos.: because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:	
2. <input type="checkbox"/>	Claims Nos.: because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:	
3. <input type="checkbox"/>	Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).	
<b>Box No. III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)</b>		
This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:		
See Extra Sheets		
1. <input type="checkbox"/>	As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.	
2. <input type="checkbox"/>	As all searchable claims could be searched without effort justifying additional fees, this Authority did not invite payment of additional fees.	
3. <input checked="" type="checkbox"/>	As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.: 1-18, 20, 27-44, and 51-55, limited to an isolated antibody and methods comprising the same, wherein the antibody is selected to comprise a VH sequence and a VL sequence, wherein said VL sequence is either SEQ ID NO:49 or SEQ ID NO: 51 and said VH sequence is either SEQ ID NO:58 or SEQ ID NO: 60.	
4. <input type="checkbox"/>	No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:	
<b>Remark on Protest</b>	<input type="checkbox"/> The additional search fees were accompanied by the applicant's protest and, where applicable, the payment of a protest fee. <input type="checkbox"/> The additional search fees were accompanied by the applicant's protest but the applicable protest fee was not paid within the time limit specified in the invitation. <input type="checkbox"/> No protest accompanied the payment of additional search fees.	

**INTERNATIONAL SEARCH REPORT**  
Information on patent family members

International application No.

PCT/US2013/031547

This application contains the following inventions or groups of inventions which are not so linked as to form a single general inventive concept under PCT Rule 13.1. In order for all inventions to be examined, the appropriate additional examination fees need to be paid.

**Group I+:** claims 1-44, 51-55, and 57-66 are drawn to an isolated antibody comprising at least one CDR sequence selected from the group consisting of: (a) a CDR-L1 sequence of any one of SEQ ID NOs:4-10; (b) a CDR-L2 sequence of any one of SEQ ID NOs: 11-16; (c) a CDR-L3 sequence of any one of SEQ ID NOs:17-24; (d) a CDR-H1 sequence of any one of SEQ ID NOs: 25-32 or 67; (e) a CDR-H2 sequence of any one of SEQ ID NOs: 33-40 or 68; and (f) a CDR-H3 sequence of any one of SEQ ID NOs: 41-48 or 69-73; the antibody comprising a VH sequence and a VL sequence, wherein said VL sequence is of any shown in SEQ ID NOs: 49-57 or 74; and wherein the VH sequence is of any shown in SEQ ID NOs:58-66 or 75-79 and methods comprising the same.

**Group II:** claims 45-50 are drawn to a method of diagnosing the presence of a tumor in a mammal, said method comprising determining the level of expression of a gene encoding a TAT194 polypeptide.

**Group III:** claim 56 is drawn to a method of delivering a cytotoxic or a diagnostic agent to a cell that expresses a TAT194 polypeptide.

The first invention of Group I+ is restricted to an isolated antibody and methods comprising the same, wherein the antibody is selected to comprise a VH sequence and a VL sequence, wherein said VL sequence is selected to be SEQ ID NO:49 and said VH sequence is selected to be SEQ ID NO:58; wherein SEQ ID NO:49 comprises CDR-L1 of SEQ ID NO:4, CDR-L2 of SEQ ID NO:11, and CDR-L3 of SEQ ID NO:17; and wherein SEQ ID NO:58 comprises CDR-H1 of SEQ ID NO:25, CDR-H2 of SEQ ID NO:33, and CDR-H3 of SEQ ID NO:41. It is believed that claims 1-18, 27-44, and 51-55 read on this first named invention and thus these claims will be searched without fee to the extent that they read on SEQ ID NOs:49 and 58.

Applicant is invited to elect additional antibodies with specified SEQ ID NOs to be searched in a specific combination by paying additional fee for each set of election. An exemplary election would be an isolated antibody and methods comprising the same, wherein the antibody is selected to comprise a VH sequence and a VL sequence, wherein said VL sequence is selected to be SEQ ID NO:50 and said VH sequence is selected to be SEQ ID NO:59; wherein SEQ ID NO:50 comprises CDR-L1 of SEQ ID NO:5, CDR-L2 of SEQ ID NO:12, and CDR-L3 of SEQ ID NO:18; and wherein SEQ ID NO:59 comprises CDR-H1 of SEQ ID NO:26, CDR-H2 of SEQ ID NO:34, and CDR-H3 of SEQ ID NO:42. Applicant must further indicate, if applicable, the claims which read on the first named invention if different than what was indicated above for this group. Failure to clearly identify how any paid additional invention fees are to be applied to the "+" group(s) will result in only the first claimed invention to be searched/examined.

The inventions listed in Groups I+, II, and III do not relate to a single general inventive concept under PCT Rule 13.1, because under PCT Rule 13.2 they lack the same or corresponding special technical features for the following reasons:

The special technical features of Groups I+, an isolated antibody, are not present in Groups II and III; the special technical features of Group II, determining the level of expression of a gene encoding a TAT194 polypeptide, are not present in Groups I+ and III; the special technical features of Group III, a method of delivering a cytotoxic or a diagnostic agent to a cell, is not present in Groups I+ and II.

Groups I+, II, and III share the technical features of a cell that expresses a TAT194 polypeptide; a method comprising an antibody that binds to a TAT194 polypeptide; contacting tissue cells with an antibody that binds to said TAT194 polypeptide; forming a complex between an antibody and a TAT194 protein; and further determining the presence of a TAT149 protein by forming a complex between an antibody and a TAT194 protein. However, these shared technical features do not represent a contribution over the prior art. Specifically, US 2009/0075278 A1 to Frantz et al. discloses a cell that expresses a TAT194 polypeptide (cellular polypeptides which are expressed to a greater degree on the surface of or by one or more types of cancer cell(s)... the above polypeptides are herein referred to as Tumor-associated Antigenic Target polypeptides, "TAT" polypeptides, Para. [0007]; the molecules listed below are excellent polypeptide targets for the diagnosis and therapy of cancer in mammals... TAT194, Para. [0935]); a method comprising an antibody that binds to a TAT194 polypeptide (a method for inhibiting the growth of a cell that expresses a TAT polypeptide, wherein the method comprises contacting the cell with an antibody, an oligopeptide or a small organic molecule that binds to the TAT polypeptide, Para. [0029]; anti-TAT antibodies disclosed herein may also be formulated... for delivery of a drug to a mammal, Para. [0664]; the molecules listed below are excellent polypeptide targets for the diagnosis and therapy of cancer in mammals... TAT194, Para. [0935]); contacting tissue cells with an antibody that binds to said TAT194 polypeptide (contacting a test sample comprising tissue cells obtained from the mammal with an antibody... that binds to a TAT polypeptide, Para. [0033]; antibody-abzyme conjugates can be prepared as described herein for delivery of the abzyme to a tumor cell population, Para. [0682]); forming a complex between an antibody and a TAT194 protein (detecting the formation of a complex between the antibody... and the TAT polypeptide, Para. [0031]); and further determining the presence of a TAT149 protein by forming a complex between an antibody and a TAT194 protein (binding of the antibody, oligopeptide or organic molecule to the TAT polypeptide in the sample, wherein the presence of such binding is indicative of the presence of the TAT polypeptide in the sample, Para. [0031]; the molecules listed below are excellent polypeptide targets for the diagnosis and therapy of cancer in mammals... TAT194, Para. [0935]).

The Groups I+ formulas do not share a significant structural element, requiring the selection of alternatives for the isolated antibody, "the antibody comprising at least one CDR sequence selected from the group consisting of: (a) a CDR-L1 sequence of any one of SEQ ID NOs:4-10; (b) a CDR-L2 sequence of any one of SEQ ID NOs:11-16; (c) a CDR-L3 sequence of any one of SEQ ID NOs:17-24; (d) a CDR-H1 sequence of any one of SEQ ID NOs:25-32 or 67; (e) a CDR-H2 sequence of any one of SEQ ID NOs:33-40 or 68; and (f) a CDR-H3 sequence of any one of SEQ ID NOs:41-48 or 69-73".

Groups I+ share the technical features of an antibody comprising at least one CDR sequence; an antibody comprising a VH sequence and a VL sequence; an antibody that binds to a TAT194 polypeptide. However, these shared technical features do not represent a contribution over the prior art. Specifically, US 2009/0075278 A1 to Frantz et al. discloses an antibody comprising at least one CDR sequence (the anti-TAT antibodies of the invention may further comprise humanized antibodies or human antibodies... Humanized antibodies include human immunoglobulins in which residues from a complementary determining region (CDR) of the recipient are replaced by residues from a CDR of a non-human species, Para. [0614]); an antibody that binds to a TAT194 polypeptide (an antibody... that binds to a TAT polypeptide, Para. [0033]; the molecules listed below are excellent polypeptide targets for the diagnosis and therapy of cancer in mammals... TAT194, Para. [0935]).

The inventions listed in Groups I+, II, and III therefore lack unity under Rule 13 because they do not share a same or corresponding special technical features.

## フロントページの続き

(51)Int.Cl.	F I		テーマコード(参考)
<b>C 1 2 N 1/21 (2006.01)</b>	C 1 2 N	1/19	
<b>C 1 2 N 5/10 (2006.01)</b>	C 1 2 N	1/21	
<b>C 1 2 N 1/38 (2006.01)</b>	C 1 2 N	5/00	1 0 2
<b>G 0 1 N 33/53 (2006.01)</b>	C 1 2 N	1/38	
<b>G 0 1 N 33/574 (2006.01)</b>	G 0 1 N	33/53	D
	G 0 1 N	33/574	A

(81)指定国 AP(BW, GH, GM, KE, LR, LS, MW, MZ, NA, RW, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, RU, TJ, T M), EP(AL, AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MK, MT, NL, NO, PL, PT, RO, R S, SE, SI, SK, SM, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AO, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BN, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CL, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, H U, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KM, KN, KP, KR, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI , NO, NZ, OM, PA, PE, PG, PH, PL, PT, QA, RO, RS, RU, RW, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, ST, SV, SY, TH, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC

(72)発明者 ヘイズン, メレディス  
 アメリカ合衆国 カリフォルニア 94080, サウス サンフランシスコ, ディーエヌエー  
 ウェイ 1, シーノオー ジェネンテック, インコーポレイテッド

(72)発明者 ホンゴー, ジョ-アン エス.  
 アメリカ合衆国 カリフォルニア 94080, サウス サンフランシスコ, ディーエヌエー  
 ウェイ 1, シーノオー ジェネンテック, インコーポレイテッド

(72)発明者 ジュヌトウラ, ジャガス アール.  
 アメリカ合衆国 カリフォルニア 94080, サウス サンフランシスコ, ディーエヌエー  
 ウェイ 1, シーノオー ジェネンテック, インコーポレイテッド

(72)発明者 ホツツェル, イシドロ  
 アメリカ合衆国 カリフォルニア 94080, サウス サンフランシスコ, ディーエヌエー  
 ウェイ 1, シーノオー ジェネンテック, インコーポレイテッド

(72)発明者 シャン, ヨンレイ  
 アメリカ合衆国 カリフォルニア 94080, サウス サンフランシスコ, ディーエヌエー  
 ウェイ 1, シーノオー ジェネンテック, インコーポレイテッド

(72)発明者 ユイ, シャン-ファン  
 アメリカ合衆国 カリフォルニア 94080, サウス サンフランシスコ, ディーエヌエー  
 ウェイ 1, シーノオー ジェネンテック, インコーポレイテッド

Fターム(参考) 4B024 AA01 AA12 BA45 CA01 CA11 DA02 DA05 DA12 EA04 GA11  
 HA15

4B065 AA01X AA26X AA72X AA90X AB01 BA02 CA25 CA44 CA46

4C085 AA14 AA15 CC23 EE01

4H045 AA11 AA20 AA30 CA41 DA76 EA20 EA51 FA74

专利名称(译)	用于诊断和治疗肿瘤的组合物和方法		
公开(公告)号	<a href="#">JP2015523852A</a>	公开(公告)日	2015-08-20
申请号	JP2015512643	申请日	2013-03-14
[标]申请(专利权)人(译)	健泰科生物技术公司		
申请(专利权)人(译)	Genentech公司		
[标]发明人	バクタスニール ヘイズンメレディス ホンゴージョアンエス ジュヌトゥラジャガスアール ホツツエルイシドロ シャンヨンレイ ユイシャンファン		
发明人	バクタ, スニール ヘイズン, メレディス ホンゴ, ジョ-アン エス. ジュヌトゥラ, ジャガス アール. ホツツエル, イシドロ シャン, ヨンレイ ユイ, シャン-ファン		
IPC分类号	C12N15/09 A61K39/395 A61P35/00 C07K16/30 C12N1/19 C12N1/21 C12N5/10 C12N1/38 G01N33/53 G01N33/574		
CPC分类号	C07K16/30 A61K47/6803 A61K47/6809 A61K47/6817 A61K47/6855 A61K51/1051 A61K2039/505 A61K2039/6037 C07K2317/24 C07K2317/76 C07K2317/77 C12Q1/6886 C12Q2600/158 C12Q2600/16 G01N33/57415 G01N33/57423 G01N2333/47 G01N2500/02		
FI分类号	C12N15/00.ZNA.A A61K39/395.N A61K39/395.T A61P35/00 C07K16/30 C12N1/19 C12N1/21 C12N5/00.102 C12N1/38 G01N33/53.D G01N33/574.A		
F-TERM分类号	4B024/AA01 4B024/AA12 4B024/BA45 4B024/CA01 4B024/CA11 4B024/DA02 4B024/DA05 4B024/DA12 4B024/EA04 4B024/GA11 4B024/HA15 4B065/AA01X 4B065/AA26X 4B065/AA72X 4B065/AA90X 4B065/AB01 4B065/BA02 4B065/CA25 4B065/CA44 4B065/CA46 4C085/AA14 4C085/AA15 4C085/CC23 4C085/EE01 4H045/AA11 4H045/AA20 4H045/AA30 4H045/CA41 4H045/DA76 4H045/EA20 4H045/EA51 4H045/FA74		
优先权	61/646803 2012-05-14 US 61/776603 2013-03-11 US		
其他公开文献	JP2015523852A5		
外部链接	<a href="#">Espacenet</a>		

#### 摘要(译)

本发明涉及用于诊断和治疗哺乳动物肿瘤的物质组合物和使用这些组合物的方法。

(21) 出願番号	特願2015-512643 (P2015-512643)	(71) 出願人	509012625
(86) (22) 出願日	平成25年3月14日 (2013. 3. 14)		ジェネンテック, インコーポレイテッド
(85) 翻訳文提出日	平成27年1月8日 (2015. 1. 8)		アメリカ合衆国 カリフォルニア州 サウス
(86) 国際出願番号	PCT/US2013/031547		サンフランシスコ デイエヌエー
(87) 国際公開番号	W02013/172961		ウェイ 1
(87) 国際公開日	平成25年11月21日 (2013. 11. 21)	(74) 代理人	100109726
(31) 優先権主張番号	61/646, 803		弁理士 園田 吉隆
(32) 優先日	平成24年5月14日 (2012. 5. 14)	(74) 代理人	100101199
(33) 優先権主張国	米国 (US)		弁理士 小林 義教
(31) 優先権主張番号	61/776, 603	(72) 発明者	バクタ, スニール
(32) 優先日	平成25年3月11日 (2013. 3. 11)		アメリカ合衆国 カリフォルニア 940
(33) 優先権主張国	米国 (US)		80, サウス サンフランシスコ, デ
			イエヌエー ウェイ 1, シー/オー
			ジェネンテック, インコーポレイテッ
			ト
			最終頁に続く