

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2019-504014  
(P2019-504014A)

(43) 公表日 平成31年2月14日(2019.2.14)

| (51) Int. Cl.                | F I         | テーマコード (参考) |
|------------------------------|-------------|-------------|
| <b>C07K 16/44 (2006.01)</b>  | C07K 16/44  | ZNA 4B064   |
| <b>G01N 33/53 (2006.01)</b>  | G01N 33/53  | D 4H045     |
| <b>G01N 33/543 (2006.01)</b> | G01N 33/543 | 521         |
| <b>C12N 15/13 (2006.01)</b>  | C12N 15/13  |             |
| <b>C12N 15/62 (2006.01)</b>  | C12N 15/62  | Z           |

審査請求 未請求 予備審査請求 未請求 (全 45 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号 特願2018-531428 (P2018-531428)  
 (86) (22) 出願日 平成28年12月15日 (2016.12.15)  
 (85) 翻訳文提出日 平成30年8月10日 (2018.8.10)  
 (86) 国際出願番号 PCT/US2016/066940  
 (87) 国際公開番号 WO2017/106508  
 (87) 国際公開日 平成29年6月22日 (2017.6.22)  
 (31) 優先権主張番号 62/268,924  
 (32) 優先日 平成27年12月17日 (2015.12.17)  
 (33) 優先権主張国 米国 (US)

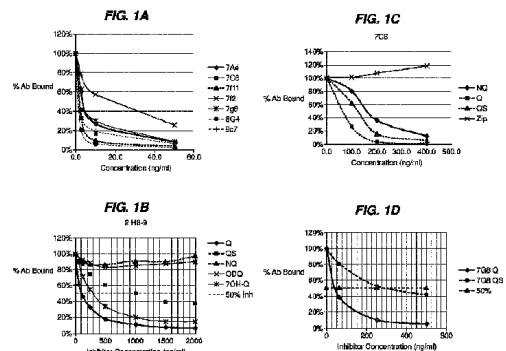
(71) 出願人 397060175  
 ヤンセン ファーマシューティカ エヌ.  
 ベー.  
 ベルギー国 ベー. -2340 ベルセ  
 トルンハウッサーヴェヒ 30  
 (74) 代理人 100092783  
 弁理士 小林 浩  
 (74) 代理人 100095360  
 弁理士 片山 英二  
 (74) 代理人 100093676  
 弁理士 小林 純子  
 (74) 代理人 100120134  
 弁理士 大森 規雄  
 (74) 代理人 100104282  
 弁理士 鈴木 康仁

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 クエチアピンに対する抗体及びその使用

(57) 【要約】

クエチアピンに結合する抗体又は抗体の結合フラグメントを開示する。抗体又は抗体の結合フラグメントを使用して、例えば、競合免疫測定方法などにおいて、試料中のクエチアピンを検出することができる。ラテラルフローアッセイデバイスにおいて、単一のラテラルフローアッセイデバイスにおけるアリピプラゾール、クエチアピン、オランザピン、及びリスペリドンの複合検出を含む、クエチアピンのポイント・オブ・ケア検出に抗体又は抗体の結合フラグメントを使用することができる。



## 【特許請求の範囲】

## 【請求項 1】

クエチアピンに結合する単離抗体又は前記抗体の結合フラグメントであって、

a) 配列番号 3 からなるアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号 4 からなる前記アミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、前記単離抗体若しくは前記抗体のフラグメント、

b) 配列番号 8 からなるアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号 10 からなる前記アミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、前記単離抗体若しくは前記抗体のフラグメント、

c) 配列番号 9 からなるアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号 10 からなる前記アミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、前記単離抗体若しくは前記抗体のフラグメント、又は

d) 配列番号 17 からなるアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号 18 からなる前記アミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、前記単離抗体若しくは前記抗体のフラグメントを含む、単離抗体又は前記抗体の結合フラグメント。

## 【請求項 2】

前記抗体は、前記アミノ酸配列配列番号 3 を有する前記軽鎖可変領域と、前記アミノ酸配列配列番号 4 を有する前記重鎖可変領域と、を含む、請求項 1 に記載の抗体。

## 【請求項 3】

前記抗体は、前記アミノ酸配列配列番号 8 を有する前記軽鎖可変領域と、前記アミノ酸配列配列番号 10 を有する前記重鎖可変領域と、を含む、請求項 1 に記載の抗体。

## 【請求項 4】

前記抗体は、前記アミノ酸配列配列番号 9 を有する前記軽鎖可変領域と、前記アミノ酸配列配列番号 10 を有する前記重鎖可変領域と、を含む、請求項 1 に記載の抗体。

## 【請求項 5】

前記抗体は、前記アミノ酸配列配列番号 17 を有する前記軽鎖可変領域と、前記アミノ酸配列配列番号 18 を有する前記重鎖可変領域と、を含む、請求項 1 に記載の抗体。

## 【請求項 6】

前記抗体は、

a) 配列番号 3 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖相補性決定領域 (CDR) 1 配列と、

b) 配列番号 3 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、

c) 配列番号 3 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR 3 配列と、

d) 配列番号 4 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む重鎖 CDR 1 配列と、

e) 配列番号 4 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR 2 配列と、

f) 配列番号 4 のアミノ酸残基 117 ~ 126 を含む重鎖 CDR 3 配列と、を含む、請求項 1 に記載の抗体。

## 【請求項 7】

前記抗体は、

a) 配列番号 8 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖 CDR 1 配列と、

b) 配列番号 8 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、

c) 配列番号 8 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR 3 配列と、

d) 配列番号 10 のアミノ酸残基 49 ~ 54 を含む重鎖 CDR 1 配列と、

e) 配列番号 10 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR 2 配列と、

f) 配列番号 10 のアミノ酸残基 120 ~ 130 を含む重鎖 CDR 3 配列と、を含む、請求項 1 に記載の抗体。

## 【請求項 8】

前記抗体は、

a) 配列番号 9 のアミノ酸残基 46 ~ 56 を含む軽鎖 CDR 1 配列と、

b) 配列番号 9 のアミノ酸残基 72 ~ 78 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、

10

20

30

40

50

c) 配列番号 9 のアミノ酸残基 111 ~ 119 を含む軽鎖 CDR3 配列と、  
 d) 配列番号 10 のアミノ酸残基 49 ~ 54 を含む重鎖 CDR1 配列と、  
 e) 配列番号 10 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR2 配列と、  
 f) 配列番号 10 のアミノ酸残基 120 ~ 130 を含む重鎖 CDR3 配列と、を含む、  
 請求項 1 に記載の抗体。

【請求項 9】

前記抗体は、

a) 配列番号 17 のアミノ酸残基 46 ~ 55 を含む軽鎖 CDR1 配列と、  
 b) 配列番号 17 のアミノ酸残基 71 ~ 77 を含む軽鎖 CDR2 配列と、  
 c) 配列番号 17 のアミノ酸残基 110 ~ 118 を含む軽鎖 CDR3 配列と、  
 d) 配列番号 18 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む重鎖 CDR1 配列と、  
 e) 配列番号 18 のアミノ酸残基 69 ~ 85 を含む重鎖 CDR2 配列と、  
 f) 配列番号 18 のアミノ酸残基 118 ~ 128 を含む重鎖 CDR3 配列と、を含む、  
 請求項 1 に記載の抗体。

10

【請求項 10】

前記抗体結合フラグメントは、Fv、F(ab')、F(ab')<sub>2</sub>、scFv、ミニボディ及びダイアボディのフラグメントからなるフラグメントの群から選択される、請求項 1 に記載の抗体。

【請求項 11】

前記抗体は、モノクローナル抗体である、請求項 1 に記載の抗体。

20

【請求項 12】

請求項 1 に記載の抗体を含むアッセイキット。

【請求項 13】

請求項 1 に記載の抗体を含むアッセイデバイス。

【請求項 14】

前記デバイスは、ラテラルフローアッセイデバイスである、請求項 13 に記載のアッセイデバイス。

【請求項 15】

試料中のクエチアピンを検出する方法であって、前記方法は、

(i) 試料を検出可能マーカで標識された請求項 1 に記載の抗体に接触させることであって、前記試料中に存在する前記標識された抗体及びクエチアピンは、標識された複合体を形成する、ことと、

30

(ii) 前記試料中のクエチアピンを検出するように、前記標識された複合体を検出することと、を含む、方法。

【請求項 16】

試料中のクエチアピンを検出するための競合免疫測定方法であって、前記方法は、

(i) 試料を、請求項 1 に記載の抗体と接触させ、かつクエチアピン又はクエチアピンの競合結合パートナーと接触させることであって、前記抗体及び前記クエチアピン又は前記クエチアピンの競合結合パートナーのうちの 1 つが、検出可能マーカで標識され、試料のクエチアピンは、前記抗体への結合に対して、前記クエチアピン又は前記クエチアピンの競合結合パートナーと競合する、ことと、

40

(ii) 試料のクエチアピンを検出するように、前記標識を検出することと、を含む、方法。

【請求項 17】

前記クエチアピン又は前記クエチアピンの競合結合パートナーは、前記検出可能マーカで標識されている、請求項 16 に記載の方法。

【請求項 18】

前記抗体は、検出可能マーカで標識されている、請求項 16 に記載の方法。

【請求項 19】

前記免疫測定は、ラテラルフローアッセイデバイスで行われ、前記試料は、前記デバイ

50

スに適用される、請求項 16 に記載の方法。

【請求項 20】

クエチアピンに加えて、1種以上の検体の存在を検出することを更に含む、請求項 15 又は 16 に記載の方法。

【請求項 21】

前記 1種以上の検体は、クエチアピン以外の抗精神病薬である、請求項 20 に記載の方法。

【請求項 22】

クエチアピン以外の前記抗精神病薬は、リスペリドン、パリペリドン、アリピプラゾール、オランザピン及びこれらの代謝産物からなる群から選択される、請求項 21 に記載の方法。

10

【請求項 23】

クエチアピンに結合する単離抗体又は前記抗体の結合フラグメントであって、

a) 配列番号 3 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖相補性決定領域 (CDR) 1 配列と、

b) 配列番号 3 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、

c) 配列番号 3 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR 3 配列と、

d) 配列番号 4 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む重鎖 CDR 1 配列と、

e) 配列番号 4 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR 2 配列と、

f) 配列番号 4 のアミノ酸残基 117 ~ 126 を含む重鎖 CDR 3 配列と、を含む、単離抗体又は前記抗体の結合フラグメント。

20

【請求項 24】

クエチアピンに結合する単離抗体又は前記抗体の結合フラグメントであって、

a) 配列番号 8 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖 CDR 1 配列と、

b) 配列番号 8 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、

c) 配列番号 8 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR 3 配列と、

d) 配列番号 10 のアミノ酸残基 49 ~ 54 を含む重鎖 CDR 1 配列と、

e) 配列番号 10 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR 2 配列と、

f) 配列番号 10 のアミノ酸残基 120 ~ 130 を含む重鎖 CDR 3 配列と、を含む、単離抗体又は前記抗体の結合フラグメント。

30

【請求項 25】

クエチアピンに結合する単離抗体又は前記抗体の結合フラグメントであって、

a) 配列番号 9 のアミノ酸残基 46 ~ 56 を含む軽鎖 CDR 1 配列と、

b) 配列番号 9 のアミノ酸残基 72 ~ 78 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、

c) 配列番号 9 のアミノ酸残基 111 ~ 119 を含む軽鎖 CDR 3 配列と、

d) 配列番号 10 のアミノ酸残基 49 ~ 54 を含む重鎖 CDR 1 配列と、

e) 配列番号 10 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR 2 配列と、

f) 配列番号 10 のアミノ酸残基 120 ~ 130 を含む重鎖 CDR 3 配列と、を含む、単離抗体又は前記抗体の結合フラグメント。

40

【請求項 26】

クエチアピンに結合する単離抗体又は前記抗体の結合フラグメントであって、

a) 配列番号 13 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖 CDR 1 配列と、

b) 配列番号 13 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、

c) 配列番号 13 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR 3 配列と、

d) 配列番号 14 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む重鎖 CDR 1 配列と、

e) 配列番号 14 のアミノ酸残基 69 ~ 85 を含む重鎖 CDR 2 配列と、

f) 配列番号 14 のアミノ酸残基 118 ~ 129 を含む重鎖 CDR 3 配列と、を含む、単離抗体又は前記抗体の結合フラグメント。

【請求項 27】

クエチアピンに結合する単離抗体又は前記抗体の結合フラグメントであって、

50

a) 配列番号 17 のアミノ酸残基 46 ~ 55 を含む軽鎖 CDR 1 配列と、  
 b) 配列番号 17 のアミノ酸残基 71 ~ 77 を含む軽鎖 CDR 2 配列と、  
 c) 配列番号 17 のアミノ酸残基 110 ~ 118 を含む軽鎖 CDR 3 配列と、  
 d) 配列番号 18 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む重鎖 CDR 1 配列と、  
 e) 配列番号 18 のアミノ酸残基 69 ~ 85 を含む重鎖 CDR 2 配列と、  
 f) 配列番号 18 のアミノ酸残基 118 ~ 128 を含む重鎖 CDR 3 配列と、を含む、  
 単離抗体又は前記抗体の結合フラグメント。

【請求項 28】

前記抗体結合フラグメントは、Fv、F(ab')、F(ab')<sub>2</sub>、scFv、ミニボディ及びダイアボディのフラグメントからなるフラグメントの群から選択される、請求項 23 ~ 27 のいずれか一項に記載の抗体。

10

【請求項 29】

前記抗体は、モノクローナル抗体である、請求項 23 ~ 27 のいずれか一項に記載の抗体。

【請求項 30】

請求項 23 ~ 27 のいずれか一項に記載の抗体を含むアッセイキット。

【請求項 31】

請求項 23 ~ 27 のいずれか一項に記載の抗体を含むアッセイデバイス。

【請求項 32】

前記デバイスは、ラテラルフローアッセイデバイスである、請求項 31 に記載のアッセイデバイス。

20

【請求項 33】

試料中のクエチアピンを検出する方法であって、前記方法は、

(i) 試料を検出可能マーカで標識された請求項 23 ~ 27 のいずれか一項に記載の抗体に接触させることであって、前記試料中に存在する前記標識された抗体及びクエチアピンは、標識された複合体を形成する、ことと、

(ii) 前記試料中のクエチアピンを検出するように、前記標識された複合体を検出することと、を含む、方法。

【請求項 34】

試料中のクエチアピンを検出するための競合免疫測定方法であって、前記方法は、

30

(i) 試料を請求項 23 ~ 27 のいずれか一項に記載の抗体と接触させ、かつクエチアピン又はクエチアピンの競合結合パートナーと接触させることであって、前記抗体及び前記クエチアピン又は前記クエチアピンの競合結合パートナーのうちの 1 つが、検出可能マーカで標識され、試料のクエチアピンは、該抗体への結合に対して、前記クエチアピン又は前記クエチアピンの競合結合パートナーと競合する、ことと、

(ii) 試料のクエチアピンを検出するように、前記標識を検出することと、を含む、方法。

【請求項 35】

前記クエチアピン又は前記クエチアピンの競合結合パートナーは、前記検出可能マーカで標識されている、請求項 34 に記載の方法。

40

【請求項 36】

前記抗体は、検出可能マーカで標識されている、請求項 34 に記載の方法。

【請求項 37】

前記免疫測定は、ラテラルフローアッセイデバイスで行われ、前記試料は、前記デバイスに適用される、請求項 34 に記載の方法。

【請求項 38】

クエチアピンに加えて、1 種以上の検体の存在を検出することを更に含む、請求項 33 又は 34 に記載の方法。

【請求項 39】

前記 1 種以上の検体は、クエチアピン以外の抗精神病薬である、請求項 38 に記載の方

50

法。

【請求項 40】

クエチアピン以外の前記抗精神病薬は、リスペリドン、パリペリドン、アリピプラゾール、オランザピン及びこれらの代謝産物からなる群から選択される、請求項 39 に記載の方法。

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

(配列表)

本出願は、ASCIIフォーマットで電子的に提出済みの配列表を含み、当該配列表の全体を参照により本明細書に援用するものである。当該ASCIIのコピーは、2016年12月12日に作成され、ファイル名はPRD3398WOPCT\_SL.txtであり、そのサイズは18,554バイトである。

10

【0002】

(関連出願の相互参照)

本出願は、米国特許仮出願第62/268,924号(2015年12月17日出願)の利益を主張し、その全体が参照により本明細書に組み込まれている。

【0003】

(発明の分野)

本発明は、イムノアッセイの分野に関し、特に、クエチアピンの検出のためのイムノアッセイにおいて使用することができる、クエチアピンに結合する抗体に関する。

20

【背景技術】

【0004】

精神分裂病は、世界人口の約0.45~1%が罹患している慢性かつ消耗性精神疾患である(van Os, J., Kapur, S. 「Schizophrenia」Lancet 2009, 374, 635~645)。治療の主な目標は、精神病の症状からの持続的な軽快、再発のリスク及び因果関係の低減、並びに患者の機能的かつ全体的な生活の質の向上である。精神分裂病の患者の多くは、入手可能な抗精神病薬によって症状を安定させることが可能であるが、投薬に対する順守不足が、毎日投与される経口薬による再発の共通の理由である。不順守の結果を調査するいくつかの研究(Abdel-Baki, A., Ouellet-Plamondon, C., Malla, A. 「Pharmacotherapy Challenges in Patients with First-Episode Psychosis」Journal of Affective Disorders 2012, 138, S3~S14)によると、処方どおり投薬を受けない精神分裂病患者は、再発、入院及び自殺の割合が高く、同様に死亡率も高い。精神分裂病患者の40~75%が、毎日の経口治療レジメンを順守することが困難であると推定されている(Lieberman, J.A., Stroup, T.S., McEvoy, J.P., Swartz, M.S., Rosenheck, R.A., Perkins, D.O., Keefe, R.S.E., Davis, S.M., Davis, C.E., Lebowitz, B.D., Severe, J., Hsiao, J.K. 「Effectiveness of Antipsychotic Drugs in Patients with Chronic Schizophrenia」New England Journal of Medicine 2005, 353(12), 1209~1223)。

30

40

【0005】

治療薬物モニタリング(TDM)は、治療モニタリング及び治療最適化のための、抗精神病薬を含む薬物の血清又は血漿濃度の定量化である。このようなモニタリングは、例えば、投薬レジメンを順守せず、治療用量に達成せず、治療用量において非反応的であり、準最適な耐性を有し、薬物動態学的な薬物間相互作用を有し、あるいは不適切な血漿濃度を引き起こす異常な代謝を有する患者の識別を可能にする。抗精神病薬を吸収、分配、代

50

謝、及び排泄する患者の能力には、相当な個人差が存在する。このような差異は、併発の疾病、年齢、併用投薬又は遺伝的特徴に起因する場合がある。様々な薬物製剤もまた、抗精神病薬の代謝に影響を及ぼす場合がある。TDMは、個々の患者のための用量最適化を可能にし、治療転帰及び機能転帰を向上させる。TDMにより、処方医は、所定の用量を遵守し、有効な血清濃度を確実に達成することを更に可能にする。

#### 【0006】

これまで、抗精神病薬の血清又は血漿濃度のレベルを判定するための方法は、UV又は質量分析検出による液体クロマトグラフィー(LC)及びラジオイムノアッセイの使用を伴う(例えば、Woestenborghs et al., 1990「On the selectivity of some recently developed RIA's」in *Methodological Surveys in Biochemistry and Analysis* 20:241~246。Analysis of Drugs and Metabolites, Including Anti-infective Agents, Heykants et al., 1994「The Pharmacokinetics of Risperidone in Humans: A Summary」, *J Clin Psychiatry* 55/5, suppl:13~17、Huang et al., 1993「Pharmacokinetics of the novel anti-psychotic agent risperidone and the prolactin response in healthy subjects」, *Clin Pharmacol Ther* 54:257~268参照)。ラジオイムノアッセイは、リスペリドン及びパリペリドンのうちの一方又は両方を検出する。米国特許第8,088,594号におけるSalamoneらは、リスペリドン及びパリペリドンの両方を検出するが、薬理的な不活性代謝産物は検出しない抗体を使用する、リスペリドンの競合免疫測定を開示している。競合免疫測定に使用された抗体は、特定の免疫原に対して開発されている。ID Labs Inc. (London, Ontario, Canada)は、これもまた競合フォーマットを利用している他の抗精神病薬であるオランザピンのELISAを販売している。使用説明書は、アッセイがスクリーニングの目的のために設計され、法医学又は研究上での使用を意図され、具体的には治療上での使用を意図していないことを示している。使用説明書は、全ての陽性試料が、ガスクロマトグラフィー/質量分析法(GC-MS)により確認されるべきであることを推奨し、使用された抗体は、オランザピン及びクロザピンを検出することを示している(ID Labs Inc., 「Instructions For Use Data Sheet IDEL-F083」, Rev. Date Aug. 8, 2011参照)。これらの方法、即ち、HPLC及びGC/MSのうちのいくつかは、高価で手間がかかる場合があり、一般的には、適切な設備を有する大規模な又は専門的な実験室においてのみ実施される。

#### 【発明の概要】

#### 【発明が解決しようとする課題】

#### 【0007】

抗精神病薬のレベルを判定するための他の方法、特に、(よりタイムリーに個々の患者に対する治療を適切に調節することができる)処方医の診察所、LC又はGC/MS設備がないか、あるいは迅速な試験結果を必要としている他の医療現場において行うことができる方法に対するニーズが存在している。

#### 【課題を解決するための手段】

#### 【0008】

本発明は、クエチアピンに結合する単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントであって、a)重鎖可変領域と、配列番号3、配列番号8、配列番号9、配列番号13及び配列番号17からなる群から選択されるアミノ酸配列を含む及び軽鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、b)配列番号4、配列番号10、配列番号14及び配列番号18からなる群から選択されるアミノ酸配列を含む重鎖可変領域と、軽鎖可変領域

と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、c) 配列番号3のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号4のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、d) 配列番号8のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、e) 配列番号9のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、f) 配列番号13のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号14のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、並びにg) 配列番号17のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号18のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメントからなる群から選択される、単離抗体又は単離抗体のフラグメントである、単離抗体又は単離抗体のフラグメントに関する。

10

#### 【0009】

本発明の実施形態は、クエチアピンに結合する単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントであって、抗体は、a) 配列番号3のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号4のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、b) 配列番号8のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、c) 配列番号9のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、d) 配列番号13のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号14のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、又はe) 配列番号17のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号18のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメントを含む。

20

#### 【0010】

本発明は、上で特定された単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに結合することができるエピトープに対して競合し、上で特定された抗体により結合されたエピトープと同一である、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに更に関する。

#### 【0011】

更なる実施形態では、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号3、配列番号8、配列番号9、配列番号13、又は配列番号17と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号3、配列番号8、配列番号9、配列番号13、又は配列番号17と、少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

30

#### 【0012】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号4、配列番号10、配列番号14、又は配列番号18と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む重鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、重鎖可変領域は、配列番号4、配列番号10、配列番号14、又は配列番号18と、少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

40

#### 【0013】

本明細書に記載された主題発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの更なる実施形態は、軽鎖可変領域及び重鎖可変領域を含む抗体又は抗体の結合フラグメントであって、軽鎖可変領域は、a) 配列番号3のアミノ酸残基43~58を含む相補性決定領域1(CDR

50

1) 配列、配列番号3のアミノ酸残基74~80を含むCDR2配列、及び配列番号3のアミノ酸残基117~126を含むCDR3配列、b) 配列番号8のアミノ酸残基43~58を含むCDR1配列、配列番号8のアミノ酸残基74~80を含むCDR2配列、及び配列番号8のアミノ酸残基113~121を含むCDR3配列、c) 配列番号9のアミノ酸残基46~56を含むCDR1配列、配列番号9のアミノ酸残基72~78を含むCDR2配列、及び配列番号9のアミノ酸残基111~119を含むCDR3配列、d) 配列番号13のアミノ酸残基43~58を含むCDR1配列、配列番号13のアミノ酸残基74~80を含むCDR2配列、及び配列番号13のアミノ酸残基113~121を含むCDR3配列、並びにe) 配列番号17のアミノ酸残基46~55を含むCDR1配列、配列番号17のアミノ酸残基71~77を含むCDR2配列、及び配列番号17のアミノ酸残基110~118を含むCDR3配列からなる群から選択され、重鎖可変領域は、a) 配列番号4のアミノ酸残基50~54を含むCDR1配列、配列番号4のアミノ酸残基70~84を含むCDR2配列、及び配列番号4のアミノ酸残基117~126を含むCDR3配列、b) 配列番号10のアミノ酸残基49~54を含むCDR1配列、配列番号10のアミノ酸残基69~84を含むCDR2配列、及び配列番号10のアミノ酸残基117~119を含むCDR3配列、c) 配列番号14のアミノ酸残基50~54を含むCDR1配列、配列番号14のアミノ酸残基70~85を含むCDR2配列、及び配列番号14のアミノ酸残基118~129を含むCDR3配列、並びにd) 配列番号18のアミノ酸残基50~54を含むCDR1配列、配列番号18のアミノ酸残基69~85を含むCDR2配列、及び配列番号18のアミノ酸残基118~128を含むCDR3配列からなる群から選択される。

#### 【0014】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントは、アッセイキット及びアッセイデバイスにおいて提供されてもよく、現在好ましいデバイスは、ポイント・オブ・ケア (point-of-care) 分析を提供するラテラルフローアッセイ (lateral flow assay) デバイスである。

#### 【0015】

好ましい実施形態では、抗体は、モノクローナル抗体である。いくつかの好ましい実施形態において、抗体結合フラグメントは、Fv、F(ab')、F(ab')<sub>2</sub>、scFv、ミニボディ (minibody) 及びダイアボディ (diabody) のフラグメントからなるフラグメントの群から選択される。

#### 【0016】

本発明は、試料中のクエチアピンを検出する方法を更に提供する。方法は、(i) 試料を検出可能マーカで標識された本発明による抗体又は抗体の結合フラグメントに接触させることであって、試料中に存在する標識された抗体及びクエチアピンは、標識された複合体を形成する、ことと、(ii) 試料中のクエチアピンを検出するように、標識された複合体を検出することと、を含む。

#### 【0017】

試料中のクエチアピンを検出するための競合免疫測定方法が更に提供される。方法は、(i) 試料を、本発明による抗体又は抗体の結合フラグメントと接触させ、かつクエチアピン又はクエチアピンの競合結合パートナーと接触させることであって、抗体及びクエチアピン又はクエチアピンの競合結合パートナーのうちの1つが、検出可能マーカで標識され、試料のクエチアピンは、抗体又は抗体の結合フラグメントへの結合に対して、クエチアピン又はクエチアピンの競合結合パートナーと競合する、ことと、(ii) 試料のクエチアピンを検出するように、標識を検出することと、を含む。

#### 【0018】

本発明の更なる目的、特徴及び利点が、以下の好ましい実施形態の詳細な考察から、当業者に明白となるであろう。

#### 【図面の簡単な説明】

#### 【0019】

【図1A】様々なクエチアピンハイブリドーマにより生成された競合ELISAの結果を

示すグラフである。

【図 1 B】様々なクエチアピンハイブリドーマにより生成された競合 E L I S A の結果を示すグラフである。

【図 1 C】様々なクエチアピンハイブリドーマにより生成された競合 E L I S A の結果を示すグラフである。

【図 1 D】様々なクエチアピンハイブリドーマにより生成された競合 E L I S A の結果を示すグラフである。

【図 1 E】様々なクエチアピンハイブリドーマにより生成された競合 E L I S A の結果を示すグラフである。

【図 2 A】様々なクエチアピンハイブリドーマにより生成された競合 E L I S A の結果を示すグラフである。

【図 2 B】様々なクエチアピンハイブリドーマにより生成された競合 E L I S A の結果を示すグラフである。

【図 3】ラテラルフローアッセイデバイスで使用された競合免疫測定フォーマットを示す図である。

【図 4】クエチアピンのサブクローンにより生成された典型的な用量反応曲線である。

【図 5】本発明によるラテラルフローアッセイデバイスのチップの設計図である。

【図 6】抗体 5 C 7 及び標識されたアリピラゾール競合結合パートナーにより生成されたアリピラゾールのポジティブコントロールに関する典型的な用量反応曲線である。

【図 7】抗体 4 G 9 - 1 及び標識されたオランザピン競合結合パートナーにより生成されたオランザピンのポジティブコントロールに関する典型的な用量反応曲線である。

【図 8】抗体 1 1 及び標識されたクエチアピン競合結合パートナーにより生成されたクエチアピンのポジティブコントロールに関する典型的な用量反応曲線である。

【図 9】抗体 5 \_\_ 9 及び標識されたリスペリドン競合結合パートナーにより生成されたリスペリドンのポジティブコントロールに関する典型的な用量反応曲線である。

【図 1 0】標識されたアリピラゾール競合結合パートナーの存在下で、アリピラゾール抗体 5 C 7 により生成されたアリピラゾールを含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、それぞれ標識された競合結合パートナーの存在下で、オランザピン、クエチアピン、又はリスペリドンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図 1 1】標識されたオランザピン競合結合パートナーの存在下で、オランザピン抗体 4 G 9 - 1 により生成されたオランザピンを含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、標識された競合結合パートナーの存在下で、アリピラゾール、クエチアピン、又はリスペリドンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図 1 2】標識されたクエチアピン競合結合パートナーの存在下で、クエチアピン抗体 1 1 により生成されたクエチアピンを含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、それぞれの標識された競合結合パートナーの存在下で、アリピラゾール、オランザピン又はリスペリドンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図 1 3】標識されたリスペリドン競合結合パートナーの存在下で、リスペリドン抗体 5 \_\_ 9 により生成されたリスペリドン含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、それぞれの標識された競合結合パートナーの存在下で、アリピラゾール、オランザピン、又はクエチアピンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図 1 4】標識されたアリピラゾール競合結合パートナーの存在下で、アリピラゾール抗体 5 C 7 により生成されたアリピラゾールを含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、それぞれの抗体及び標識された競合結合パートナーの存在下で、オランザピン、クエチアピン、又はリスペリドンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図 1 5】標識されたオランザピン競合結合パートナーの存在下で、オランザピン抗体 4 G 9 - 1 で生成されたオランザピンを含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、それぞれの抗体及び標識された競合結合パートナーの存在下で、アリピラゾール、クエチアピン、又はリスペリドンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図 1 6】標識されたクエチアピン競合結合パートナーの存在下で、クエチアピン抗体 1 1

10

20

30

40

50

により生成されたクエチアピンを含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、それぞれの抗体及び標識された競合結合パートナーの存在下で、アリピプラゾール、オランザピン、又はリスペリドンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図17】標識されたリスペリドン競合結合パートナーの存在下でリスペリドン抗体 5\_\_9 により生成されたリスペリドン含有する試料に関する典型的な用量反応曲線であり、それぞれの抗体及び標識された競合結合パートナーの存在下で、アリピプラゾール、オランザピン、又はクエチアピンに関して用量反応曲線は生成されていない。

【図18】ポジティブコントロールとして生成されたアリピプラゾール用量反応曲線と、複合形式で生成されたアリピプラゾール用量反応曲線との比較である。

【図19】ポジティブコントロールとして生成されたオランザピン用量反応曲線と、複合形式で生成されたオランザピン用量反応曲線との比較である。

【図20】ポジティブコントロールとして生成されたクエチアピン用量反応曲線と、複合形式で生成されたクエチアピン用量反応曲線との比較である。

【図21】ポジティブコントロールとして生成されたリスペリドン用量反応曲線と、複合形式で生成されたリスペリドン用量反応曲線との比較である。

【発明を実施するための形態】

【0020】

本発明は、特定の方法、試薬、化合物、組成物、又は生物学的システムに限定されるものではなく、これらは無論のこと変更可能であることは理解されるはずである。また、本明細書において使用される用語は、あくまで特定の実施形態を説明することを目的としたものに過ぎず、限定的なものではない点も理解されるはずである。

【0021】

本明細書及び添付の「特許請求の範囲」において使用するところの単数形「a」、「an」及び「the」は、その内容について特に明らかに断らないかぎり、複数の指示対象を含むものである。

【0022】

以下の用語は、2つ以上のポリヌクレオチド又はアミノ酸配列の配列関係を説明するために使用される。「参照配列」、「比較ウィンドウ」、「配列同一性」、「配列同一性の割合」、「実質的な同一性」、「類似性」、「相同性」。「参照配列」は、配列の比較の基本として使用される定義された配列であり、参照配列は、より大きな配列のサブセット、例えば、配列表に与えられる全長のcDNA又は遺伝子配列のセグメントであってもよく、あるいは全cDNA又は遺伝子配列を含むものであってもよく、参照配列は、配列表において与えられるようなタンパク質をコードする全アミノ酸配列のセグメントを含んでもよく、あるいはタンパク質をコードする全アミノ酸配列を含んでもよい。一般的には、参照配列は、少なくとも18個のヌクレオチド又は6個のアミノ酸の長さであり、少なくとも24個のヌクレオチド又は8個のアミノ酸の長さであることも多く、少なくとも48個のヌクレオチド又は16個のアミノ酸の長さである場合も多い。2つのポリヌクレオチド又はアミノ酸配列は、それぞれ、(1)2つの分子間で類似する配列(即ち、全ヌクレオチド又はアミノ酸配列の一部)を含んでもよく、(2)2つのポリヌクレオチド又はアミノ酸配列間で相違する配列を更に含んでもよい。2つ(又はそれ以上)の分子間の配列比較は、通常、「比較ウィンドウ」上の2つの分子の配列を比較して、配列類似性の局所的領域を識別及び比較することによって行われる。本明細書で使用される「比較ウィンドウ」とは、2つの配列の最適なアライメントに、少なくとも18個の連続ヌクレオチド配列部位又は6個のアミノ酸の概念的セグメントであって、ポリヌクレオチド配列又はアミノ酸配列は、少なくとも18個の連続ヌクレオチド又は6個のアミノ酸の参照配列に対して比較されてもよく、比較ウィンドウにおけるポリヌクレオチド配列又はアミノ酸配列の一部は、(付加又は欠失を含まない)参照配列と比べて20%未満の付加、欠失、置換など(例えば、間隙)を含んでもよい。比較ウィンドウを位置合わせするための配列の最適なアライメントは、Smith and Waterman, Adv. Appl. Math. 2: 482 (1981)の局所相同性アルゴリズム、Needleman an

10

20

30

40

50

d Wunsch, J. Mol. Biol. 48: 443 (1970) の相同性アライメントアルゴリズム、Pearson and Lipman, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 85: 2444 (1988) の類似性検索方法、これらのアルゴリズムのコンピュータによる実装 (GAP, BESTFIT, FASTA, and TFASTA in the Wisconsin Genetics Software Package Release 7.0 (Genetics Computer Group, 575 Science Dr., Madison, WI), Geneworks or MacVector software packages)、又は検査によって行うことができ、多様な方法によって生成された (比較ウィンドウにわたって、最も高い同一性割合を生じさせる) 最適整列が選択される。

10

## 【0023】

「配列同一性」という用語は、2つのポリヌクレオチド又はアミノ酸配列同士が比較ウィンドウにわたって同一 (即ち、ヌクレオチド単位又はアミノ酸残基単位) であることを意味する。「配列同一性の割合 (%)」という用語は、最適に整列された2つの配列同士を比較ウィンドウにわたって比較し、同じ核酸塩基 (例えば A、T、C、G、又は U) 又はアミノ酸残基が両方の配列に生じる位置の数を求めることにより、一致した位置の数を得て、一致した位置の数を比較ウィンドウ内の位置の総数 (即ち、ウィンドウサイズ) で割り、その結果に100を掛けて配列同一性の割合 (%) を得ることによって算出される。本明細書で使用するところの「実質的な同一性」又は「実質的に同一の」という用語は、ポリヌクレオチド又はアミノ酸配列の特性を示すものであり、そのポリヌクレオチド又はアミノ酸は、少なくとも18個のヌクレオチド (6個のアミノ酸) 配列部位の比較ウィンドウにわたって、特に、少なくとも18~48個のヌクレオチド (6~16個のアミノ酸) 配列部位のウィンドウにわたって、多くの場合、少なくとも24~48個のヌクレオチド (8~16個のアミノ酸) 配列部位のウィンドウにわたって、参照配列と比較して、少なくとも85%の配列同一性、好ましくは少なくとも85~99%の配列同一性、より好ましくは少なくとも90~95%の配列同一性、特に好ましくは少なくとも85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、又は95%の配列同一性、更に通常、少なくとも96、97、98、又は99%の配列同一性を有する配列を含み、配列同一性の割合 (%) は、比較ウィンドウにわたって参照配列の合計20%以下である欠失又は付加を含み得る配列に対して参照配列を比較することによって計算される。参照配列は、より大きな配列のサブセットであってよい。「類似性」という用語は、ポリペプチドを説明するために使用する場合、1つのポリペプチドのアミノ酸配列及び保存アミノ酸置換と、第2のポリペプチドの配列とを比較することで判定される。「相同の」という用語は、ポリヌクレオチドについて説明するために使用する場合、2つのポリヌクレオチド、又はこれらの指定された配列が、最適に整列及び比較された場合、適切なヌクレオチド挿入又は欠失を伴うが、ヌクレオチドの少なくとも70%、好ましくは、ヌクレオチドの少なくとも70%~99%、通常少なくとも75%~99%、特に少なくとも75%、76%、77%、78%、79%、80%、81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、及びより好ましくはヌクレオチドの少なくとも96%、97%、98%、99%において同一であることを示す。

20

30

40

## 【0024】

本明細書で使用される際、「標識」、「検出分子」、「リポーター」、又は「検出可能なマーカ」は、検出可能なシグナルの生成、あるいは検出可能なシグナルの生成を誘発することができる任意の分子である。標識は、検体、免疫原、抗体にコンジュゲートすることができる、あるいはリガンド、特にハプテン又は抗体などのレセプターに結合することができるレセプター又は分子のような他の分子にコンジュゲートすることができる。標識は、連結又は架橋部分によって直接又は間接的に取り付けられ得る。標識の非限定的な例としては、放射性同位元素 (例えば、 $^{125}\text{I}$ )、酵素 (例えば、ガラクトシダーゼ、ペルオキシダーゼ)、酵素フラグメント、酵素基質、酵素阻害剤、補酵素、触媒、蛍光体 (

50

例えば、ローダミン、フルオレセインイソチオシアネート、又はFITC、又はDyLight 649)、染料、化学発光物質及び発光物質(例えば、ジオキセタン、ルシフェリン)、又は増感剤が挙げられる。

【0025】

本発明は、クエチアピンに結合する単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントを提供する。本発明は、抗体又は抗体の結合フラグメントを含むアッセイキット及びアッセイデバイスを更に提供する。本発明は、競合免疫測定方法を含む、試料中のクエチアピンを検出する方法を更に提供する。

【0026】

一実施形態では、本発明は、クエチアピンに結合し、a)重鎖可変領域と、配列番号3、配列番号8、配列番号9、配列番号13及び配列番号17からなる群から選択されるアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメント、b)配列番号4、配列番号10、配列番号14及び配列番号18からなる群から選択されるアミノ酸配列を含む重鎖可変領域と、軽鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、c)配列番号3のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号4のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、d)配列番号8のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、e)配列番号9のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、f)配列番号13のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号14のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメント、並びにg)配列番号17のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号18のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体のフラグメントからなる群から選択される、単離抗体又は単離抗体のフラグメントである、単離抗体又は単離抗体のフラグメントに関する。

【0027】

本発明の更なる実施形態は、クエチアピンに結合する単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントであって、抗体は、a)配列番号3のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号4のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、b)配列番号8のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、c)配列番号9のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号10のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、d)配列番号13のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号14のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメント、又はe)配列番号17のアミノ酸配列を有する軽鎖可変領域と、配列番号18のアミノ酸配列を有する重鎖可変領域と、を含む、単離抗体若しくは単離抗体のフラグメントを含む。

【0028】

別の実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号3、配列番号8、配列番号9、配列番号13、又は配列番号17からなる群から選択されるアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域と、配列番号4、配列番号10、配列番号14、又は配列番号18からなる群から選択されるアミノ酸配列を含む重鎖可変領域と、を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントと結合することができるエピトープに対して競合する単離抗体若しくは単離抗体のフラグメントに関する。単離抗体若しくは単離抗体のフラグメントは、配列番号3、配列番号8、配列番号9、配列番号13、及び配列番号17からなる群から選択されるアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域と、配列番号4、配列番号10、配列番号14、又は配列番号18を含む群から選択されるアミノ酸配列を含む重鎖可変領域と、を含む抗体によって結合されたエピトープと同一である。

【0029】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号3、配列番号8

、配列番号 9、配列番号 13、又は配列番号 17 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号 3、配列番号 8、配列番号 9、配列番号 13、又は配列番号 17 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

【0030】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号 4、配列番号 10、配列番号 14、又は配列番号 18 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む重鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、重鎖可変領域は、配列番号 4、配列番号 10、配列番号 14、又配列番号 18 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

10

【0031】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの現在の好ましい実施形態は、アミノ酸配列配列番号 3 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 4 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体のフラグメント、アミノ酸配列配列番号 8 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 10 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体の結合フラグメント、アミノ酸配列配列番号 9 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 10 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体の結合フラグメント、アミノ酸配列配列番号 13 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 14 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体の結合フラグメント、並びにアミノ酸配列配列番号 17 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 18 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。

20

【0032】

実施形態では、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号 3 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号 3 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

30

【0033】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号 4 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む重鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、重鎖可変領域は、配列番号 4 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

40

【0034】

本発明の抗体の現在の好ましい実施形態は、アミノ酸配列配列番号 3 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 4 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体のフラグメントである。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号 3 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号 4 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、軽鎖可変領域は、配列番号 3 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミ

50

ノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号4と少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

【0035】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号8又は配列番号9と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号8又は配列番号9と、少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

10

【0036】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号10と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む重鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、重鎖可変領域は、配列番号10と、少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

20

【0037】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの現在の好ましい実施形態は、アミノ酸配列配列番号8を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号10を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体のフラグメントである。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号8と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号10と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、軽鎖可変領域は、配列番号8と少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号10と少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

30

【0038】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの他の好ましい実施形態は、アミノ酸配列配列番号9を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号10を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号9と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号10と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、軽鎖可変領域は、配列番号9と、少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号10と、少なくとも85%の配列同一性、少なくとも90%の配列同一性、少なくとも95%の配列同一性、少なくとも96%の配列同一性、少なくとも97%の配列同一性、少なくとも98%の配列同一性、又は少なくとも99%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

40

【0039】

別の実施形態では、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号13と少なくとも80%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号13と、少

50

なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

【0040】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号 14 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む重鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、重鎖可変領域は、配列番号 14 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

10

【0041】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの現在の好ましい実施形態は、アミノ酸配列配列番号 13 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 14 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号 13 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号 14 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、軽鎖可変領域は、配列番号 13 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号 14 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

20

【0042】

別の実施形態では、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号 17 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む軽鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号 17 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

30

【0043】

更なる実施形態において、本発明は、クエチアピンに結合し、配列番号 18 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む重鎖可変領域を含む、単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントに関する。実施形態において、重鎖可変領域は、配列番号 18 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

40

【0044】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの更なる実施形態は、アミノ酸配列配列番号 17 を有する軽鎖可変領域と、アミノ酸配列配列番号 18 を有する重鎖可変領域と、を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。実施形態において、軽鎖可変領域は、配列番号 17 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号 18 と少なくとも 80% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。いくつかの実施形態では、軽鎖可変領域は、配列番号 17 と、少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含み、重鎖可変領域は、配列番号 18 と、

50

少なくとも 85% の配列同一性、少なくとも 90% の配列同一性、少なくとも 95% の配列同一性、少なくとも 96% の配列同一性、少なくとも 97% の配列同一性、少なくとも 98% の配列同一性、又は少なくとも 99% の配列同一性を有するアミノ酸配列を含む。

【0045】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの更に好ましい実施形態は、軽鎖可変領域及び重鎖可変領域を含む抗体又は抗体の結合フラグメントであって、軽鎖可変領域は、a) 配列番号 3 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む相補性決定領域 1 (CDR1) 配列、配列番号 3 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む CDR2 配列、及び配列番号 3 のアミノ酸残基 117 ~ 126 を含む CDR3 配列を有する軽鎖可変領域、b) 配列番号 8 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む CDR1 配列、配列番号 8 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む CDR2 配列、及び配列番号 8 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む CDR3 配列を有する軽鎖可変領域、c) 配列番号 9 のアミノ酸残基 46 ~ 56 を含む CDR1 配列、配列番号 9 のアミノ酸残基 72 ~ 78 を含む CDR2 配列、及び配列番号 9 のアミノ酸残基 111 ~ 119 を含む CDR3 配列を有する軽鎖可変領域、d) 配列番号 13 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む CDR1 配列、配列番号 13 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む CDR2 配列、及び配列番号 13 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む CDR3 配列を有する軽鎖可変領域、並びに e) 配列番号 17 のアミノ酸残基 46 ~ 55 を含む CDR1 配列、配列番号 17 のアミノ酸残基 71 ~ 77 を含む CDR2 配列、及び配列番号 17 のアミノ酸残基 110 ~ 118 を含む CDR3 配列を有する軽鎖可変領域からなる群から選択され、重鎖可変領域は、a) 配列番号 4 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む CDR1 配列、配列番号 4 のアミノ酸残基 70 ~ 84 を含む CDR2 配列、及び配列番号 4 のアミノ酸残基 117 ~ 126 を含む CDR3 配列を有する重鎖可変領域、b) 配列番号 10 のアミノ酸残基 49 ~ 54 を含む CDR1 配列、配列番号 10 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む CDR2 配列、及び配列番号 10 のアミノ酸残基 117 ~ 119 を含む CDR3 配列を有する重鎖可変領域、c) 配列番号 14 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む CDR1 配列、配列番号 14 のアミノ酸残基 70 ~ 85 を含む CDR2 配列、及び配列番号 14 のアミノ酸残基 118 ~ 129 を含む CDR3 配列を有する重鎖可変領域、並びに d) 配列番号 18 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む CDR1 配列、配列番号 18 のアミノ酸残基 69 ~ 85 を含む CDR2 配列、及び配列番号 18 のアミノ酸残基 118 ~ 128 を含む CDR3 配列を有する重鎖可変領域からなる群から選択される。

【0046】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの更なる好ましい実施形態は、1) 配列番号 3 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖 CDR1 配列、配列番号 3 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR2 配列、配列番号 3 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR3 配列、配列番号 4 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む重鎖 CDR1 配列、配列番号 4 のアミノ酸残基 70 ~ 84 を含む重鎖 CDR2 配列、及び配列番号 4 のアミノ酸残基 117 ~ 126 を含む重鎖 CDR3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメント、2) 配列番号 8 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖 CDR1 配列、配列番号 8 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR2 配列、配列番号 8 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR3 配列、配列番号 10 のアミノ酸残基 49 ~ 54 を含む重鎖 CDR1 配列、配列番号 10 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR2 配列、及び配列番号 10 のアミノ酸残基 117 ~ 119 を含む重鎖 CDR3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメント、3) 配列番号 9 のアミノ酸残基 46 ~ 56 を含む軽鎖 CDR1 配列、配列番号 9 のアミノ酸残基 72 ~ 78 を含む軽鎖 CDR2 配列、配列番号 9 のアミノ酸残基 111 ~ 119 を含む軽鎖 CDR3 配列、配列番号 10 のアミノ酸残基 49 ~ 54 を含む重鎖 CDR1 配列、配列番号 10 のアミノ酸残基 69 ~ 84 を含む重鎖 CDR2 配列、及び配列番号 10 のアミノ酸残基 117 ~ 119 を含む重鎖 CDR3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメント、4) 配列番号 13 のアミノ酸残基 43 ~ 58 を含む軽鎖 CDR1 配列、配列番号 13 のアミノ酸残基 74 ~ 80 を含む軽鎖 CDR2 配列、配列番号 13 のアミノ酸残基 113 ~ 121 を含む軽鎖 CDR3 配列、配列番号 14 のアミノ酸残基 50 ~ 54 を含む重鎖

C D R 1 配列、配列番号 1 4 のアミノ酸残基 7 0 ~ 8 5 を含む重鎖 C D R 2 配列、及び配列番号 1 4 のアミノ酸残基 1 1 8 ~ 1 2 9 を含む重鎖 C D R 3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメント、並びに 5 ) 配列番号 1 7 のアミノ酸残基 4 6 ~ 5 5 を含む軽鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 7 のアミノ酸残基 7 1 ~ 7 7 を含む軽鎖 C D R 2 配列、配列番号 1 7 のアミノ酸残基 1 1 0 ~ 1 1 8 を含む軽鎖 C D R 3 配列、配列番号 1 8 のアミノ酸残基 5 0 ~ 5 4 を含む重鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 8 のアミノ酸残基 6 9 ~ 8 5 を含む重鎖 C D R 2、及び配列番号 1 8 のアミノ酸残基 1 1 8 ~ 1 2 8 を含む重鎖 C D R 3 を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。

【 0 0 4 7 】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの更なる好ましい実施形態は、配列番号 3 のアミノ酸残基 4 4 ~ 5 4 を含む軽鎖 C D R 1 配列、配列番号 3 のアミノ酸残基 7 0 ~ 7 6 を含む軽鎖 C D R 2 配列、配列番号 3 のアミノ酸残基 1 0 9 ~ 1 1 7 を含む軽鎖 C D R 3 配列、配列番号 4 のアミノ酸残基 5 0 ~ 5 4 を含む重鎖 C D R 1 配列、配列番号 4 のアミノ酸残基 6 9 ~ 8 5 を含む重鎖 C D R 2 配列、及び配列番号 4 のアミノ酸残基 1 1 8 ~ 1 2 8 を含む重鎖 C D R 3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。

10

【 0 0 4 8 】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの別の好ましい実施形態は、配列番号 8 のアミノ酸残基 4 3 ~ 5 8 を含む軽鎖 C D R 1 配列、配列番号 8 のアミノ酸残基 7 4 ~ 8 0 を含む軽鎖 C D R 2 配列、配列番号 8 のアミノ酸残基 1 1 3 ~ 1 2 1 を含む軽鎖 C D R 3 配列、配列番号 1 0 のアミノ酸残基 4 9 ~ 5 4 を含む重鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 0 のアミノ酸残基 6 9 ~ 8 4 を含む重鎖 C D R 2 配列、及び配列番号 1 0 のアミノ酸残基 1 1 7 ~ 1 1 9 を含む重鎖 C D R 3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。

20

【 0 0 4 9 】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの更に好ましい実施形態は、配列番号 9 のアミノ酸残基 4 6 ~ 5 6 を含む軽鎖 C D R 1 配列、配列番号 9 のアミノ酸残基 7 2 ~ 7 8 を含む軽鎖 C D R 2 配列、配列番号 9 のアミノ酸残基 1 1 1 ~ 1 1 9 を含む軽鎖 C D R 3 配列、配列番号 1 0 のアミノ酸残基 4 9 ~ 5 4 を含む重鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 0 のアミノ酸残基 6 9 ~ 8 4 を含む重鎖 C D R 2 配列、及び配列番号 1 0 のアミノ酸残基 1 1 7 ~ 1 1 9 を含む重鎖 C D R 3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。

30

【 0 0 5 0 】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの別の好ましい実施形態は、配列番号 1 3 のアミノ酸残基 4 3 ~ 5 8 を含む軽鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 3 のアミノ酸残基 7 4 ~ 8 0 を含む軽鎖 C D R 2 配列、配列番号 1 3 のアミノ酸残基 1 1 3 ~ 1 2 1 を含む軽鎖 C D R 3 配列、配列番号 1 4 のアミノ酸残基 5 0 ~ 5 4 を含む重鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 4 のアミノ酸残基 6 9 ~ 8 5 を含む重鎖 C D R 2 配列、及び配列番号 1 4 のアミノ酸残基 1 1 8 ~ 1 2 9 を含む重鎖 C D R 3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。

【 0 0 5 1 】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの別の好ましい実施形態は、配列番号 1 7 のアミノ酸残基 4 6 ~ 5 5 を含む軽鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 7 のアミノ酸残基 7 1 ~ 7 7 を含む軽鎖 C D R 2 配列、配列番号 1 7 のアミノ酸残基 1 1 0 ~ 1 1 8 を含む軽鎖 C D R 3 配列、配列番号 1 8 のアミノ酸残基 5 0 ~ 5 4 を含む重鎖 C D R 1 配列、配列番号 1 8 のアミノ酸残基 6 9 ~ 8 5 を含む重鎖 C D R 2 配列、及び配列番号 1 8 のアミノ酸残基 1 1 8 ~ 1 2 8 を含む重鎖 C D R 3 配列を含む、抗体又は抗体の結合フラグメントである。

40

【 0 0 5 2 】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントの更なる詳細は、「抗体」と題する以下のセクションにおいて提供される。

【 0 0 5 3 】

本発明は、抗体又は抗体の結合フラグメントを含むアッセイキット、並びに抗体又は抗

50

体の結合フラグメントを含むアッセイデバイスを更に提供する。好ましくは、アッセイデバイスは、ラテラルフローアッセイデバイスである。アッセイキット及びアッセイデバイスの更なる詳細は、「アッセイキット及びアッセイデバイス」と題する以下のセクションにおいて提供される。

【0054】

本発明は、試料中のクエチアピンを検出する方法を更に提供する。方法は、(i) 試料を検出可能マーカで標識された本発明による抗体又は抗体の結合フラグメントに接触させることであって、試料中に存在する標識された抗体又は抗体の結合フラグメント、及びクエチアピンは、標識された複合体を形成する、ことと、(ii) 試料中のクエチアピンを検出するように、標識された複合体を検出することと、を含む。本発明によるクエチアピンを検出する方法の更なる詳細は、「イムノアッセイ」と題する以下のセクションにおいて提供される。

10

【0055】

試料中のクエチアピンを検出するための競合免疫測定方法が更に提供される。方法は、(i) 試料を、本発明による抗体又は抗体の結合フラグメントと接触させ、かつクエチアピン、又はクエチアピンの競合結合パートナーと接触させることであって、抗体又は抗体の結合フラグメント及びクエチアピン又はクエチアピンの競合結合パートナーのうちの1つが、検出可能マーカで標識され、試料のクエチアピンは、抗体又は抗体の結合フラグメントへの結合に対して、クエチアピン又はクエチアピンの競合結合パートナーと競合する、ことと、(ii) 試料のクエチアピンを検出するように、標識を検出することと、を含む。本発明に応じてクエチアピンを検出する競合免疫測定方法の更なる詳細は、「イムノアッセイ」と題する以下のセクションにおいて提供される。

20

【0056】

本発明の好ましい実施形態において、クエチアピンの検出は、クエチアピンに加えて、1種以上の検体の検出を伴う。好ましくは、1種以上の検体は、クエチアピン以外の抗精神病薬であり、より好ましくは、クエチアピン以外の抗精神病薬は、アリピプラゾール、リスペリドン、パリペリドン、オランザピン及びこれらの代謝産物からなる群から選択される。

【0057】

上述のように、本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントをアッセイにおいて使用して、患者試料における抗精神病薬の存在及び/又は量を検出することができる。このような検出により、治療薬物の利点の全てを可能にする治療薬物モニタリングを可能にする。抗精神病薬のレベルの検出は、それぞれが本発明の別の実施形態を表す以下を含む多くの目的に対して有用であり得る。処方された治療に対する患者の順守又は遵守の判定、患者を、経口型抗精神病レジメンから長時間作用性注入型抗精神病レジメンに変更するべきかどうかを判定するための決定ツールとしての使用、有効又は安全な薬物レベルを確実に達成又は維持するために、経口型又は注入型抗精神病薬の用量レベル又は投与間隔の増減を判定するための決定ツールとしての使用、最小pKレベルが得られるという証拠を提供することで、抗精神病薬による療法の開始に役立つものとしての使用、複数の処方又は複数の供給源からの抗精神病薬の生物学的同等性を判定するための使用、多剤併用及び薬剤間の潜在的な相互作用による影響を評価するための使用、並びに患者を臨床試験から除外すべきか又は参加させるべきかの指標としての使用、及び臨床試験投薬要件に対する順守の後続のモニタリングにおける補助としての使用。

30

40

【0058】

抗体

本発明は、クエチアピンに結合する単離抗体又は単離抗体の結合フラグメントを提供する。「抗体」という用語は、抗原又は抗原の一部に結合することができる(本発明に従って、抗精神病薬又はその代謝産物と結合することができる)特定のタンパク質を意味する。抗体は、例えば、注射により動物又はヒトなどの宿主へ導入されている場合がある免疫原に反応して生成される。「抗体」は、総称して、ポリクローナル抗体、モノクローナル

50

抗体、及び抗体フラグメントを含む。

【0059】

「抗体」又は「抗原結合抗体フラグメント」は、結合に対してインタクト抗体 (intact antibody) と競合するインタクト抗体又はこのフラグメントを意味する。一般的に言えば、抗体又は抗原結合抗体フラグメントは、解離定数が  $1 \mu\text{M}$  以下、好ましくは  $100 \text{ nM}$  以下、最も好ましくは  $10 \text{ nM}$  以下であるとき、抗原に特異的に結合すると言われている。結合は、当業者に既知の方法によって測定することができ、一例として、B I A c o r e (商標) 器具の使用が挙げられる。

【0060】

抗体は、2つの重鎖と2つの軽鎖とからなる。各重鎖は、1つの可変ドメイン又は領域 ( $V_H$ ) の後に定常ドメイン又は領域 ( $C_H1$ ) と、ヒンジ領域と、もう2つの定常ドメイン又は領域 ( $C_H2$  及び  $C_H3$ ) を有する。各軽鎖は、1つの可変ドメイン又は領域 ( $V_L$ ) 及び1つの定常ドメイン又は領域 ( $C_L$ ) を有する。重鎖及び軽鎖の可変ドメイン又は領域は、特定のエピトープ (鍵に類似の構造) に特異的な抗体 (同様に錠に類似の構造) のパラトープを形成し、パラトープ及びエピトープを精度よく一緒に結合することを可能にする。可変ドメイン内では、軽鎖及び重鎖にそれぞれ3つある可変ループの  $\beta$ -ストランドが抗原への結合を担っている。これらのループは、相補性決定領域 (CDR、即ち、CDR1、CDR2、及びCDR3) と称される。

10

【0061】

抗体フラグメントは、インタクト抗体の一部、好ましくはインタクト抗体の抗原結合領域又は可変領域を含む。結合フラグメントは、F a b、F a b'、F (a b')<sub>2</sub>、及びF vフラグメントと、ダイアボディと、ミニボディと、線状抗体 (linear antibody) と、単鎖抗体分子 (例えば、s c F V) と、抗体フラグメントから形成された多重特異性抗体と、を含む。「二重特異性」又は「二機能性 (bifunctional)」抗体以外の抗体は、その結合部位のそれぞれが同一であることが分かる。

20

【0062】

本明細書で使用される際、「エピトープ」は、免疫グロブリン又はT細胞受容体に特異的に結合することが可能な任意のタンパク質決定因子を含む。エピトープ決定因子は、通常、アミノ酸又は糖側鎖などの分子の化学的に活性な表面基からなり、通常、特定の三次元構造特性及び特定の電荷特性を有する。2つの抗体は、(上述のB I A c o r e (商標) 法などの) 当業者に周知の方法のうちの任意によって、競合結合アッセイにおいて、1つの抗体が第2の抗体と競合していることが示されている場合、「同一のエピトープに結合する」(「競合している」) と言われる。(クエチアピン又は他の抗精神病薬などの) ハプテンに関して、ハプテンを免疫原性キャリアにコンジュゲートさせることにより、非抗原性ハプテン分子に対して抗体を生成することができる。その後、ハプテンによって定義された「エピトープ」を認識する抗体が生成される。

30

【0063】

抗体のコンテキストで使用される場合、「単離された」は、任意の自然の状態から「人間の手により」変更されたことを意味し、即ち、自然に単離が生じる場合は、その元の環境から変化するか若しくは除去されるか、又はその両方が行われている。本明細書において、用語「単離された」が用いられる場合、例えば、自然状態において生存している動物に自然に存在する自然発生の抗体は「単離され」ていないが、自然状態の共存物質から分離された同一の抗体は、「単離され」ている。抗体は、イムノアッセイ試薬などの自然発しない組成物において生じることができ、本明細書において本用語が用いられる場合、用語の意味の範囲において、組成物において単離された抗体のままであり続けることができる。

40

【0064】

「交差反応性」とは、抗体を誘導するために使用されなかった抗原との抗体の反応を意味する。

【0065】

50

「コンジュゲート」という用語は、別の部分の共接合から形成された任意の物質を意味する。代表的なコンジュゲートとしては、キャリア又はポリアミンポリマーなどの小分子及び大分子の共接合により形成されたコンジュゲート、具体的には、タンパク質が挙げられる。コンジュゲートにおいて、小分子は、大分子における1つ以上の活性部位において接合され得る。

【0066】

「ハプテン」という用語は、部分的又は不完全な抗原を意味する。ハプテンは、抗体形成を刺激することができないが、抗体と反応する、タンパク質を含まない物質である。抗体は、高分子量免疫原性キャリアにハプテンを連結し、その後、この連結された生成物、即ち、免疫原をヒト又は動物の被験体に注入することによって形成される。

10

【0067】

「免疫原」という用語は、生体内で免疫反応を誘発、産生、又は生成することができる物質を意味する。

【0068】

本発明書において使用される際、「免疫原性キャリア」は、1つ以上の位置でハプテンと接合することができる免疫原性物質であり、これにより、これらのハプテンに結合し得る抗体の生成を可能にする。免疫原性キャリア物質の例としては、異物として認識され、これによって、宿主から免疫反応を誘発する、タンパク質、糖タンパク質、複合ポリアミノ多糖類、粒子、及び核酸が挙げられるが、これらに限定されない。ポリアミノ多糖類は、この調製に関して既知の従来の手段のうちの任意を使用して、多糖類から調製することができる。

20

【0069】

好ましくは、本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントは、薬物及び任意の所望の薬理的活性代謝産物に結合することとなる。薬物コンジュゲートにおける免疫原性キャリアの付着の場所を変更することにより、代謝産物及び/又は関連する薬物との選択性及び交差反応性を抗体に対して操作することができる。クエチアピンに関して、N-デスアルキルクエチアピン(ノルクエチアピン(norquetiapine))、クエチアピンスルホキシド(quetiapine sulfoxide)、O-デスアルキルクエチアピン、又は7-ヒドロキシクエチアピンなどのクエチアピン代謝産物との交差反応性が所望されてもよく、所望されなくてもよい。これらの薬物及び/又は代謝産物のうちの複数のもを検出する抗体が生成されてもよく、あるいはそれぞれ別々に検出する抗体が生成されてもよい(したがって、抗体「特異結合」特性を規定する)。1つ以上の化合物の結合が等モルあるいは実質的に等モルである場合に、抗体は、1つ以上の化合物と特異的に結合する。

30

【0070】

本発明の抗体又は抗体の結合フラグメントは、可変ドメインのヌクレオチド及びアミノ酸配列によって説明される。これらは、免疫原性キャリアにコンジュゲートされた抗精神病薬を含むコンジュゲートを宿主に接種することによって生成される。ここで、ヌクレオチド及びアミノ酸配列が提供されている場合、抗体は、米国特許第4,166,452号に記載されている組換え方法などの組換え方法により生成することができる。

【0071】

抗精神病薬の特異的結合部位を含有する抗体フラグメントもまた生成され得る。このようなフラグメントとして、抗体分子のペプシン消化により生成することができるF(ab')<sub>2</sub>フラグメント、及びF(ab')<sub>2</sub>フラグメントのジスルフィド架橋を減少させることにより発生し得るFabフラグメントが挙げられるが、これらに限定されない。あるいは、所望の特異性を有するモノクローナルFabフラグメント(Huse et al., Science 256:1270~1281(1989))を迅速かつ容易に同定することができるように、Fab発現ライブラリを構築してもよい。Fab、Fv、及びScFv抗体フラグメントは全て、大腸菌において発現し、大腸菌から分泌され得、これらのフラグメントの大量生産を可能にする。あるいは、Fab'-SHフラグメントは、大腸菌から直接回収され、化学的に連結されて、F(ab')<sub>2</sub>フラグメントを形成する

40

50

ことができる (Carter et al., BioTechnology 10:163~167 (1992))。抗体フラグメントの生成のための他の技術は、当業者に既知である。単鎖Fvフラグメント(scFv)もまた想定される(米国特許第5,761,894号及び同第5,587,458号参照)。Fv及びsFvフラグメントは、一定の領域を有さない完全な組み合わせ部位を有する唯一の種であり、これにより、非特異的な結合の低減が示される可能性が高い。抗体フラグメントはまた、例えば、米国特許第5,642,870号において説明されるように「線状抗体」であってもよい。このような線状抗体フラグメントは、単一特異性又は二重特異性であってもよい。

#### 【0072】

##### アッセイキット及びアッセイデバイス

上記のように、(試薬キットとも称される)アッセイキットは、抗体又は抗体の結合フラグメントを含んで提供され得る。代表的な試薬キットは、抗精神病薬、クエチアピン、標識している部分に連結された抗精神病薬又はその誘導体の類似体を含む錯体に結合する抗体又は抗体の結合フラグメントを含むことができ、既知の量の抗精神病薬又は関連規格を含む1つ以上のキャリブレーションもまた任意的に含むことができる。

#### 【0073】

「アッセイキット」というフレーズは、アッセイを実施する際に使用される材料及び試薬のアセンブリを意味する。試薬は、交差反応性及び安定性に応じて、液体形態又は凍結乾燥形態で、同一又は別々の容器においてパッケージされた組み合わせとして提供される。キット内に提供される試薬の量及び割合は、特定の用途に対して最適な結果を提供するように選択することができる。本発明の特徴を具現化するアッセイキットは、クエチアピンに結合する抗体又は抗体の結合フラグメントを含む。キットは、クエチアピンの競合結合パートナー並びに較正及びコントロール物質を更に含んでもよい。

#### 【0074】

「較正及びコントロール物質」というフレーズは、既知の量の検体を含む任意の標準物質又は参照物質を意味する。検体を含むことが疑われる試料と、対応する較正物質とが、同様の条件下で測定される。未知の検体について得られた結果と、標準物に対して得られた結果とを比較することにより、検体の濃度が算出される。これは、一般的に、較正曲線を構築することにより行われる。

#### 【0075】

本発明の特徴を具現化する抗体は、使用説明書と共に、キット、容器、バック、又はディスプレイに含めることができる。抗体がキットに供給される際、イムノアッセイの様々な成分は、別々の容器にパッケージされ、使用前に混合されてもよい。このように成分を別々にパッケージすることで、活性成分の機能を実質的に減少させることなく長期保存を可能にすることができる。更に、不活性な環境下、例えば、窒素ガス、アルゴンガス等の正圧下で試薬をパッケージすることができ、特に空気及び/又は水分に敏感な試薬に特に好適である。

#### 【0076】

本発明の特徴を具体化するキットに含まれた試薬は、成分自体が容器の材料によって実質的に吸収又は変更されない一方で、様々な成分の活性が実質的に失われないように、あらゆる種類の容器において供給され得る。好適な容器としては、アンプル、ボトル、試験管、バイアル瓶、フラスコ、注射器、箔張などの薬袋などが挙げられるが、これらに限定されない。容器は、ガラス、例えば、ポリカーボネート、ポリスチレン、ポリエチレン等の有機ポリマー、セラミック、例えば、アルミニウムなどの金属、例えば、鋼などの合金、コルクなどの任意の好適な材料でできているが、これらに限定されない。更に、容器は、例えば、隔壁によって提供され得るような、針を介してアクセスするための1つ以上の無菌アクセスポートを含んでもよい。隔壁の好ましい材料としては、DuPont (Wilmingt on, DE)より商標名TEFLONで販売される種類のゴム及びポリテトラフルオロエチレンが挙げられる。更に、容器は、成分の混合を可能にするために除去可能な、仕切り又は膜によって分離された2つ以上の区画を含むことができる。

10

20

30

40

50

## 【0077】

本発明の特徴を具現化する試薬キットはまた、使用説明書が提供されてもよい。使用説明書は、例えば、紙に印刷されてもよく、かつ/又は電子可読媒体において提供されてもよい。あるいは、例えば、キットの製造業者若しくは流通業者によって、かつ/又は電子メールを介して指定されたインターネットウェブサイトユーザを誘導することによって使用説明書を提供してもよい。

## 【0078】

抗体又は抗体の結合フラグメントはまた、アッセイデバイスの一部として提供されてもよい。このようなアッセイデバイスは、ラテラルフローアッセイデバイスを含む。共通のタイプの使い捨てラテラルフローアッセイデバイスは、液体試料を受けるための区画又は領域と、コンジュゲート区画と、反応区画と、を含む。これらのアッセイデバイスは一般に、側方流動試験ストリップとして既知である。これらは、毛細管流を支持し得る、流体流の経路を画定する多孔質材料、例えば、ニトロセルロースを利用する。例としては、米国特許第5,559,041号、同第5,714,389号、同第5,120,643号、及び同第6,228,660号に示されるものが挙げられ、これらは参照によりその全体が本明細書に組み込まれる。

10

## 【0079】

アッセイデバイスの別の種類は、毛細管流を引き起こす突出部を有する非多孔質アッセイデバイスである。このようなアッセイデバイスの例としては、全て本明細書において参照によりその全体が組み込まれている、国際公開第2003/103835号、同第2005/089082号、同第2005/118139号、及び同第2006/137785号に開示されたような開放型ラテラルフローアッセイデバイスが挙げられる。

20

## 【0080】

非多孔性アッセイデバイスにおいて、アッセイデバイスは、全般的には、少なくとも1つの試料添加区画と、少なくとも1つのコンジュゲート区画と、少なくとも1つの反応区画と、少なくとも1つの吸上区画と、を有する。これらの区画は、試料添加区画から吸上区画まで試料が流れる流路を形成する。また、反応区画において、検体に結合することが可能であり、任意選択的にデバイスに（例えば、コーティングにより）堆積された抗体などの捕捉要素と、検体の濃度判定を可能にすることとなる反応に関与することも可能で、コンジュゲート区画におけるデバイスに堆積された、標識されたコンジュゲート物質と、を含み、標識されたコンジュゲート物質は、反応区画において検出のための標識を搬送する。試料がコンジュゲート区画を通して流れる際に、コンジュゲート物質は溶解して、反応区画へと下流に流れる溶解した標識されたコンジュゲート物質及び試料のコンジュゲートブルームを形成する。コンジュゲートブルームが反応区画へと流れると、コンジュゲート物質が、例えば、コンジュゲート物質と検体の複合体を介して（「サンドイッチ」アッセイにおいて）捕捉要素により、又は直接的に（「競合」アッセイにおいて）捕捉される。拘束されない溶解したコンジュゲート物質は、反応区画を通過して少なくとも1つの吸上区画へと流される。このようなデバイスは、流路内に突起又はマイクロピラーを含むことができる。

30

## 【0081】

本明細書において参照によりその全体が組み込まれている米国特許出願公開第20060289787(A1)号及び同第20070231883(A1)号及び米国特許第7,416,700号及び同第6,139,800号において開示されたような器具は、反応区画における結合されたコンジュゲート物質を検出することが可能である。一般的な標識としては、蛍光染料を励起しかつ蛍光染料を検知することができる検出器を組み込む器具によって検出され得る、蛍光染料が挙げられる。

40

## 【0082】

## イムノアッセイ

このように生成された抗体又は抗体の結合フラグメントをイムノアッセイにおいて使用して、抗精神病薬を認識/これに結合することができ、これによって、患者試料における

50

薬物の存在及び/又は量を検出する。好ましくは、アッセイ形式は、競合免疫測定フォーマットである。このようなアッセイ形式及び他のアッセイは、中でも、Hampton et al. (Serological Methods, A Laboratory Manual, APS Press, St. Paul, MN 1990) 及び Maddox et al. (J. Exp. Med. 158: 12111, 1983) に記載されている。

【0083】

「検体」という用語は、その存在又は量を判定される物質又は物質群を意味する。代表的な抗精神病薬の検体としては、リスペリドン、パリペリドン、オランザピン、アリピプラゾール、及びクエチアピンが挙げられるが、これらに限定されない。

10

【0084】

「競合結合パートナー」という用語は、抗体に対する結合親和性に関して、検体に対して同様に挙動する、競合免疫測定において採用され得る物質又は物質群などの物質又は物質群を意味する。代表的な競合結合パートナーとしては、抗精神病薬誘導体等が挙げられるが、これらに限定されない。

【0085】

「検出」という用語は、検体と共に使用される場合、定量的、半定量的、又は定性的な方法、並びに一般に検体、特に抗精神病薬を判定するための全ての他の方法を意味する。例えば、本発明の範囲内には、試料中の抗精神病薬の有無を検出する方法があるのと同様に、試料中の抗精神病薬の量又は濃度に関するデータを提供する方法がある。本明細書において同義的に使用される「検出すること」、「判定すること」、「特定すること」などの用語は全て本発明の範囲内にある。

20

【0086】

本発明の好ましい実施形態は、競合免疫測定であり、抗精神病薬に結合する抗体若しくは抗体の結合フラグメント、又は薬物若しくは薬物の競合結合パートナーが、(ラテラルフローアッセイデバイスにおける反応区画などの) 固形支持体に結合され、標識された薬物若しくは薬物の競合結合パートナー、又は標識された抗体のそれぞれ、及び宿主由来の試料が、固形支持体を通り、固形支持体に結合して検出された標識の量が、試料における薬物の量に相関することができる。

【0087】

現在の好ましい実施形態の方法によれば、検体、例えば抗精神病薬を含有することが疑われる任意の試料を分析することができる。試料は、所望により前処理することができ、アッセイと干渉しない任意の都合のよい媒体において調製することができる。好ましくは、試料は、宿主からの体液などの水性媒体、最も好ましくは血漿又は血清を含む。

30

【0088】

抗体が固相に結合するアッセイ、及び抗体が液体媒体の中にあるアッセイを含む、抗体を用いるイムノアッセイの全ての様式が、現在の好ましい実施形態に係る使用に関して想到されることが理解されるべきである。本発明の特徴を具体化する抗体を使用して、検体を検出するために使用され得るイムノアッセイの方法としては、標識された検体(検体類似体)と試料中の検体とが抗体に対して競い合う競合的(試薬限定)アッセイ、及び抗体が標識された単一部位免疫測定アッセイなどが挙げられるが、これらに限定されない。

40

【0089】

全ての例は、別途詳細に説明される場合を除いて、当業者に周知かつ通例である標準的手法を使用して行われた。以下の実施例の通例の分子生物学的手法は、Sambrook et al., Molecular Cloning: A Laboratory Manual, 2nd Ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor, NY (1989) などの標準的な実習マニュアルに記載されたように実行され得る。

【0090】

参照によりその全体が本明細書に組み込まれている全ての関連出願としては以下が挙げ

50

られる。「Haptens of Aripiprazole」(米国特許仮出願第61/691,450号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140163206号(2013年8月20日出願))、「Haptens of Olanzapine」(米国特許仮出願第61/691,454号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140213766号(2013年8月20日出願))、「Haptens of Paliperidone」(米国特許仮出願第61/691,459号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140213767号(2013年8月20日出願))、「Haptens of Quetiapine」(米国特許仮出願第61/691,462号(2012年8月21日出願)、及び米国特許出願公開第20140221616号(2013年8月20日出願))、「Haptens of Risperidone and Paliperidone」(米国特許仮出願第61/691,469号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140155585号(2013年8月20日)、現在、米国特許第9012648号(2015年4月21日発行))、「Antibodies to Aripiprazole Haptens and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,544号(2012年8月21日出願)及び(米国特許出願公開第20140057299号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Olanzapine Haptens and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,572号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057303号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Paliperidone Haptens and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,634号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057297号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Quetiapine Haptens and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,598号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057305号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Risperidone Haptens and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,615号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057301号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Aripiprazole and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,522号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057300号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Olanzapine and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,645号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057304号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Paliperidone and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,692号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057298号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Risperidone and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,675号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057302号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Quetiapine and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/691,659号(2012年8月21日出願)及び米国特許出願公開第20140057306号(2013年8月20日出願))、「Antibodies to Risperidone and Use Thereof」(米国特許仮出願第61/790,880号(2013年3月15日出願))、及び、「Antibodies to Risperidone and Use Thereof」(米国特許仮出願第62/268,898号(2015年12月17日出願))。

**【実施例】****【0091】**

10

20

30

40

50

本発明は、以下の非限定的な実施例を考察することによって更に理解され得る。

【0092】

(実施例1)

クエチアピンに対する抗体

13.5サブクローン7C6-2、13.5サブクローン7G8-A1、13.2クローン158、及び2H8-9と指定された抗体が、標準的なハイブリドーマ方法で生成された。

【0093】

材料及び方法

ハイブリドーマ細胞は、クエチアピン免疫原による免疫付与により生成された。TRIzol (登録商標) 試薬は、Invitrogen/Ambion (Grand Island, NY; Cat. No.: 15596-026) から入手された。PrimeScript (商標) の1st Strand cDNA Synthesis Kitは、Takara Bio/Clontech Laboratories (Mountain View, CA; Cat. No. 6110A) から入手された。SuperScript (登録商標) III 1st Strand Synthesis Systemは、Invitrogen (Grand Island, NY; Cat. No. 18080-051) から入手された。DNA Marker IIIは、Tiangen Biotech (Beijing, China; Cat. No. MD103) から入手された。

10

【0094】

全RNA抽出: TRIzol (登録商標) 試薬の技術マニュアルに従い、ハイブリドーマ細胞から全RNAが単離された。アガロースゲル電気泳動により、全RNAを分析した。

20

【0095】

RT-PCR: PrimeScript (商標) 1st Strand cDNA Synthesis Kit又はSuperScript (商標) III 1st Strand Synthesis Systemの技術マニュアルに従い、アイソタイプ特異的アンチセンスプライマー又はユニバーサルプライマーを使用し、全RNAをcDNAに逆転写した。V<sub>H</sub>及びV<sub>L</sub>の抗体フラグメントは、GenScriptのRACEの標準的な操作手順に従って増幅された。

30

【0096】

抗体遺伝子のクローニング: 増幅された抗体フラグメントは、標準的な分子クローニング手順を使用して標準的なクローニングベクターへ別々にクローン化された。

【0097】

選別及び配列決定: コロニーPCRスクリーニングを行って、正しいサイズのインサートを有するクローンを同定した。正しいサイズのインサートを有する個々の5つ以上のコロニーを、抗体フラグメント毎に配列決定した。

【0098】

結果

全RNA抽出: 試料の単離された全RNAを、DNAのマーカMarker IIIと共に1.5%アガロース/Gel Red (商標) ゲル上で実行した。

40

【0099】

PCR産物 - 各試料のPCR産物の4マイクロリットルを、DNAマーカのMarker IIIと共に1.5%アガロース/Gel Red (商標) ゲル上で実行した。PCR産物は精製され、-20 で保存された。

【0100】

(実施例2)

クエチアピンに対する抗体

抗体13.5サブクローン7C6-2

13.5サブクローン7C6-2と指定されたハイブリドーマは、クエチアピンに特異

50

的なモノクローナル抗体 (mAb) を分泌する。抗体を、13.5サブクローン7C6-2と指定する。mAb 13.5サブクローン7C6-2の軽鎖可変領域 (V<sub>L</sub>) のヌクレオチド配列を、配列番号1と指定し、重鎖可変領域 (V<sub>H</sub>) のヌクレオチド配列を、配列番号2と指定する。mAb 13.5サブクローン7C6-2のV<sub>L</sub>内で、配列番号1のヌクレオチド127~174は第1の相補性決定領域 (CDR1) を表し、配列番号1のヌクレオチド220~240は第2の相補性決定領域 (CDR2) を表し、配列番号1のヌクレオチド337~363は第3の相補性決定領域 (CDR3) を表す。mAb 13.5サブクローン7C6-2のV<sub>H</sub>内で、配列番号2のヌクレオチド148~162はCDR1を表し、配列番号2のヌクレオチド205~252はCDR2を表し、配列番号2のヌクレオチド349~378はCDR3を表す。

10

## 【0101】

mAb 13.5サブクローン7C6-2の可変鎖領域の対応する予測されるアミノ酸配列もまた判定され、配列番号3 (軽鎖) 及び配列番号4 (重鎖) と指定された。mAb 13.5サブクローン7C6-2のV<sub>L</sub>内で、配列番号3のアミノ酸残基43~58はCDR1を表し、配列番号3のアミノ酸残基74~80はCDR2を表し、配列番号3のアミノ酸残基113~121はCDR3を表す。mAb 13.5サブクローン7C6-2のV<sub>H</sub>内で、配列番号4のアミノ酸残基50~54はCDR1を表し、配列番号4のアミノ酸残基69~84はCDR2を表し、配列番号4のアミノ酸残基117~126はCDR3を表す。

20

## 【0102】

抗体13.5サブクローン7G8-A1 (第1)

13.5サブクローン7G8-A1 (第1) と指定されたハイブリドーマは、クエチアピンに特異的なモノクローナル抗体を分泌する。抗体を、13.5サブクローン7G8-A1 (第1) と指定する。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第1) のV<sub>L</sub>のヌクレオチド配列を、配列番号5と指定し、そのV<sub>H</sub>を、配列番号7と指定する。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第1) のV<sub>L</sub>内で、配列番号5のヌクレオチド127~174はCDR1を表し、配列番号5のヌクレオチド220~240はCDR2を表し、配列番号5のヌクレオチド336~364はCDR3を表す。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第1) のV<sub>H</sub>内で、配列番号7のヌクレオチド145~162はCDR1を表し、配列番号7のヌクレオチド205~252はCDR2を表し、配列番号7のヌクレオチド349~357はCDR3を表す。

30

## 【0103】

mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第1) の可変鎖領域の対応する予測アミノ酸配列もまた判定され、配列番号8 (軽鎖) 及び配列番号10 (重鎖) と指定される。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第1) のV<sub>L</sub>内で、配列番号8のアミノ酸残基43~58はCDR1を表し、配列番号8のアミノ酸残基74~80はCDR2を表し、配列番号8のアミノ酸残基113~121はCDR3を表す。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第1) のV<sub>H</sub>内で、配列番号10のアミノ酸残基45~54はCDR1を表し、配列番号10のアミノ酸残基69~84はCDR2を表し、配列番号10のアミノ酸残基117~119はCDR3を表す。

40

## 【0104】

抗体13.5サブクローン7G8-A1 (第2)

13.5サブクローン7G8-A1 (第2) と指定されたハイブリドーマは、クエチアピンに特異的なモノクローナル抗体を分泌する。抗体を、13.5サブクローン7G8-A1 (第2) と指定する。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第2) のV<sub>L</sub>のヌクレオチド配列を、配列番号6と指定し、そのV<sub>H</sub>を、配列番号7と指定する。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第2) のV<sub>L</sub>内で、配列番号6のヌクレオチド136~168はCDR1を表し、配列番号6のヌクレオチド214~234はCDR2を表し、配列番号6のヌクレオチド331~357はCDR3を表す。mAb 13.5サブクローン7G8-A1 (第2) のV<sub>H</sub>内で、配列番号7のヌクレオチド145~162

50

はCDR1を表し、配列番号7のヌクレオチド205～252はCDR2を表し、配列番号7のヌクレオチド349～357はCDR3を表す。

【0105】

mAb 13.5サブクローン7G8-A1(第2)の可変鎖領域の対応する予測アミノ酸配列もまた判定され、配列番号9(軽鎖)及び配列番号10(重鎖)と指定される。

mAb 13.5サブクローン7G8-A1(第2)のV<sub>L</sub>内で、配列番号9のアミノ酸残基46～56はCDR1を表し、配列番号9のアミノ酸残基72～78はCDR2を表し、配列番号9のアミノ酸残基111～119はCDR3を表す。mAb 13.2サブクローン7G8-A1(第2)のV<sub>H</sub>内で、配列番号10のアミノ酸残基49～54はCDR1を表し、配列番号10のアミノ酸残基69～84はCDR2を表し、配列番号10のアミノ酸残基117～119はCDR3を表す。

10

【0106】

抗体13.2クローン158

13.2クローン158と指定されたハイブリドーマは、クエチアピンに特異的なモノクローナル抗体を分泌する。抗体を、13.2クローン158と指定する。mAb 13.2クローン158のV<sub>L</sub>のヌクレオチド配列を、配列番号11と指定し、そのV<sub>H</sub>を、配列番号12と指定する。mAb 13.2クローン158のV<sub>L</sub>内で、配列番号11のヌクレオチド127～174はCDR1を表し、配列番号11のヌクレオチド220～240はCDR2を表し、配列番号11のヌクレオチド337～363はCDR3を表す。

mAb 13.2クローン158のV<sub>H</sub>内で、配列番号12のヌクレオチド148～162はCDR1を表し、配列番号12のヌクレオチド205～255はCDR2を表し、配列番号12のヌクレオチド352～386はCDR3を表す。

20

【0107】

mAb 13.2クローン158の可変鎖領域の対応する予測アミノ酸配列もまた判定され、配列番号13(軽鎖)及び配列番号14(重鎖)と指定される。mAb 13.2クローン158のV<sub>L</sub>内で、配列番号13のアミノ酸残基43～58はCDR1を表し、配列番号13のアミノ酸残基74～80はCDR2を表し、配列番号13のアミノ酸残基113～121はCDR3を表す。mAb 13.2クローン158のV<sub>H</sub>内で、配列番号14のアミノ酸残基50～54はCDR1を表し、配列番号14のアミノ酸残基69～85はCDR2を表し、配列番号14のアミノ酸残基118～129はCDR3を表す。

30

【0108】

抗体2H8-9

2H8-9と指定されたハイブリドーマは、クエチアピンに特異的なモノクローナル抗体を分泌する。抗体を、2H8-9と指定する。mAb 2H8-9のV<sub>L</sub>のヌクレオチド配列を、配列番号15と指定し、そのV<sub>H</sub>を、配列番号16と指定する。mAb 2H8-9のV<sub>L</sub>内で、配列番号15のヌクレオチド136～165はCDR1を表し、配列番号15のヌクレオチド211～231はCDR2を表し、配列番号15のヌクレオチド328～354はCDR3を表す。mAb 2H8-9のV<sub>H</sub>内で、配列番号16のヌクレオチド148～162はCDR1を表し、配列番号16のヌクレオチド205～255はCDR2を表し、配列番号16のヌクレオチド352～384はCDR3を表す。

40

【0109】

mAb 2H8-9の可変鎖領域の対応する予想アミノ酸配列もまた判定され、配列番号17(軽鎖)及び配列番号18(重鎖)と指定される。mAb 2H8-9のV<sub>L</sub>内で、配列番号17のアミノ酸残基46～55はCDR1を表し、配列番号17のアミノ酸残基71～77はCDR2を表し、配列番号17のアミノ酸残基110～118はCDR3を表す。mAb 2H8-9のV<sub>H</sub>内で、配列番号18のアミノ酸残基50～54はCDR1を表し、配列番号18のアミノ酸残基69～85はCDR2を表し、配列番号18のアミノ酸残基118～128はCDR3を表す。

【0110】

(実施例3)

50

クエチアピンに対する競合免疫測定、並びにアリピプラゾール、オランザピン、クエチアピン、及びリスペリドン/パリペリドンに対する複合競合免疫測定

クエチアピン免疫原による一連の免疫化の後に、(かかる免疫原は、米国特許出願公開第2014/0221616号及び米国特許出願公開第2014/0057305号(例えば、化合物9)において見出されている)、ELISAを使用して、マウスの尾出血が反応性について試験された。ハイブリドーマの上清もまた試験された。下記の表1及び表2に示すELISAデータは、いくつかのハイブリドーマの反応性を示している(融合パートナーはNSO細胞であった)。

【0111】

【表1】

表1

| 希釈    | ブランク | 6B11 | 6C1 | 7C6 | 7E12 | 7F11 | 7G8 | 158 | Cmpd#9 |
|-------|------|------|-----|-----|------|------|-----|-----|--------|
| 400   |      |      |     |     |      |      |     |     |        |
| 400   |      |      |     |     |      |      |     |     |        |
| 1200  |      |      |     |     |      |      |     |     |        |
| 1200  |      |      |     |     |      |      |     |     |        |
| 3600  |      |      |     |     |      |      |     |     |        |
| 3600  |      |      |     |     |      |      |     |     |        |
| 10800 |      |      |     |     |      |      |     |     |        |
| 10800 |      |      |     |     |      |      |     |     |        |

|       |        |        |        |        |        |        |        |        |
|-------|--------|--------|--------|--------|--------|--------|--------|--------|
| 400   | 0.0042 | 2.8658 | 2.3324 | 3.5570 | 2.1778 | 3.4324 | 3.4927 | 3.9334 |
| 400   | 0.0046 | 2.6940 | 2.4006 | 3.4019 | 2.0640 | 3.2091 | 3.7577 | 3.8828 |
| 1200  | 0.0041 | 1.3364 | 1.0672 | 2.2842 | 0.8067 | 2.1062 | 2.2951 | 2.7713 |
| 1200  | 0.0027 | 1.3444 | 0.8933 | 2.0116 | 0.8801 | 2.0692 | 2.1656 | 2.8238 |
| 3600  | 0.0098 | 0.4795 | 0.3366 | 0.9598 | 0.2729 | 0.9278 | 1.0856 | 1.8965 |
| 3600  | 0.0053 | 0.5089 | 0.3600 | 0.8461 | 0.3073 | 0.9828 | 1.0875 | 1.2518 |
| 10800 | 0.0061 | 0.2003 | 0.1371 | 0.3777 | 0.1194 | 0.3415 | 0.4859 | 1.4510 |
| 10800 | 0.0044 | 0.1921 | 0.1537 | 0.4002 | 0.1145 | 0.4142 | 0.5238 | 1.3111 |

【0112】

【表2】

表2

| 希釈    | 1C2    | 2C1    | 2F11   | 3B8    |
|-------|--------|--------|--------|--------|
| 400   | 2.3732 | 2.3464 | 2.4862 | 1.4609 |
| 1200  | 1.1263 | 1.0950 | 1.5078 | 0.5724 |
| 3600  | 0.4115 | 0.4360 | 0.1077 | 0.1883 |
| 10800 | 0.1796 | 0.1934 | 0.2903 | 0.0759 |
| 400   | 1.3327 | 3.1701 | 2.8448 | 0.0054 |
| 1200  | 0.5239 | 2.0077 | 1.4237 | 0.0043 |
| 3600  | 0.2017 | 0.7734 | 0.4729 | 0.0094 |
| 10800 | 0.0786 | 0.3688 | 0.1966 | 0.0074 |
| 希釈    | 3D11   | 4A2    | 5F1    |        |

【0113】

ELISA反応性によってクローンを識別した後、同様の化合物との親和性及び交差反応性を近似させるために、競合ELISAを実行した。図1Aから図1Eは、クエチアピンハイブリドーマのサブクローンによるELISA交差反応性の結果を示している。

【0114】

シグナルがクエチアピン特有のシグナルであるかどうかを判定するために、競合ELISAによって上清を試験した。図2A及び図2Bは、代表的なハイブリドーマによる結果を示している。データは、クエチアピンに対する特定の反応性を示す。

【0115】

図3は、クエチアピンクローンである捕捉抗体が、蛍光色素分子にコンジュゲートされ

10

20

30

40

50

たクエチアピンからなる検出コンジュゲートと共にチップ上に堆積された、ラテラルフローアッセイデバイスにおいて使用される競合免疫測定フォーマットを示す。図3に示すような競合フォーマットにおいて、低レベルの検体（クエチアピン）が、高シグナルをもたらす一方、高レベルの検体（クエチアピン）は、低シグナルをもたらす。試料におけるクエチアピンの量は、薬物が存在しないコントロール試料と比較された蛍光体の減少により算出できる。図4において、クエチアピンサブクローンによって生成された典型的な用量反応曲線が示されている。

**【0116】**

図5は、本発明の一実施形態に係るラテラルフローアッセイデバイスのチップの設計を示す。デバイスは、試料を受け取る区画又はエリアと、（所望の標識された競合結合パートナー（複数可）を含有する）コンジュゲート区画と、反応区画（反応区画内の8つのエリアが示され、各エリアは、別の所望の抗体を含有することができる）と、を含む。試料は、コンジュゲート区画を通して、試料区画から反応区画へと流れる。

10

**【0117】**

図6～図9は、以下に対する典型的な用量反応曲線を示す。反応区画2に堆積する抗体5C7及びコンジュゲート区画における標識されたアリピラゾール競合結合パートナーにより生成されたアリピラゾールのポジティブコントロール（アリピラゾールを含有する試料）（図6）、反応区画4に堆積する抗体4G9-1及びコンジュゲート区画における標識されたオランザピン競合結合パートナーにより生成されたオランザピンのポジティブコントロール（オランザピンを含有する試料）（図7）、反応区画6に堆積する抗体11及びコンジュゲート区画における標識されたクエチアピン競合結合パートナーにより生成されたクエチアピンのポジティブコントロール（クエチアピンを含有する試料）（図8）、反応区画8に堆積する抗体5～9及びコンジュゲート区画における標識されたリスペリドン競合結合パートナーにより生成されたリスペリドンのポジティブコントロール（リスペリドン含有する試料）（図9）。コンジュゲート区画における標識された競合結合パートナーは、抗体への結合に対して、試料に存在する薬物と競合する。標識の量が検出され、標識の量は、試料に存在する薬物の量を示す（シグナルの量は、試料における薬物の量と反比例する - 図3参照）。

20

**【0118】**

標識された競合結合パートナーのコンジュゲートが、反応区画において堆積された抗体と結合しないことを確認するために、薬物を含有しない試料を使用してネガティブコントロールを実施した。表3を参照すると、アリピラゾールを含有しない試料は、試料区画において堆積され、コンジュゲート区画（今回、標識されたオランザピンと、標識されたクエチアピンと、標識されたリスペリドンと、を含むが、標識されたアリピラゾールは含まない）を通して毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画2においてアリピラゾール抗体（5C7）を再び含有する。下記表3において、用量反応がないことを確認し、反応区画を通して毛細管作用によって移動するオランザピン、クエチアピン、及びリスペリドンコンジュゲートは、アリピラゾール抗体と結合しない結果を示している。

30

**【0119】**

40

## 【表 3】

表 3

| アリピプラゾールクローン5C7-数値モデル1<br>(Ong/mL Conc.) |                  |          |      |             |             |                |
|--|------------------|----------|------|-------------|-------------|----------------|
| アッセイ-MM                                  | Conj             | 反応<br>区画 | 読取位置 | 平均ピーク<br>面積 | 平均ピーク<br>高さ | 平均<br>バックグラウンド |
| ARIP-MM1                                 | OLAN, QUET, RISP | ARIP     | 2    | 0.77        | 1.56        | 3.99           |
| ARIP-MM1                                 | OLAN, QUET, RISP |          | 4    | -0.02       | 0.06        | 4.14           |
| ARIP-MM1                                 | OLAN, QUET, RISP |          | 6    | 0.09        | 0.10        | 4.29           |
| ARIP-MM1                                 | OLAN, QUET, RISP |          | 8    | 0.13        | 0.12        | 4.61           |
| 他のコンジュゲートは、アリピプラゾールとは結合しない               |                  |          |      |             |             |                |

10

## 【0120】

表 4 を参照すると、オランザピンを含有しない試料が試料区画に堆積され、コンジュゲート区画（今回、標識されたアリピプラゾールと、標識されたクエチアピンと、標識されたリスペリドンと、を含有するが、標識されたオランザピンは含有しない）を通して毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画 4 においてオランザピン抗体（4G9-1）を含有する。下記表 4 において、用量反応がないことを確認し、反応区画を通して毛細管作用によって移動するアリピプラゾール、クエチアピン、及びリスペリドンコンジュゲートが、オランザピン抗体と結合しない結果を示している。

## 【0121】

20

## 【表 4】

表 4

| OLAN-クローン4G9-1-数値モデル1(Ong/mL Conc.) |                  |          |      |             |             |                |
|-------------------------------------|------------------|----------|------|-------------|-------------|----------------|
| アッセイ-MM                             | Conj             | 反応<br>区画 | 読取位置 | 平均ピーク<br>面積 | 平均ピーク<br>高さ | 平均<br>バックグラウンド |
| OLAN-MM1                            | ARIP, QUET, RISP |          | 2    | -0.03       | 0.05        | 4.38           |
| OLAN-MM1                            | ARIP, QUET, RISP | OLAN     | 4    | 0.74        | 1.10        | 4.56           |
| OLAN-MM1                            | ARIP, QUET, RISP |          | 6    | 0.06        | 0.09        | 4.79           |
| OLAN-MM1                            | ARIP, QUET, RISP |          | 8    | 0.11        | 0.13        | 5.17           |
| 他のコンジュゲートは、オランザピンとは結合しない            |                  |          |      |             |             |                |

30

## 【0122】

表 5 を参照すると、クエチアピンを含まない試料が試料区画に堆積され、コンジュゲート区画（今回、標識されたアリピプラゾールと、標識されたオランザピンと、標識されたリスペリドンと、を含むが、標識されたクエチアピンは含まない）を通して毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画 6 においてクエチアピン抗体（11）を再び含有する。下記表 5 において、用量反応がないことが確認し、反応区画を通して毛細管作用により移動するアリピプラゾール、オランザピン、及びリスペリドンコンジュゲートは、クエチアピン抗体に結合しない結果を示している。

## 【0123】

## 【表 5】

40

表 5

| クエチアピンクローン11-数値モデル1(Ong/mL Conc.) |                  |          |      |             |             |                |
|-----------------------------------|------------------|----------|------|-------------|-------------|----------------|
| アッセイ-MM                           | Conj             | 反応<br>区画 | 読取位置 | 平均ピーク<br>面積 | 平均ピーク<br>高さ | 平均<br>バックグラウンド |
| QUET-MM1                          | ARIP, OLAN, RISP |          | 2    | -0.01       | 0.07        | 3.85           |
| QUET-MM1                          | ARIP, OLAN, RISP |          | 4    | 0.01        | 0.12        | 4.01           |
| QUET-MM1                          | ARIP, OLAN, RISP | QUET     | 6    | 0.03        | 0.08        | 4.24           |
| QUET-MM1                          | ARIP, OLAN, RISP |          | 8    | 0.04        | 0.07        | 4.56           |
| 他のコンジュゲートは、クエチアピンとは結合しない          |                  |          |      |             |             |                |

## 【0124】

50

表 6 を参照すると、リスペリドンを含まない試料が試料区画に堆積され、コンジュゲート区画（今回、標識されたアリピプラゾールと、標識されたオランザピンと、標識されたクエチアピンと、を含むが、標識されたリスペリドンは含まない）を通過して毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画 8 においてリスペリドン抗体（5～9）を再び含む。下記表 6 において、用量反応がないことを確認し、反応区画を通過して毛細管作用によって移動するアリピプラゾール、オランザピン、及びクエチアピンコンジュゲートがリスペリドン抗体と結合しない結果を示している。

【 0 1 2 5 】

【表 6】

表 6

| リスペリドンクローン5-9-数理モデル1<br>(Ong/mL Conc.) |                  |      |      |         |         |            |
|--|------------------|------|------|---------|---------|------------|
| アッセイ-MM                                | Conj             | 反応区画 | 読取位置 | 平均ピーク面積 | 平均ピーク高さ | 平均バックグラウンド |
| RISP-MM1                               | ARIP, OLAN, QUET |      | 2    | 0.02    | 0.11    | 7.43       |
| RISP-MM1                               | ARIP, OLAN, QUET |      | 4    | 0.05    | 0.14    | 7.73       |
| RISP-MM1                               | ARIP, OLAN, QUET |      | 6    | 0.20    | 0.19    | 8.11       |
| RISP-MM1                               | ARIP, OLAN, QUET | RISP | 8    | 1.97    | 3.23    | 8.85       |
| 他のコンジュゲートは、リスペリドンとは結合しない               |                  |      |      |         |         |            |

【 0 1 2 6 】

標識された競合結合パートナーのコンジュゲートが、反応区画において堆積されたそれぞれの抗体だけに結合することを確認するために、薬物を含めない試料を再度使用して、追加のネガティブコントロールが実施された。表 7 を参照すると、アリピプラゾールを含まない試料が試料区画に堆積され、コンジュゲート区画（今回、標識されたアリピプラゾールを含む）を通過して、毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画 2 においてアリピプラゾール抗体（5C7）を再び含有し、同様に反応区画 4 においてオランザピン抗体（4G9-1）、反応区画 6 においてクエチアピン抗体（11）、反応区画 8 においてリスペリドン抗体（5～9）を含有する。下記表 7 において、（反応区画 2 における）アリピプラゾール抗体 5C7 以外には用量反応がみられないことを確認する結果を示している。

【 0 1 2 7 】

【表 7】

表 7

| アリピプラゾールクローン5C7-数理モデル1<br>(Ong/mL Conc.) |                        |      |      |         |         |            |
|--|------------------------|------|------|---------|---------|------------|
| アッセイ-MM                                  | Conj                   | 反応区画 | 読取位置 | 平均ピーク面積 | 平均ピーク高さ | 平均バックグラウンド |
| ARIP-MM1                                 | ARIP, OLAN, QUET, RISP | ARIP | 2    | 60.34   | 97.53   | 5.44       |
| ARIP-MM1                                 | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 4    | 2.86    | 3.91    | 11.66      |
| ARIP-MM1                                 | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 6    | 1.12    | 1.23    | 11.03      |
| ARIP-MM1                                 | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 8    | 3.14    | 4.19    | 12.94      |
| アリピプラゾール反応区画のみが結合する                      |                        |      |      |         |         |            |

【 0 1 2 8 】

表 8 を参照すると、オランザピンを含めない試料が試料区画に堆積され、コンジュゲート区画（今回、標識されたオランザピンを含む）を通過して、毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画 2 においてアリピプラゾール抗体（5C7）を再び含有し、同様に反応区画 4 においてオランザピン抗体（4G9-1）、反応区画 6 においてクエチアピン抗体（11）、反応区画 8 においてリスペリドン抗体（5～9）を含有する。下記表 8 において、（反応区画 4 における）オランザピン抗体 4G9-1 以外には用量反応がみられないことを確認する結果を示している。

【 0 1 2 9 】

10

20

30

40

【表 8】

表 8

| OLAN-クローン4G9-1-数理モデル1(0ng/mL Conc.) |                        |      |      |         |         |            |
|-------------------------------------|------------------------|------|------|---------|---------|------------|
| アッセイ-MM                             | Conj                   | 反応区画 | 読取位置 | 平均ピーク面積 | 平均ピーク高さ | 平均バックグラウンド |
| OLAN-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 2    | 0.02    | 0.08    | 4.86       |
| OLAN-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP | OLAN | 4    | 34.23   | 51.80   | 5.39       |
| OLAN-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 6    | 0.22    | 0.32    | 5.39       |
| OLAN-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 8    | 0.15    | 0.17    | 5.59       |
| オランザピン反応区画のみが結合する                   |                        |      |      |         |         |            |

10

## 【0130】

表 9 を参照すると、クエチアピンを含有しない試料が試料区画に堆積され、(今回、標識されたクエチアピンを含有する)コンジュゲート区画を通過して、毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画 2 においてアリピプラゾール抗体(5C7)を再び含有し、同様に反応区画 4 においてオランザピン抗体(4G9-1)、反応区画 6 においてクエチアピン抗体(11)、反応区画 8 においてリスペリドン抗体(5~9)を含有する。下記の表 9 は、(反応区画 6 における)クエチアピン抗体 11 以外には用量反応がみられないことを確認する結果を示している。

## 【0131】

【表 9】

表 9

| クエチアピン-クローン11-数理モデル1(0ng/mL Conc.) |                        |      |      |         |         |            |
|------------------------------------|------------------------|------|------|---------|---------|------------|
| アッセイ-MM                            | Conj                   | 反応区画 | 読取位置 | 平均ピーク面積 | 平均ピーク高さ | 平均バックグラウンド |
| QUET-MM1                           | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 2    | 0.13    | 0.41    | 10.02      |
| QUET-MM1                           | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 4    | 0.08    | 0.23    | 10.47      |
| QUET-MM1                           | ARIP, OLAN, QUET, RISP | QUET | 6    | 140.35  | 181.33  | 7.91       |
| QUET-MM1                           | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 8    | 1.58    | 2.61    | 11.53      |
| クエチアピン反応区画のみが結合する                  |                        |      |      |         |         |            |

30

## 【0132】

表 10 を参照すると、リスペリドン含有しない試料が試料区画に堆積され、(今回、標識されたリスペリドン含有する)コンジュゲート区画を通過して、毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画 2 においてアリピプラゾール抗体(5C7)を再び含有し、同様に反応区画 4 においてオランザピン抗体(4G9-1)、反応区画 6 においてクエチアピン抗体(11)、反応区画 8 においてリスペリドン抗体(5~9)を含有する。下記の表 10 は、(反応区画 8 における)リスペリドン抗体 5~9 以外には用量反応がみられないことを確認する結果を示している。

## 【0133】

【表 10】

表 10

| リスペリドン-クローン5-9-数理モデル1(0ng/mL Conc.) |                        |      |      |         |         |            |
|-------------------------------------|------------------------|------|------|---------|---------|------------|
| アッセイ-MM                             | Conj                   | 反応区画 | 読取位置 | 平均ピーク面積 | 平均ピーク高さ | 平均バックグラウンド |
| RISP-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 2    | 1.03    | 1.51    | 9.07       |
| RISP-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 4    | 0.65    | 0.91    | 9.60       |
| RISP-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP |      | 6    | 2.61    | 6.39    | 10.48      |
| RISP-MM1                            | ARIP, OLAN, QUET, RISP | RISP | 8    | 55.98   | 100.91  | 11.58      |
| リスペリドン反応区画のみが結合する                   |                        |      |      |         |         |            |

50

## 【0134】

上記の結果は、標識された競合結合パートナーのコンジュゲートは、反応区画におけるそれぞれの抗体にのみ結合することを確証する。

【0135】

図10～図13は、特定の抗体反応区画における典型的な用量反応曲線を示し、他のコンジュゲートの存在下で、特定のアッセイ毎の低/高濃度の用量反応を証明する。図10において、アリピラゾールを含有する試料が試料区画に堆積され、(今回、標識されたアリピラゾールと、標識されたオランザピンと、標識されたクエチアピンと、標識されたリスペリドンと、を含有する)コンジュゲート区画を通して、毛細管作用により反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画2においてアリピラゾール抗体(5C7)を再び含有する。図10に示すように、典型的な用量反応曲線がアリピラゾールに関してのみ生成され、オランザピン、クエチアピン又はリスペリドンに関しては生成されなかった。

10

【0136】

図11において、オランザピンを含有する試料は、試料区画に堆積され、(今回、標識されたアリピラゾールと、標識されたオランザピンと、標識されたクエチアピンと、標識されたリスペリドンと、を含有する)コンジュゲート区画を通して、毛細管作用により、反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画4においてオランザピン抗体(4G9-1)を再び含有する。図11に示すように、典型的な用量反応曲線がオランザピンに関してのみ生成され、アリピラゾール、クエチアピン、又はリスペリドンに関しては生成されなかった。

20

【0137】

図12において、クエチアピンを含有する試料が試料区画に堆積され、(今回、標識されたアリピラゾールと、標識されたオランザピンと、標識されたクエチアピンと、標識されたリスペリドンと、を含有する)コンジュゲート区画を通して、毛細管作用により、反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画6においてクエチアピン抗体(11)を再び含有する。図12に示すように、典型的な用量反応曲線がクエチアピンに関してのみを生成され、アリピラゾール、オランザピン、又はリスペリドンに関しては生成されなかった。

30

【0138】

図13において、リスペリドン含有する試料が試料区画に堆積され、(今回、標識されたアリピラゾールと、標識されたオランザピンと、標識されたクエチアピンと、標識されたリスペリドンと、を含有する)コンジュゲート区画を通して、毛細管作用により、反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画8においてリスペリドン抗体(5~9)を再び含有する。図13に示すように、典型的な用量反応曲線がリスペリドンに関してのみ生成され、アリピラゾール、オランザピン、又はクエチアピンに関しては生成されなかった。

40

【0139】

図14～図17は、他のコンジュゲートと抗体の存在下におけるアッセイ毎の典型的な用量反応曲線を示す。図14において、アリピラゾールを含有する試料が試料区画に堆積され、(標識されたアリピラゾールと、標識されたオランザピンと、標識されたクエチアピンと、標識されたリスペリドンと、を再び含有する)コンジュゲート区画を通して、毛細管作用により、反応区画へ移動する。反応区画は、反応区画2においてアリピラゾール抗体(5C7)を再び含有し、同様に反応区画4においてオランザピン抗体(4G9-1)、反応区画6においてクエチアピン抗体(11)、反応区画8においてリスペリドン抗体(5~9)を含有する。図14に示すように、アリピラゾールに関して典型的な用量反応曲線が生成された。図15に示すように、このチップの試料区画に、オランザピンを含有する試料が堆積した場合、オランザピンに関して典型的な用量反応曲線が生成された。このチップの試料区画に、クエチアピンを含有する試料が堆積した場合、図16に示すようなクエチアピンに関して典型的な用量反応曲線が生成された。このチップの試料区画に、リスペリドン含有する試料が堆積した場合、図17に示すようなリスペリドンに関して典型的な用量反応曲線が生成された。

50

【0140】

図18～図21は、ポジティブコントロールとして生成された用量反応曲線（図6～図9）と、複合形式で生成された用量反応曲線（図14～図17）との比較を示す。図18において、アリピプラゾールに対する比較、図19において、オランザピンに対する比較、図20において、クエチアピンに対する比較、図21において、リスペリドンに対する比較を示す。これらの図は、ポジティブコントロールの曲線が複合形態の曲線に類似していることを示している。

【0141】

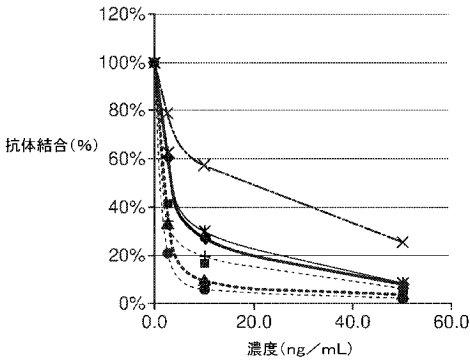
これらのデータは、本発明のラテラルフローアッセイデバイスを使用して、1つの携帯型ポイント・オブ・ケアデバイス上の患者から単一の試料を使用して複数の抗精神病薬を検出することができることを示している。

10

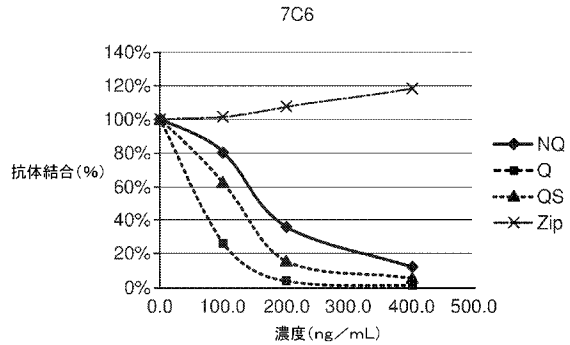
【0142】

本発明及び本発明の様々な実施形態を説明する際に、明瞭化のために特定の用語が用いられる。しかしながら、本発明は、選択された特定の用語に限定されるように意図されていない。関連分野の当業者であれば、他の同等の構成要素を使用することができ、また、本発明の広い概念から逸脱することなく他の方法を開発することができることを認識するであろう。本明細書のいずれかにおいて引用される全ての参考文献は、それぞれが個別に組み込まれているかのように参照により組み込まれる。

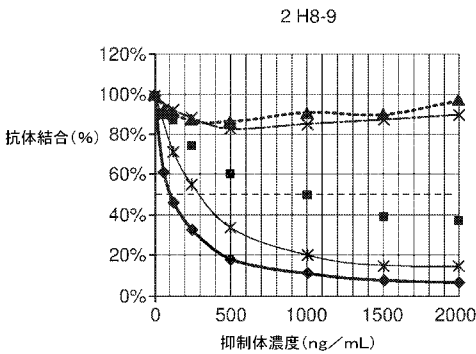
【図1A】



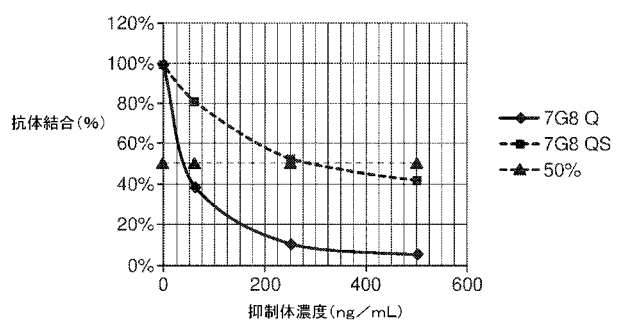
【図1C】



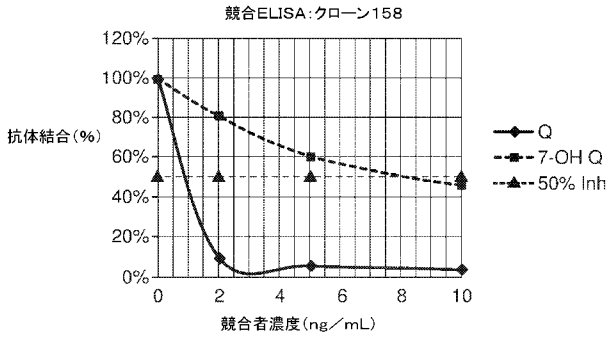
【図1B】



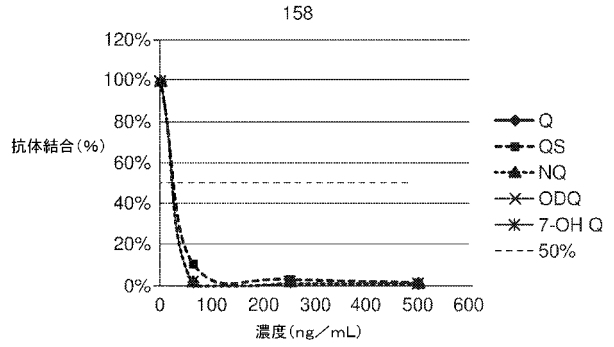
【図1D】



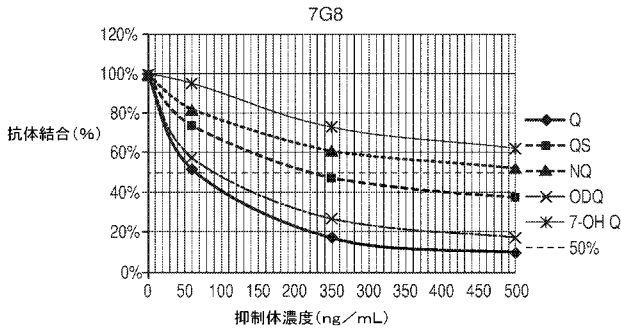
【 図 1 E 】



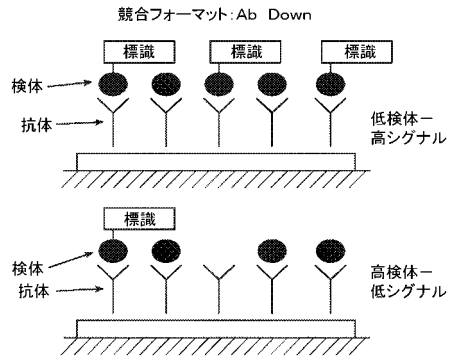
【 図 2 B 】



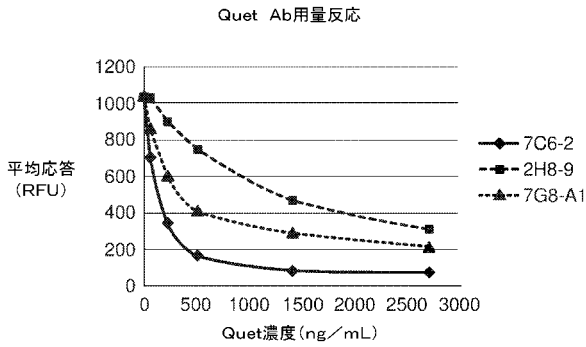
【 図 2 A 】



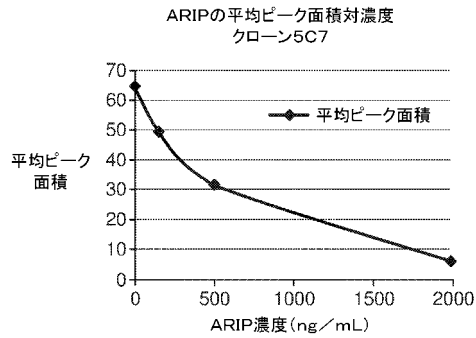
【 図 3 】



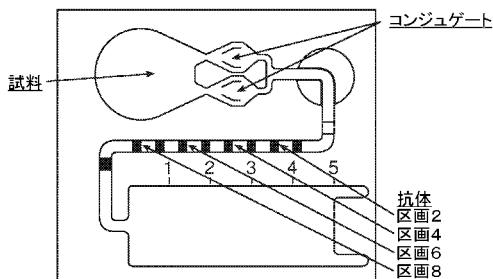
【 図 4 】



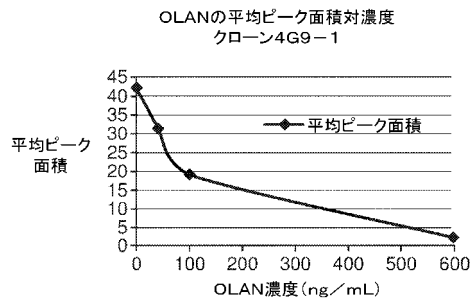
【 図 6 】



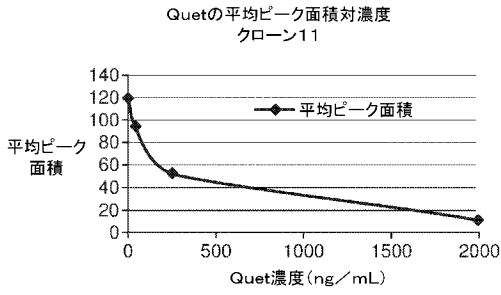
【 図 5 】



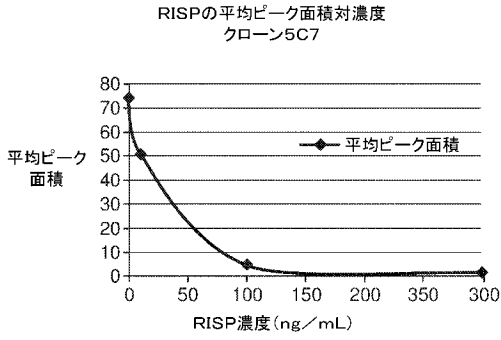
【 図 7 】



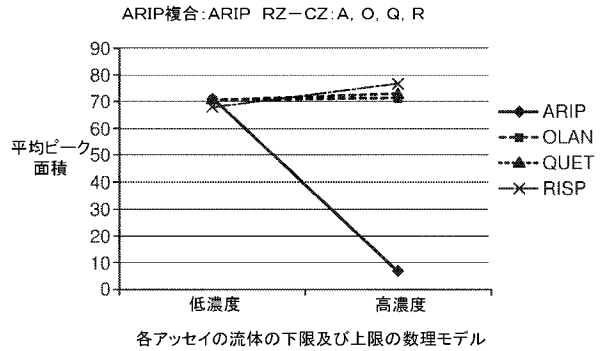
【 図 8 】



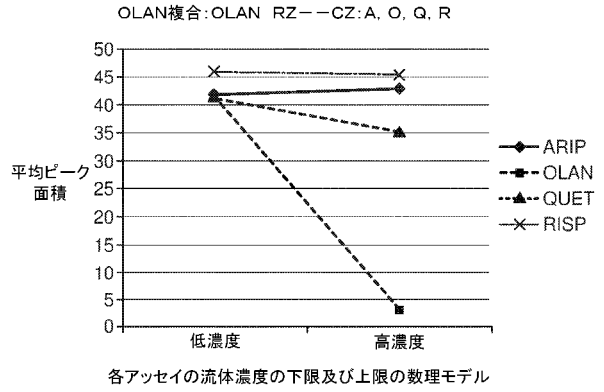
【 図 9 】



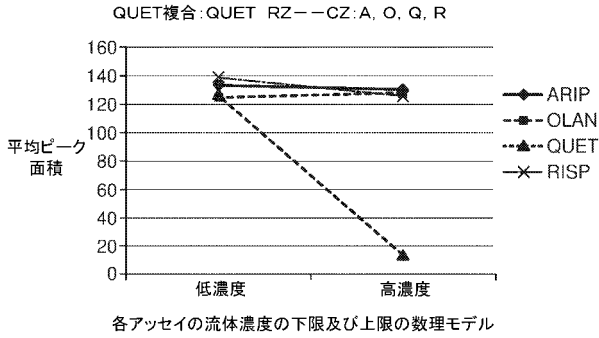
【 図 1 0 】



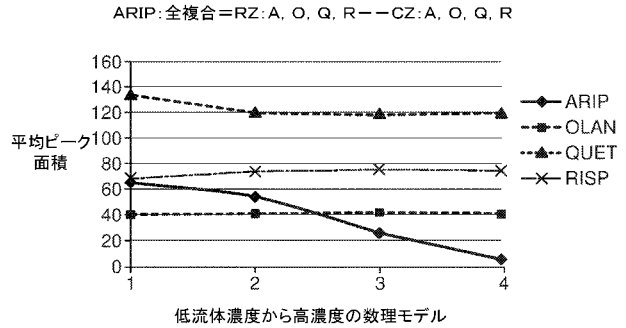
【 図 1 1 】



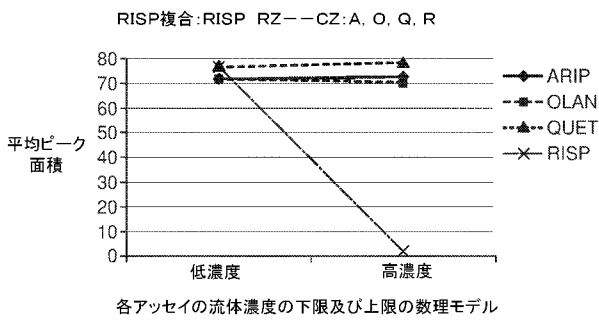
【 図 1 2 】



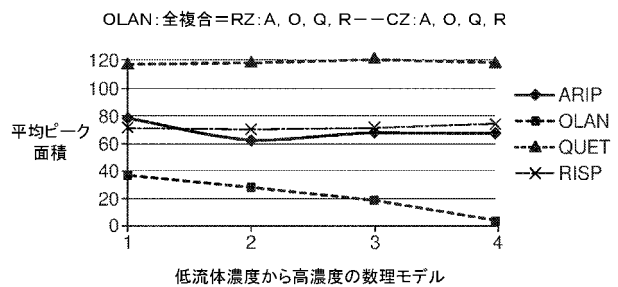
【 図 1 4 】



【 図 1 3 】

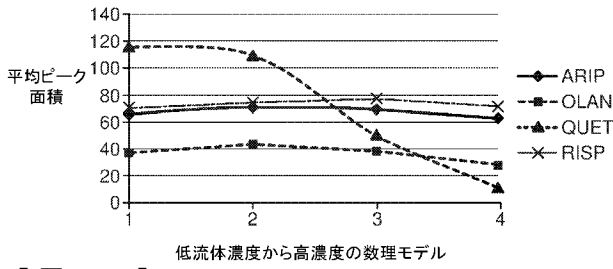


【 図 1 5 】



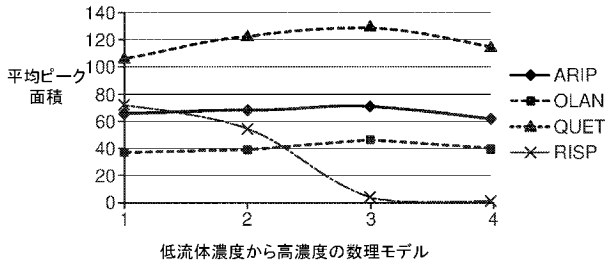
【 図 1 6 】

QUET:全複合=RZ:A, O, Q, R--CZ:A, O, Q, R



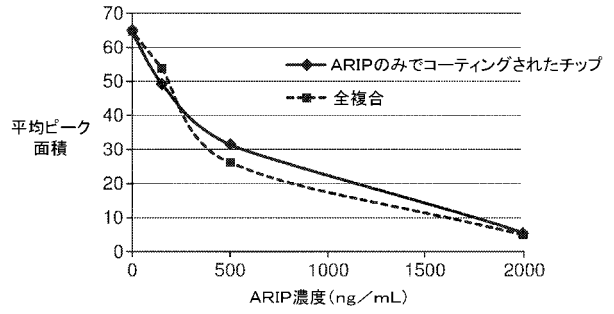
【 図 1 7 】

RISP:全複合=RZ:A, O, Q, R--CZ:A, O, Q, R



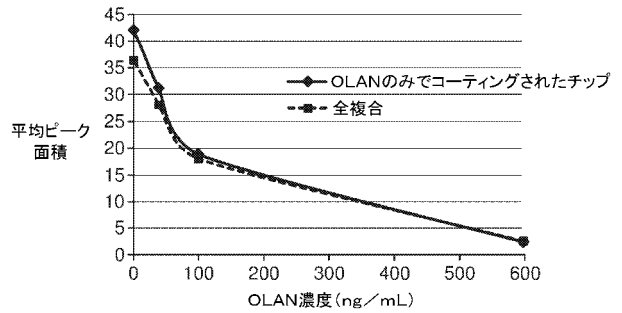
【 図 1 8 】

ARIPのみのチップ対全複合クローン5C7



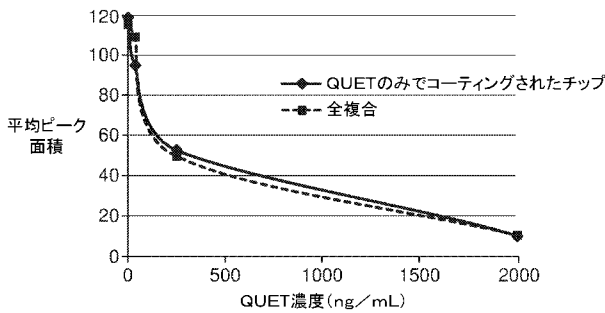
【 図 1 9 】

OLANのみのチップ対全複合4G9-1



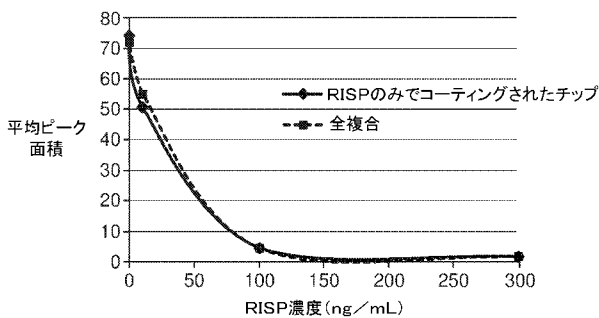
【 図 2 0 】

QUETのみのチップ対全複合クローン11



【 図 2 1 】

RISPのみのチップ対全複合クローン5-9



【配列表】

2019504014000001.app

## 【 国際調査報告 】

| INTERNATIONAL SEARCH REPORT  |  | International application No<br>PCT/US2016/066940   |
|--|--|---|
| <b>A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER</b><br>INV. C07K16/44 G01N33/94<br>ADD.   |  |   |
| According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC  |  |   |
| <b>B. FIELDS SEARCHED</b><br>Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)<br>C07K G01N  |  |   |
| Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched  |  |   |
| Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)<br>EPO-Internal, BIOSIS, EMBASE, WPI Data, CHEM ABS Data, Sequence Search   |  |   |
| <b>C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT</b>  |  |   |
| Category*  | Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages   | Relevant to claim No.   |
| Y  | WO 2014/031668 A2 (ORTHO CLINICAL<br>DIAGNOSTICS INC [US]; JANSSEN<br>PHARMACEUTICA NV [BE])<br>27 February 2014 (2014-02-27)<br>the whole document<br>----- | 1,2,6,<br>10-23,<br>28-40   |
| Y  | WO 2014/031665 A1 (ORTHO CLINICAL<br>DIAGNOSTICS INC [US]; JANSSEN<br>PHARMACEUTICA NV [BE])<br>27 February 2014 (2014-02-27)<br>the whole document<br>----- | 1,2,6,<br>10-23,<br>28-40   |
| X  | WO 2014/031630 A2 (JANSSEN PHARM INC)<br>27 February 2014 (2014-02-27)   | 26,28-40  |
| Y  | claims; example 3; sequences 19,20<br>-----<br>-/--  | 1-25,27   |
| <input checked="" type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex.  |  |   |
| * Special categories of cited documents :  |  |   |
| *A* document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance<br>*E* earlier application or patent but published on or after the international filing date<br>*L* document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)<br>*O* document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means<br>*P* document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed |  | *T* later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention<br>*X* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone<br>*Y* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art<br>*& document member of the same patent family |
| Date of the actual completion of the international search  |  | Date of mailing of the international search report  |
| 11 May 2017  |  | 22/05/2017  |
| Name and mailing address of the ISA/<br>European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2<br>NL - 2280 HV Rijswijk<br>Tel. (+31-70) 340-2040,<br>Fax: (+31-70) 340-3016   |  | Authorized officer<br><br>Meyer, Wolfram  |

**INTERNATIONAL SEARCH REPORT**

International application No  
PCT/US2016/066940

| C(Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT |   |                       |
|--|---|-----------------------|
| Category*  | Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages  | Relevant to claim No. |
| X  | WO 2014/031662 A2 (ORTHO CLINICAL<br>DIAGNOSTICS INC [US]; JANSSEN<br>PHARMACEUTICA NV [BE])<br>27 February 2014 (2014-02-27) | 26,28-40              |
| Y  | example 3; sequences 19,20<br>-----   | 1-25,27               |

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.  
PCT/US2016/066940**Box No. II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of Item 2 of first sheet)**

This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1.  Claims Nos.:  
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
  
2.  Claims Nos.:  
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:
  
3.  Claims Nos.:  
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

**Box No. III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)**

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

see additional sheet

1.  As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
  
2.  As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fees, this Authority did not invite payment of additional fees.
  
3.  As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
  
4.  No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

**Remark on Protest**

- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest and, where applicable, the payment of a protest fee.
- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest but the applicable protest fee was not paid within the time limit specified in the invitation.
- No protest accompanied the payment of additional search fees.

International Application No. PCT/US2016/066940

**FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210**

This International Searching Authority found multiple (groups of) inventions in this international application, as follows:

1. claims: 2, 6, 23(completely); 1, 10-22, 28-40(partially)

An isolated antibody or a binding fragment thereof, which binds to quetiapine comprising: the isolated antibody or the fragment thereof comprising a light chain variable region having an amino acid sequence consisting of SEQ ID NO:3 and a heavy chain variable region having the amino acid sequence consisting of SEQ ID NO:4

---

2. claims: 3, 7, 24(completely); 1, 10-22, 28-40(partially)

An isolated antibody or a binding fragment thereof, which binds to quetiapine comprising the light chain having the amino acid sequence SEQ ID NO: 8 and the heavy chain variable region having the amino acid sequence SEQ ID NO: 10

---

3. claims: 4, 8, 25(completely); 1, 10-22, 28-40(partially)

An isolated antibody or a binding fragment thereof, which binds to quetiapine comprising the isolated antibody or the fragment thereof comprising a light chain variable region having an amino acid sequence consisting of SEQ ID NO:9 and a heavy chain variable region having the amino acid sequence consisting of SEQ ID NO: 10

---

4. claims: 5, 9, 27(completely); 1, 10-22, 28-40(partially)

An isolated antibody or a binding fragment thereof, which binds to quetiapine comprising, the isolated antibody or the a fragment thereof comprising a light chain variable region having an amino acid sequence consisting of SEQ ID NO: 17 and a heavy chain variable region having the amino acid sequence consisting of SEQ ID NO: 18.

---

5. claims: 26(completely); 28-40(partially)

An isolated antibody or a binding fragment thereof, which binds to quetiapine comprising:a) a light chain CDR1 sequence comprising amino acid residues 43 to 58 of SEQ ID NO: 13;b) a light chain CDR2 sequence comprising amino acid residues 74 to 80 of SEQ ID NO: 13;c) a light chain CDR3 sequence comprising amino acid residues 113 to 121 of SEQ ID NO: 13;d) a heavy chain CDR1 sequence comprising amino acid residues 50 to 54 of SEQ ID NO:14;e) a heavy chain CDR2 sequence comprising amino acid residues 69 to 85 of SEQ ID NO: 14; andf) a heavy chain CDR3 sequence comprising amino acid residues 118 to 129 of SEQ ID NO: 14.

---

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

International application No

PCT/US2016/066940

| Patent document cited in search report | Publication date | Patent family member(s) | Publication date |                  |            |
|--|------------------|-------------------------|------------------|------------------|------------|
| WO 2014031668 A2                       | 27-02-2014       | AU 2013305907 A1        | 05-03-2015       |                  |            |
|  |                  | CA 2882615 A1           | 27-02-2014       |                  |            |
|  |                  | CN 104755929 A          | 01-07-2015       |                  |            |
|  |                  | EP 2888592 A2           | 01-07-2015       |                  |            |
|  |                  | HK 1212035 A1           | 03-06-2016       |                  |            |
|  |                  | JP 2015527368 A         | 17-09-2015       |                  |            |
|  |                  | US 2014057306 A1        | 27-02-2014       |                  |            |
|  |                  | US 2016341749 A1        | 24-11-2016       |                  |            |
|  |                  | WO 2014031668 A2        | 27-02-2014       |                  |            |
|  |                  | WO 2014031665 A1        | 27-02-2014       | AU 2013305904 A1 | 05-03-2015 |
| CA 2882597 A1                          | 27-02-2014       |                         |                  |                  |            |
| CN 104736564 A                         | 24-06-2015       |                         |                  |                  |            |
| EP 2888286 A1                          | 01-07-2015       |                         |                  |                  |            |
| HK 1211959 A1                          | 03-06-2016       |                         |                  |                  |            |
| JP 2015529203 A                        | 05-10-2015       |                         |                  |                  |            |
| US 2014057305 A1                       | 27-02-2014       |                         |                  |                  |            |
| WO 2014031665 A1                       | 27-02-2014       |                         |                  |                  |            |
| WO 2014031630 A2                       | 27-02-2014       |                         |                  | AU 2013305965 A1 | 05-03-2015 |
|  |                  |                         |                  | CA 2882490 A1    | 27-02-2014 |
|  |                  | CN 104736561 A          | 24-06-2015       |                  |            |
|  |                  | EP 2888277 A2           | 01-07-2015       |                  |            |
|  |                  | HK 1211958 A1           | 03-06-2016       |                  |            |
|  |                  | JP 2015527365 A         | 17-09-2015       |                  |            |
|  |                  | US 2014057298 A1        | 27-02-2014       |                  |            |
|  |                  | US 2017045537 A1        | 16-02-2017       |                  |            |
|  |                  | WO 2014031630 A2        | 27-02-2014       |                  |            |
|  |                  | WO 2014031662 A2        | 27-02-2014       | AU 2013305901 A1 | 05-03-2015 |
| CA 2882596 A1                          | 27-02-2014       |                         |                  |                  |            |
| CN 104755928 A                         | 01-07-2015       |                         |                  |                  |            |
| EP 2888590 A2                          | 01-07-2015       |                         |                  |                  |            |
| HK 1212033 A1                          | 03-06-2016       |                         |                  |                  |            |
| JP 2015529202 A                        | 05-10-2015       |                         |                  |                  |            |
| US 2014057304 A1                       | 27-02-2014       |                         |                  |                  |            |
| US 2017037152 A1                       | 09-02-2017       |                         |                  |                  |            |
| WO 2014031662 A2                       | 27-02-2014       |                         |                  |                  |            |

## フロントページの続き

(51)Int.Cl. F I テーマコード(参考)  
C 1 2 P 21/08 (2006.01) C 1 2 P 21/08

(81)指定国 AP(BW, GH, GM, KE, LR, LS, MW, MZ, NA, RW, SD, SL, ST, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, RU, TJ, TM), EP(AL, AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MK, MT, NL, NO, PL, PT, RO, RS, SE, SI, SK, SM, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, KM, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AO, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BN, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CL, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DJ, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IR, IS, JP, KE, KG, KH, KN, KP, KR, KW, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PA, PE, PG, PH, PL, PT, QA, RO, RS, RU, RW, SA, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, ST, SV, SY, TH, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ

- (72)発明者 フリホレンコ, エリック  
アメリカ合衆国 ニューヨーク州 1 4 4 6 8 , ヒルトン, フレーザー ドライヴ 4 5
- (72)発明者 サンカラン, パヌマシ  
アメリカ合衆国 ニューヨーク州 1 4 5 3 4 , ピッツフォード, コディントン グローヴ 1 2
- (72)発明者 デコリー, トーマス アール.  
アメリカ合衆国 ニューヨーク州 1 4 5 3 4 , ピッツフォード, ラウンド トレイル ドライヴ 2 4
- (72)発明者 タブス, テラサ  
アメリカ合衆国 ニュージャージー州 0 8 8 5 5 , ピスカタウェイ, ホーズ レーン 4 2 5
- (72)発明者 コルト, リンダ  
アメリカ合衆国 ニューヨーク州 1 4 6 0 6 , ロチェスター, セント リタ ドライヴ 1 5 1
- (72)発明者 レメリー, パート エム.  
ベルギー国 ベルセ ベー - 2 3 4 0 , トルンハウッサーヴェヒ 3 0
- (72)発明者 サルター, リズ  
アメリカ合衆国 ペンシルベニア州 1 9 4 7 7 , スプリング ハウス, ウェルシュ アンド マッキーン ローズ
- (72)発明者 ドナヒュー, マシュー ジー.  
アメリカ合衆国 ペンシルベニア州 1 8 9 7 6 , ウォーリントン, アpartment エー 1 0 , ストリート ロード 1 7 0 0
- (72)発明者 ゴン, ヤング  
アメリカ合衆国 ペンシルベニア州 1 9 4 7 7 , スプリング ハウス, ウェルシュ アンド マッキーン ローズ

F ターム(参考) 4B064 AG27 CA19 CC24 DA13  
4H045 AA11 AA30 BA41 DA76 EA50 FA74

|                |  |         |            |
|----------------|--|---------|------------|
| 专利名称(译)        | 针对喹硫平的抗体及其用途   |         |            |
| 公开(公告)号        | <a href="#">JP2019504014A</a>  | 公开(公告)日 | 2019-02-14 |
| 申请号            | JP2018531428   | 申请日     | 2016-12-15 |
| [标]申请(专利权)人(译) | 詹森药业有限公司   |         |            |
| 申请(专利权)人(译)    | 扬森制药, 锡卡NV.基地.   |         |            |
| [标]发明人         | フリホレンコエリック<br>サンカランバヌマシ<br>デコリートーマスアール<br>タブステラサ<br>コルトリンダ<br>レメリーバートエム<br>サルターリス<br>ドナヒューマシュージー<br>ゴンヤング                |         |            |
| 发明人            | フリホレンコ,エリック<br>サンカラン,バヌマシ<br>デコリー,トーマス アール.<br>タブス,テラサ<br>コルト,リンダ<br>レメリー,バート エム.<br>サルター,リス<br>ドナヒュー,マシュー ジー.<br>ゴン,ヤング |         |            |
| IPC分类号         | C07K16/44 G01N33/53 G01N33/543 C12N15/13 C12N15/62 C12P21/08   |         |            |
| CPC分类号         | C07K16/44 G01N33/9406 G01N33/9466  |         |            |
| FI分类号          | C07K16/44.ZNA G01N33/53.D G01N33/543.521 C12N15/13 C12N15/62.Z C12P21/08   |         |            |
| F-TERM分类号      | 4B064/AG27 4B064/CA19 4B064/CC24 4B064/DA13 4H045/AA11 4H045/AA30 4H045/BA41 4H045/DA76 4H045/EA50 4H045/FA74            |         |            |
| 代理人(译)         | 小林 浩<br>片山英二<br>小林顺子<br>鈴木康仁   |         |            |
| 优先权            | 62/268924 2015-12-17 US  |         |            |
| 其他公开文献         | JP2019504014A5   |         |            |
| 外部链接           | <a href="#">Espacenet</a>  |         |            |

#### 摘要(译)

公开了结合喹硫平的抗体或抗体的结合片段。 抗体的抗体或结合片段可用于检测样品中的喹硫平，例如在竞争性免疫测定中。 在侧向流动测定装置中，抗体或抗体的结合片段可用于喹硫平的护理点检测，包括在单个侧向流动测定装置中组合检测阿立哌唑，喹硫平，奥氮平和利培酮。

