

(19)日本国特許庁 (J P)

(12) 公表特許公報 (A) (11)特許出願公表番号

特表2003 - 531634

(P2003 - 531634A)

(43)公表日 平成15年10月28日(2003.10.28)

| (51) Int.Cl ⁷ | 識別記号 | F I | テ-マコード* (参考) |
|--------------------------|------|---------------|--------------|
| C 1 2 N 15/09 | ZNA | A 6 1 K 39/00 | H 4 B 0 2 4 |
| A 6 1 K 39/00 | | 39/39 | 4 B 0 6 4 |
| 39/39 | | 39/395 | R 4 B 0 6 5 |
| 39/395 | | 48/00 | 4 C 0 8 4 |
| 48/00 | | A 6 1 P 1/02 | 4 C 0 8 5 |

審査請求 未請求 予備審査請求 (全 60数) 最終頁に続く

(21)出願番号 特願2001 - 580954(P2001 - 580954)

(86)(22)出願日 平成13年4月27日(2001.4.27)

(85)翻訳文提出日 平成14年10月24日(2002.10.24)

(86)国際出願番号 PCT/AU01/00482

(87)国際公開番号 W001/083530

(87)国際公開日 平成13年11月8日(2001.11.8)

(31)優先権主張番号 PQ 7182

(32)優先日 平成12年4月28日(2000.4.28)

(33)優先権主張国 オーストラリア(AU)

(71)出願人 シーエスエル、リミテッド
オーストラリア連邦ビクトリア州、パーク
ビル、ポプラー、ロード、45

(72)発明者 パール、イアン、ジョージ
オーストラリア国 3106 ヴィクトリア州
、テンプルストウ、シェークスピア ドライ
ブ 13

(72)発明者 チャジコウスキー、ラリッサ
オーストラリア国 3085 ヴィクトリア州
、マクレオド、ハイビュー クレセント 5

(74)代理人 弁理士 平木 祐輔 (外2名)

最終頁に続く

(54)【発明の名称】 ポルフィロモナス・ジンジバリス (P o r p h y r o m o n a s g i n g i v a l i s) リコ
ニタントタンパク質と末端切断物

(57)【要約】

本発明は、PG32およびPG33由来の可溶性P.g
ingivalisポリペプチドならびにこれらのポリ
ペプチドをコードするポリヌクレオチドに関する。P.
gingivalisポリペプチドとヌクレオチドは、
被験体にP.gingivalisに対する免疫応答を
起こすためにならびに歯周病として知られる症状または
P.gingivalisによる感染に関係する他の症
状の重篤度を治療または予防または軽減するために使用
する組成物に利用することができる。

【特許請求の範囲】

【請求項1】 配列番号3または配列番号4で示す配列の断片を含んでなる可溶性ポリペプチド。

【請求項2】 断片が配列番号3の残基190～391によって定義される領域または配列番号4の残基210～380によって定義される領域由来である、請求項1に記載の可溶性ポリペプチド。

【請求項3】 式X-Y-Z

[式中、

Yは、配列番号3の残基86～223、配列番号3の残基191～322、配列番号4の残基193～310、配列番号3の残基191～306、配列番号3の残基224～391、配列番号4の残基213～380、配列番号4の残基286～380、配列番号3の残基224～306、配列番号4の残基213～285、配列番号3の残基281～384および配列番号4の残基306～372からなる群から選択されるアミノ酸配列からなる可溶性*P. gingivalis*断片であり；そして

XとZは存在するかもしくは存在せず、かつ*P. gingivalis*の断片の溶解度に実質的に悪影響を与えないアミノ酸もしくはペプチドからなる]

で表される、可溶性ポリペプチド。

【請求項4】 Yが配列番号3の残基224～391または配列番号4の残基213～380からなる*P. gingivalis*の断片である、請求項3に記載の可溶性ポリペプチド。

【請求項5】 Xおよび/またはZが存在しない、請求項3または請求項4に記載の可溶性ポリペプチド。

【請求項6】 本質的に配列番号3の残基86～223、配列番号3の残基191～322、配列番号4の残基193～310、配列番号3の残基191～306、配列番号3の残基224～391、配列番号4の残基213～380、配列番号4の残基286～380、配列番号3の残基224～306、配列番号4の残基213～285、配列番号3の残基281～384および配列番号4の残基306～372からなる群から選択される配列を有するポリペプチドからなる、可溶性*P. gingivalis*のポリペプチド。

【請求項7】 請求項1～6のいずれか1項に記載の可溶性ポリペプチドを含んでなるキメラまたは融合構築物。

【請求項8】 請求項1～6のいずれか1項に記載の可溶性ポリペプチドをコードするヌクレオチド配列を含んでなる単離されたDNA分子。

【請求項9】 転写調節エレメントと機能的に連結された請求項8に記載のDNA分子を含んでなるリコンビナント発現ベクター。

【請求項10】 請求項9のリコンビナント発現ベクターを含んでなる細胞。

【請求項11】 *P. gingivalis*のポリペプチドを産生する方法であって、そのポリペプチドの発現を可能にする条件下で請求項10に記載の細胞を培養することを含んでなる方法。

【請求項12】 被験体の*P. gingivalis*に対する免疫応答を起こすのに使用する組成物であって、請求項1～6のいずれか1項に記載の少なくとも1つの有効量の可溶性ポリペプチド、および/または請求項8に記載の少なくとも1つの有効量のDNA分子、ならびに製薬上許容される担体を含んでなる前記組成物。

【請求項13】 製薬上許容される担体がアジュバントである、請求項12に記載の組成物。

【請求項14】 被験体に請求項12または請求項13の組成物を投与することを含んでなる、被験体の*P. gingivalis*感染の発症または重篤度を低減または予防する方法。

【請求項15】 請求項1～7のいずれか1項に記載の可溶性ポリペプチドに対して産生される抗体。

【請求項16】 請求項15に記載の抗体および製薬上許容される担体を含んでなる組成物。

【請求項17】 請求項15に記載の抗体を用いる被験体の受動ワクチン接種を含んでなる、被験体の*P. gingivalis*感染を治療または予防するための方法

【請求項18】 サンプル中の*P. gingivalis*のポリペプチドの存在または不存在を検出する診断方法であって、サンプルを請求項15に記載の抗体と、抗体がサンプル中の*P. gingivalis*のポリペプチドと免疫複合体を形成するのに十分な条件下で接触させ、そして免疫複合体の存在または不存在を検出することを含んでなる方法。

【請求項19】 サンプル中の*P. gingivalis*抗体の存在または不存在を検出する診断方法であって、サンプルを請求項1～7のいずれか1項に記載の可溶性ポリペプチドと、ポリペプチドの可溶性断片がサンプル中の抗体と免疫複合体を形成するのに十分な条件下で接触させ、そして免疫複合体の存在または不存在を検出することを含んでなる方法。

【請求項20】 請求項1～7のいずれか1項に記載の可溶性ポリペプチドおよび/または請求項15に記載の抗体を含んでなるキット

【発明の詳細な説明】**【0001】****発明の分野**

本発明はポルフィロモナス・ジンジバリス (*Porphyromonas gingivalis*) のヌクレオチド配列および*P. gingivalis*のポリペプチドに関する。*P. gingivalis*のポリペプチドおよびヌクレオチドは、被験者の*P. gingivalis*に対して免疫応答を起こすのにならびに歯周病として知られる症状または*P. gingivalis*による感染に関係する他の症状の重篤度を治療または予防または軽減するのに使用する組成物において使用することができる。

【0002】**発明の背景**

歯周病は細菌に関連する歯の支持組織の炎症疾患であり、比較的穏やかな形態の歯肉炎である非特定のかつ可逆的な歯肉組織の炎症から、歯支持構造の破壊により特徴づけられるもっと攻撃的な形態の歯周病までである。歯周病は歯根膜の破壊に導く特定のグラム陰性菌のコンソーシアムの歯肉下感染に関連し、重要な公衆衛生問題である。大きな関心を呼んでいる1つの細菌は*P. gingivalis*であり、その理由は、この微生物の成人歯周病病変部からの回収は歯肉下の嫌気性培養可能なフローラの50%にまで達しうるが、*P. gingivalis*は健康部位からは稀にしかも少数しか回収されないからである。歯肉下プラーク中の*P. gingivalis*レベルは歯周病の重症度の増加に関連して比例的に増加し、この疾患が回復すると培養可能な歯肉下微生物集団からの該微生物は根絶される。*P. gingivalis*の歯肉下移植による、非ヒト霊長類の歯周病病変の進行が実証されている。動物およびヒトの両方に対するこれらの知見は、成人の歯周病発達における*P. gingivalis*の重要な役割を示唆する。

【0003】

さらに最近、歯周病と循環器病との連鎖、従って*P. gingivalis*感染症と循環器病との間の連鎖が増加している。この連鎖に関するさらなる情報は、Beck JDら、*Ann Periodontol* 3:127-141, 1998およびBeck J,ら、*J. Periodontol.* 67:1123-37, 1996に見られる。

【0004】

*P. gingivalis*は黒色素性、嫌気性、非糖分解性、タンパク質分解性グラム陰性桿菌であり、特定アミノ酸の代謝からエネルギーを得る。該微生物は、鉄を、好ましくはヘムもしくはそのFe(III)酸化産物ヘミンの形態で絶対増殖要求し、過剰ヘミンの条件下で増殖すると、実験動物において高度に毒性がある。*P. gingivalis*の病原性には多数の毒性因子が示唆されており、莢膜、付着性因子、細胞毒および細胞外加水分解酵素が挙げられる。

【0005】

*P. gingivalis*コロニー形成を予防、排除または低下するために効果的かつ安全なワクチンを開発するために、毒性に関わりかつ特異的抗体の作製を通して免疫原として効用を有しうる抗原を同定しかつ生産することが必要である。*P. gingivalis*の培養から直接、抗原を単離する試みは可能であるが、しばしば困難である。例えば、上述のように、*P. gingivalis*は厳密な嫌気性生物であり、単離し増殖することは困難でありうる。また、複数の生物は、*in vitro*培養すると多くの毒性遺伝子がダウンレギュレートされて、コードされたタンパク質が発現されないことが知られている。もし通常の化学技術を応用してワクチン候補物を精製すれば、可能性のある重要な（保護性）分子を同定することができない。DNA配列決定により、遺伝子は（転写されないが）存在するので、生物を*in vitro*増殖するときでも、遺伝子を同定し、クローニングして、リコンビナントDNAタンパク質として産生することができる。同様に、保護性抗原または治療標的を生物により*in vitro*で一過性に発現させるかまたは低レベルで産生させて、通常の方法によると極めて困難なこれらの分子の同定を行うことができる。

【0006】

治療標的の血清学的同定については、ウェスタンブロットまたはELISAなどの標準的方法を用いても検出可能な応答に制限される。ここで、動物またはヒトに起こる応答のレベルおよびこの応答が保護性、障害性または無関係であるかどうかの確認の両方が制限される。潜在的治療または予防標的を同定するための配列決定手法には、そのような制限はない。

【0007】

*P. gingivalis*は、ある範囲の広く活性のあるプロテアーゼを産生することも周知であり（国際特許出願PCT/AU 96/00673、米国特許第5475,097号および第5,523,390号）、これらのプロテアーゼによる分解によって無傷タンパク質の同定が難しくなる。

【0008】

発明の概要

本発明者らはこのほど、全長タンパク質と比較すると溶解度の改善を示す*P. gingivalis*のPG32およびPG33タンパク質の断片を同定した。マウスの感染病変モデルを使って、本発明者らはこれらの可溶性断片が*P. gingivalis*のチャレンジに対する保護能があることを発見した。

【0009】

従って、第1の態様においては、本発明は、配列番号3または配列番号4で示した配列の断片を含んでなる可溶性ポリペプチドを提供する。

【0010】

第1の態様の好ましい実施形態においては、断片は配列番号3の残基190～391によって定義される領域または配列番号4の残基210～380によって定義される領域由来である。

【0011】

第2の態様においては、本発明は、式X-Y-Z

[式中、

Yは、配列番号3の残基86～223、配列番号3の残基191～322、配列番号4の残基193～310、配列番号3の残基191～306、配列番号3の残基224～391、配列番号4の残基213～380、配列番号4の残基286～380、配列番号3の残基224～306、配列番号4の残基213～285、配列番号3の残基281～384および配列番号4の残基306～372からなる群から選択されるアミノ酸配列からなる可溶性*P. gingivalis*の断片であり；
そして

XとZは、存在するかまたは存在せず、かつ*P. gingivalis*の断片の溶解度に実質的に悪影響を与えないアミノ酸もしくはペプチドからなる]

で表される可溶性ポリペプチドを提供する。

【0012】

第2の態様の好ましい実施形態においては、Yは配列番号3の残基224～391または配列番号4の残基213～380からなる*P. gingivalis*断片である。

【0013】

第2の態様のさらに好ましい実施形態においては、Xおよび/またはZは存在しない。

【0014】

第3の態様においては、本発明は、本質的に配列番号3の残基86～223、配列番号3の残基191～322、配列番号4の残基193～310、配列番号3の残基191～306、配列番号3の残基224～391、配列番号4の残基213～380、配列番号4の残基286～380、配列番号3の残基224～306、配列番号4の残基213～285、配列番号3の残基281～384および配列番号4の残基306～372からなる群から選択される配列を有するポリペプチドからなる可溶性*P. gingivalis*ポリペプチドを提供する。

【0015】

第4の態様においては、本発明は、第1、第2または第3の態様の可溶性ポリペプチドを含んでなるキメラまたは融合構築物を提供する。

【0016】

第5の態様においては、本発明は、第1、第2もしくは第3の態様の可溶性断片または第4の態様のキメラもしくは融合構築物をコードするヌクレオチド配列を含んでなる単離DNA分子を提供する。

【0017】

第6の態様においては、本発明は、転写調節エレメントと機能的に連結された本発明の第5の態様のDNA分子を含んでなるリコンビナント発現ベクターを提供する。

【0018】

第7の態様においては、本発明は、第6の態様のリコンビナント発現ベクターを含んでなる細胞を提供する。

【0019】

第8の態様においては、本発明は、*P. gingivalis*のポリペプチドを産生する方

法であって、そのポリペプチドの発現を可能にする条件下で第7の態様の細胞を培養することを含んでなる、方法を提供する。

【0020】

第9の態様においては、本発明は、被験体の*P. gingivalis*に対する免疫応答を起こすのに使用する組成物であって、本発明の第1、第2もしくは第3の態様の少なくとも1つの有効量のポリペプチド、および/または第5の態様の少なくとも1つの有効量のDNA分子ならびに製薬上許容される担体を含んでなる、組成物を提供する。

【0021】

第9の態様の好ましい実施形態においては、製薬上許容される担体はアジュバントである。

【0022】

第10の態様においては、本発明は、被験体に第9の態様による組成物を投与することを含んでなる、被験体の*P. gingivalis*感染の発症または重篤度を軽減または予防する方法を提供する。

【0023】

歯周病と循環器病（CVD）の連関の増加および従って*P. gingivalis*感染とCVDの関連の可能性があるとするれば、本発明の第8の態様の組成物はまた、CVDの発症もしくは重篤度を低下する予防治療にまたはCVDを治療する補助薬としても利用することができる。

【0024】

第11の態様においては、本発明は、第1、第2もしくは第3の態様の可溶性ポリペプチドに対して産生される抗体を提供する。

【0025】

第11の態様の抗体はポリクローナルまたはモノクローナル抗体であってもよい。

【0026】

第12の態様においては、本発明は、第11の態様の抗体および製薬上許容される担体を含んでなる組成物を提供する。

【0027】

第12のさらに好ましい実施形態においては、組成物は、歯磨きペースト、洗口液、歯磨き粉、液状歯磨剤、洗口液、トローチ、チューインガム、歯科ペースト、歯肉マッサージクリーム、含嗽錠剤、乳製品および他の食品組成物からなる群から選択される。

【0028】

第13の態様においては、本発明は、本発明の第11の態様の抗体を用いる被験体の受動ワクチン接種を含んでなる、被験体の*P. gingivalis*感染を治療または予防する方法を提供する。

【0029】

第14の態様においては、本発明は、サンプル中の*P. gingivalis*ポリペプチドの存在または不存在を検出する診断方法であって、抗体がサンプル中の*P. gingivalis*ポリペプチドと免疫複合体を形成するのに十分な条件下で、サンプルを第11の態様の抗体と接触させ、そして免疫複合体の存在または不存在を検出することを含んでなる、前記方法を提供する。

【0030】

第15の態様においては、本発明は、サンプル中の*P. gingivalis*抗体の存在または不存在を検出する診断方法であって、ポリペプチドの可溶性断片がサンプル中の抗体と免疫複合体を形成するのに十分な条件下で、サンプルを第1、第2もしくは第3の態様の可溶性ポリペプチドと接触させ、そして免疫複合体の存在または不存在を検出することを含んでなる前記方法を提供する。

【0031】

第16の態様においては、本発明は、第1、第2もしくは第3の態様の可溶性ポリペプチドおよび/または第11の態様の抗体を含んでなるキットを提供する。

【0032】

発明の詳細な説明

口腔内細菌ポルフィロモナス・ジンジバリス (*Porphyromonas gingivalis*) はその表面上に主要外膜タンパク質PG32およびPG33を含有する。これらのタンパク質の末端切断された可溶性断片は、全長タンパク質と比較すると、マウス膿瘍モ

デルにおいてP. gingivalisチャレンジに対する保護の改善を提供する。

【0033】

従って、第1の態様においては、本発明はPG32またはPG33ポリペプチドの可溶性断片を提供する。

【0034】

本明細書で使用される「可溶性 (soluble)」は、次の方法で測定して少なくとも5%可溶性、好ましくは10%を超える可溶性を意味する。

【0035】

リコンビナントタンパク質またはそれらの末端切断物のレベルと溶解度は、少量のリコンビナント大腸菌 (E. coli) 細胞培養 (5-20ml) を取り、細胞を遠心分離によってペレット化し、そして細胞をpH8.0のTEバッファ-1.5mlに再懸濁することによって評価することができる。次いで細胞を、マイクロプローブを備えたソニケーター (例えば、レベル5にセットしたVirosonic Digital 475超音波細胞破碎機、The Virtis Company、NY) を使って、2 X 10秒バーストで超音波処理する。15分間の遠心分離 (13,000rpm) 後に上清を採集して、この画分を可溶性画分とする。ペレットを洗浄し、次いでTEバッファ-pH8.0に再懸濁して、これを不溶性画分とする。それぞれの画分に存在するリコンビナントタンパク質のレベルを測定するための様々な画分の分析は、SDS-PAGEとウェスタンブロットブロット分析を用いて実施することができ、もしリコンビナントタンパク質を精製すれば、標準タンパク質アッセイを利用することもできる。溶解度のレベルは、「不溶性」画分中の量と比較した相対的な「可溶性」画分中のリコンビナントタンパク質の量を決定することによって判断し、その和は回収した全リコンビナントタンパク質の100%を表す。複数の事例では、0.1-1% w/vのレベルのNOGおよびCHAPS または0.1-1% Tween-20 v/vなどの非イオン性洗剤を超音波処理プロセスに加えて、リコンビナントタンパク質の可溶化を助けてもよい。さらに大スケールの発現および精製のためには、500ml大腸菌 (E. coli) 培養物を遠心分離によりペレット化して、適当なバッファ (例えば、5 mMイミダゾール、500nM NaCl、20mM Tris-HCl、pH 7.9) 40mlに懸濁してもよい。次に細胞を、8のセットでマイクロプローブ (0.5") を使って、6 X 10秒バーストで超音波処理する (Virosonic Di

gital 475超音波細胞破碎機、Virtis社、NY)。15分間の遠心分離(13,000rpm)後に、可溶性リコンビナントタンパク質を含有する上清を採集して、さらなる分析または精製を行う。もし全てのリコンビナントタンパク質が可溶性画分に見出されれば、この結果は100%可溶性タンパク質であることを表し、逆に全てのタンパク質が不溶性画分に見出されれば、この結果は0%可溶性タンパク質を表す。

【0036】

酵母で発現されるリコンビナントタンパク質または末端切断物の溶解度のレベルは、次の手順によって測定することができる。リコンビナントタンパク質を発現する酵母培養物サンプルを遠心分離(3000g、5分間)によって収穫し、500 μ lのブレイキングバッファー(1mM PMSF、10mM E-64を含有する50mM二水素オルトリン酸ナトリウム、1mM EDTA、5%グリセロール、pH7.4、Sigma)に再懸濁する。2.0 mlスクリュウ栓バイアル(Biospec)の3/4を0.5 mmガラスビーズ(Biospec)によって満たし、残りの容積を再懸濁細胞によって満たす。混合物を、次にミニビーズビーター細胞破碎機(例えば、Biospecで8x30秒にセットして5,000rpm)中でホモジナイズし、各作動の間、氷上で30秒インキュベーションする。ビーズを静置沈降して、破碎した酵母細胞を回収する。5分間の遠心分離(3000g)後に上清を回収して、これを可溶性画分とする。残りのペレットはブレイキングバッファーに再懸濁して、これを不溶性画分とする。複数の事例では、0.1-1% w/vのレベルのNOGおよびCHAPS または0.1-1% Tween-20 v/vなどの非イオン性洗剤を超音波処理プロセスに加えて、リコンビナントタンパク質の可溶化を助けてもよい。可溶性および不溶性画分中に存在するリコンビナントタンパク質の相対量を評価するために、画分をSDS-PAGEとウェスタンブロット分析を用いて、大腸菌(E.coli)から誘導された物質と類似の方法で分析する。

【0037】

第1の態様の好ましい実施形態においては、可溶性画分は、配列番号3の残基190~391を包含するPG32ポリペプチドの領域または配列番号4の残基210~380を包含するPG33ポリペプチドの領域に由来する。

【0038】

本発明はまた、式X-Y-Z

[式中、

Yは、配列番号3の残基86～223、配列番号3の残基191～322、配列番号4の残基193～310、配列番号3の残基191～306、配列番号3の残基224～391、配列番号4の残基213～380、配列番号4の残基286～380、配列番号3の残基224～306、配列番号4の残基213～285、配列番号3の残基281～384および配列番号4の残基306～372からなる群から選択されるアミノ酸配列からなる可溶性*P. gingivalis*断片であり；そして

XとZは、存在するかまたは存在せず、かつ*P. gingivalis*断片の溶解度に実質的に悪影響を与えないアミノ酸もしくはペプチドからなる]

で表されるポリペプチドも提供する。

【0039】

第2の態様のさらなる好ましい実施形態においては、Xおよび/またはZは存在しない。

【0040】

さらに他の好ましい実施形態においては、第2の態様のポリペプチドはキメラまたは融合タンパク質の形態である。

【0041】

第3の態様においては、本発明は、本質的に配列番号3の残基86～223、配列番号3の残基191～322、配列番号4の残基193～310、配列番号3の残基191～306、配列番号3の残基224～391、配列番号4の残基213～380、配列番号4の残基286～380、配列番号3の残基224～306、配列番号4の残基213～285、配列番号3の残基281～384および配列番号4の残基306～372からなる群から選択される配列を有するポリペプチドからなる可溶性*P. gingivalis*のポリペプチドを提供する。

【0042】

本発明はまた、第2または第3の態様のポリペプチドの可溶性変異体および誘導体も包含する。本発明のアミノ酸配列との関係での用語「変異体 (variant)」または「誘導体 (derivative)」は、得られるアミノ酸配列が*P. gingivalis*に対する免疫応答を起こす能力を有して、好ましくは配列表に掲げたポリペプチドの少なくとも25～50%の活性、さらに好ましくは実質的に同じ活性があることを

条件として、配列からまたは配列への1つの（または1つより多い）アミノ酸のいずれの置換、変異、改変、置換え、欠失または付加も含む。

【0043】

本発明のポリペプチドのアミノ酸配列突然変異体は、適当なヌクレオチド変化を核酸配列中に導入することによって、または所望のポリペプチドの*in vitro*合成によって調製することができる。そのような突然変異体は、例えば、アミノ酸配列内の残基の欠失体、挿入体または置換体が挙げられる。最終タンパク質産物が所望の特性を有することを条件として、最終構築物に到達するために、欠失、挿入および置換の組合せを行ってもよい。

【0044】

アミノ酸配列変異体の設計において、突然変異部位の位置および突然変異の性質は、改変すべき特性に依存するであろう。突然変異部位は、個々にまたは連続して、例えば、(1)最初に保存アミノ酸選択と、次いで得られた結果に依ってさらなるラジカルな選択と置換し、(2)標的残基を欠失させ、または(3)位置を定められた部位に隣接して他残基を挿入することによって、改変することができる。

【0045】

アミノ酸配列欠失は、一般的に約1～30残基、好ましくは約1～10残基そして典型的には約1～5連続残基の範囲で行う。

【0046】

置換突然変異は、ポリペプチド分子の少なくとも1つのアミノ酸残基が除去され、その場所に異なる残基が挿入される。置換突然変異誘発で最も重要な部位は、抗原性決定領域および活性部位として同定された部位が挙げられる。他の重要な部位は、様々な種から得られる特定残基が同一である部位である。これらの位置は生物活性にとって重要でありうる。これらの部位、特に少なくとも3つが他と同一に保存された部位の配列内にある部位は、相対的に保存的方法で置換することが好ましい。そのような保存的置換を「置換例」の標題で表1に示した。

【0047】

【表1】

表1 置換例

| 元来の残基 | 置換例 |
|---------|------------------------------|
| Ala (A) | val; leu; ile; gly |
| Arg (R) | lys; gln; asn |
| Asn (N) | gln; his; lys; arg |
| Asp (D) | glu |
| Cys (C) | ser |
| Gln (Q) | asn; his |
| Glu (E) | asp |
| Gly (G) | pro; ala |
| His (H) | asn; gln; lys; arg |
| Ile (I) | leu; val; ala; met; phe |
| Leu (L) | ile; val; met; ala; phe |
| Lys (K) | arg; gln; asn |
| Met (M) | leu; phe; ile |
| Phe (F) | leu; val; ala; ile; tyr; trp |
| Pro (P) | gly |
| Ser (S) | thr |

| | |
|---------|-------------------------|
| Thr (T) | ser |
| Trp (W) | tyr; phe |
| Tyr (Y) | trp; phe; thr; ser |
| Val (V) | ile; leu; met; phe; ala |

【0048】

さらに、もし所望であれば、非天然アミノ酸または化学的アミノ酸類似体を、本発明のポリペプチド中に置換または付加として導入してもよい。そのようなアミノ酸は、限定されるものでないが、通常のアミノ酸のD異性体、2,4-ジアミノ酪酸、 β -アミノイソ酪酸、4-アミノ酪酸、2-アミノ酪酸、6-アミノヘキサン酸、2-アミノイソ酪酸、3-アミノプロピオン酸、オルチニン、ノルロイシン、ノル

バリン、ヒドロキシプロリン、サルコシン、シトルリン、ホモシトルリン、システイン酸、t-ブチルグリシン、t-ブチルアラニン、フェニルグリシン、シクロヘキリシルアラニン、 β -アラニン、フルオロ-アミノ酸、 β -メチルアミノ酸、 γ -メチルアミノ酸、N- β -メチルアミノ酸などのデザイナーアミノ酸、およびアミノ酸類似体全般が挙げられる。

【0049】

また本発明の範囲内に含まれるのは、合成中または後に、例えばビオチン化、ベンジル化、グリコシル化、アセチル化、リン酸化、アミド化、既知の保護/ブロック基、タンパク質分解切断、抗体分子もしくは他の細胞リガンドとの結合などによって、異なるように改変された本発明のポリペプチドである。これらの改変は、本発明のポリペプチドの安定性および/または生物活性を増加することに役立つ。

【0050】

また、本発明の範囲内に含まれるのは、本発明のポリペプチドの生物活性をもつ断片である。本発明者らは、「生物活性をもつ断片 (biologically active fragment)」によって、元来のポリペプチドの活性の少なくとも1つを保持する、第2または第3の態様の配列の可溶性断片を意味する。最も好ましくは、本発明の「生物活性をもつ断片」は、その断片を被験体に投与すると *P. gingivalis* に対する免疫応答を起こすことができる。

【0051】

被験体の *P. gingivalis* に対する免疫応答を起こすことができる本発明のポリペプチドの生物活性をもつ断片または突然変異体を同定する技術が当業界で周知であることは理解されるであろう。例えば、本発明のポリペプチドに対して置換および/または欠失を行い、得られる断片/突然変異体を *P. gingivalis* に対する免疫応答を起こす能力について試験することができる。

【0052】

本発明はまた、キメラまたは融合タンパク質を提供する。本明細書に使用される「キメラタンパク質」または「融合タンパク質」は、パートナーポリペプチドと機能的に連結された本発明の第一のポリペプチドを含んでなる。用語「機能的

に連結された」は、第一のポリペプチドとパートナーポリペプチドがフレーム内でお互いに融合しているのを示すことを意図する。パートナーポリペプチドは本発明のポリペプチドのN末端またはC末端と融合することができる。

【0053】

パートナーポリペプチドは同じかまたは異なる生物から誘導することができ、第1のポリペプチドと同じかまたは異なってもよい。従って、融合タンパク質は2以上の本発明のポリペプチドを含んでなってもよい。

【0054】

一実施形態においては、融合タンパク質はそのN末端に異種シグナル配列を含有する本発明のポリペプチドである。ある特定の宿主細胞（例えば、哺乳類宿主細胞）においては、ポリペプチドの発現および/または分泌を異種シグナル配列の利用を通して増加することができる。

【0055】

他の実施形態においては、融合タンパク質は、マルトース結合タンパク質（MBP）またはグルタチオントランスフェラーゼ（GST）タンパク質と連結された本発明のポリペプチドを含んでなる。MBP融合タンパク質はNew England Biolabs pMal発現系を用いて作ることができる。複数の事例においては、MBPまたはGSTとリコンビナントタンパク質との融合はリコンビナント融合パートナーのフォールディングを容易にするので、非融合の本発明のリコンビナントP. gingivalisポリペプチドと比較して、融合タンパク質の溶解度を増加しうることが示されている。

【0056】

好ましくは、本発明のキメラまたは融合タンパク質は、標準のリコンビナントDNA技術によって産生する。例えば、異なるポリペプチド配列をコードするDNA断片を通常の技術によってフレーム内で一緒にライゲートする、例えばライゲーション用の平滑末端もしくはねじれ型末端（stagger-end）、適当な末端を与えるための制限酵素消化、適当な付着末端の充填、所望でない接合を避けるためのアルカリホスファターゼ処理、および酵素ライゲーションを使うことによる。他の実施形態においては、融合遺伝子は自動DNA合成器を含む、通常の技術によって

合成することができる。

【0057】

あるいは、遺伝子断片のPCR増幅を、2つの連続遺伝子断片の間に相補的オーバーハングを生じるアンカープライマーを用いて実施し、次いでアニーリングしかつ増幅してキメラ遺伝子配列を作製することができる（例えば、Current Protocols in Molecular Biology, 編 Ausubelら, John Wiley & Sons:1992を参照）。さらに、既に融合部分(例えば、GSTポリペプチド)をコードする多くの発現ベクターが市販されている。本発明のポリペプチドをコードする核酸をそのような発現ベクター中にクローニングして、融合部分がフレーム内で本発明のポリペプチドと連結するようにしてもよい。

【0058】

本発明はまた、可溶性PG32またはPG33断片をコードするヌクレオチド配列ならびに前記ヌクレオチド配列の機能的同一物および前記ヌクレオチド配列の核酸プローブも提供する。

【0059】

本発明はまた、上記ヌクレオチドおよびキメラもしくは融合リコンビナントポリペプチドを含むリコンビナント産物の様々な応用と使用も、その範囲内に含む。

【0060】

リコンビナントDNA技術を利用する本発明の一実施形態によると、可溶性PG32または可溶性PG33をコードする遺伝子配列を発現ベクター中に組み込み、リコンビナントベクターを適当な宿主細胞中に導入して、それによってその特定宿主細胞における配列の発現を指令する。発現系は、宿主細胞中に導入されたりコンビナントベクターを含んでなって、(a)精製してワクチン製剤の免疫原として使用しうる可溶性PG32またはPG33を産生するために；(b)診断免疫アッセイのためのまたは治療および/もしくは診断上価値のある*P. gingivalis*特異的抗血清を作製するための抗原として利用しうる可溶性PG32またはPG33を産生するために；(c)またはもしリコンビナント発現ベクターがワクシニアウイルスなどの生ウイルスであれば、ベクター自身を、生または不活化ワクチン調製物として用いて、可溶性

PG32またはPG33断片の発現のために宿主細胞へ導入するために；(d)可溶性PG32またはPG33断片を発現して個体にワクチン接種するために利用される生弱毒化細菌細胞または遺伝子操作した共生口腔内細菌中への導入のために；(e)またはコードされ発現された可溶性PG32またはPG33断片に対して免疫感作するために直接個体中への導入のために使用することができる。特に、もしワクチンが動物の歯周病を予防するためであれば、リコンビナント細菌ワクチンはヒト口腔または動物の共生生息体をベースにしてもよい。可溶性PG32またはPG33を発現するリコンビナント細菌ワクチンを用いて口腔、歯肉上または歯肉下プラークにコロニー形成させてもよい。口腔内細菌を歯周病を患う患者から単離し、可溶性PG32またはPG33断片を発現するように遺伝子操作してもよい。可溶性PG32またはPG33断片は、粘膜関連リンパ組織（MALT）を刺激して*P. gingivalis*に対する特異的な抗体を産生しうる。

【0061】

可溶性PG32またはPG33断片は、*P. gingivalis*の病原株に対する予防および/または治療ワクチン製剤における免疫原として使用することができ、免疫原が化学合成されたか*P. gingivalis*から精製されたか、またはリコンビナント発現ベクター系から精製されたかを問わない。あるいは、可溶性PG32またはPG33断片をコードする遺伝子セグメントを、1以上の可溶性PG32またはPG33断片を産生するか、または他の病原性微生物の免疫原性エピトープと組合せて産生するように遺伝子操作されたりコンビナント細菌またはウイルスを含んでなる細菌またはウイルスワクチン中に組み込むことができる。さらに、1以上の調節エレメントと機能的に連結された可溶性PG32またはPG33断片をコードする遺伝子を直接ヒトに導入して、保護免疫を誘発する可溶性断片を発現させることができる。ワクチンはまた、適当なベクター中に組み込まれてそのベクターを含有する適切な形質転換宿主細胞（例えば、大腸菌（*E. coli*）、枯草菌（*Bacillus subtilis*）、酵母（*Saccharomyces cerevisiae*）、COS細胞、CHO細胞およびHeLa細胞）において発現される可溶性PG32またはPG33断片のリコンビナント成分をベースにしてもよい。ワクチンは、可溶性PG32またはPG33断片を発現するリコンビナント細菌が口腔の共生生息体であることを特徴とする、口腔内リコンビナント細菌ワクチンをベースに

してもよい。

【0062】

本発明の好ましい実施形態は、第1の態様の可溶性断片または第2の態様のポリペプチドおよび鼻スプレー、経口または注射により送達される適当なアジュバントをベースにして、PG32またはPG33タンパク質に対して特異的免疫応答を起こすワクチンである。ワクチンはまた、適当なベクター中に組み込まれてそのベクターを含有する適当な形質転換宿主細胞（例えば、大腸菌、枯草菌、酵母、COS細胞、CHO細胞およびHeLa細胞）で発現される第1の態様の可溶性断片または第2の態様のポリペプチドのリコンビナント成分をベースにしてもよい。

【0063】

本発明はまた、本発明の可溶性ポリペプチドに対する抗体も提供する。

【0064】

本明細書に使用される用語「抗体」は、標的抗原に対する結合活性を保持する全抗体のフラグメントを含む。そのようなフラグメントは、Fv、F(ab')およびF(ab')₂フラグメント、ならびに一本鎖抗体（scFv）が挙げられる。さらに、抗体およびそれらのフラグメントは、例えばEP-A-239400に記載のヒト化抗体であってもよい。

【0065】

本発明の可溶性PG32およびPG33ポリペプチドを使って標準技術を用いて抗体を作製することができる。抗体作製に利用する動物は、ウサギ、ヤギ、ニワトリ、ヒツジ、ウマ、ウシなどであってもよい。イムノアッセイにより可溶性断片に対する高い抗体力価が検出されると、動物から採血するかまたは卵もしくは乳を採集し、標準技術を用いて血清を調製しおよび/または抗体を精製するか、または標準技術を用いて脾細胞と骨髓腫細胞とを融合することによりモノクローナル抗体を産生する。抗体（免疫グロブリン画分）は、培養物または腹水、血清、乳または卵から塩析、ゲル濾過、イオン交換および/またはアフィニティクロマトグラフィなどにより分離することができ、塩析が好ましい。塩析法では、抗血清もしくは乳を硫酸アンモニウムにより飽和して沈澱物を作り、次いで沈澱物を生理食塩水に対し透析して特異的抗PG32もしくは抗PG33抗体を含む精製免疫グロブリン

ン画分を得られる。好ましい抗体はウマの抗血清ならびにウシの抗血清および乳から得る。本発明においては、可溶性断片を用いて動物を免疫感作することによって得た抗血清および乳に含有される抗体を経口組成物中にブレンドする。この場合、抗血清および乳、ならびに抗血清および乳から分離し精製した抗体を使用することができる。これらの物質はそれぞれ単独でまたは2以上を組み合わせで使用してもよい。PG32およびPG33に対する抗体を、歯磨ペーストおよび洗口液などの経口組成物に利用してもよい。該抗体はまた、歯肉下プラークサンプル中の *P.gingivalis* を早期検出するため、手元の固相酵素免疫測定法 (ELISA) により使用してもよい。

【0066】

経口組成物としては、投与される上記抗体の量は0.0001~50g/kg/日であり、上記抗体の含量は組成物の0.0002~10重量%、好ましくは0.002~5重量%であることが好ましい。上記の血清または乳抗体を含有する本発明の経口組成物は、歯磨ペースト、歯磨粉および液状歯磨剤を含む歯磨剤、洗口液、トローチ、歯周ポケット洗浄デバイス、チューインガム、歯科用ペースト、歯肉マッサージクリーム、うがい錠、乳製品ならびに他の食料品などの口に入れるのに適した様々な形態に調製して使うことができる。本発明による経口組成物はさらに、特定の経口組成物のタイプと形態に応じて、追加の周知の成分を含んでもよい。

【0067】

本発明のある特定の特に好ましい形態では、経口組成物は洗口液またはリンス液のように実質的に性状が液体であってよい。このような調製物では、ビヒクルは典型的には水-アルコール混合物であり、望ましくは以下に記載の湿潤剤 (humectant) を含む。一般的に、水対アルコールの重量比は約1:1~約20:1の範囲にある。このタイプの調製物中の水-アルコール混合物の総量は典型的には調製物の約70~約99.9重量%の範囲にある。アルコールは典型的にはエタノールまたはイソプロパノールである。エタノールが好ましい。

【0068】

本発明のこのような液および他の調製物のpHは一般的に約4.5~約9の範囲であり、典型的には約5.5~8である。pHは好ましくは約6~約8.0の範囲にあり、好ま

しくは7.4である。pHは酸（例えば、クエン酸または安息香酸）もしくは塩基（例えば水酸化ナトリウム）を用いて調節するか、または緩衝化（クエン酸ナトリウム、安息香酸ナトリウム、炭酸ナトリウム、もしくは重炭酸ナトリウム、リン酸水素二ナトリウム、リン酸二水素ナトリウムなど）することができる。

【0069】

本発明の他の望ましい形態である経口組成物は、歯磨粉、歯科錠または歯磨ペースト（歯科クリーム）もしくはゲル歯磨剤である歯磨剤のような実質的に固体またはペーストの性状であってもよい。このような固体またはペーストの経口調製物のビヒクルは一般的に歯科用に許容しうる研磨材を含有する。研磨材の例は、水不溶メタリン酸ナトリウム、メタリン酸カリウム、リン酸三カルシウム、二水和リン酸カルシウム、無水リン酸二カルシウム、ピロリン酸カルシウム、オルトリン酸マグネシウム、リン酸三マグネシウム、炭酸カルシウム、水和アルミナ、か焼アルミナ、珪酸アルミニウム、珪酸ジルコニウム、シリカ、ベントナイト、およびこれらの混合物である。他の適当な研磨材としては、メラミンホルムアルデヒド、フェノールホルムアルデヒド、および尿素-ホルムアルデヒドなどの特定の熱硬化性樹脂、ならびに架橋ポリエポキシドおよびポリエステルが挙げられる。好ましい研磨材としては、約5ミクロン以下の粒径、約1.1ミクロン以下の平均粒径、および約50,000cm²/gm以下の表面積を有する結晶シリカ、シリカゲルもしくはコロイド状シリカ、および複合無定形アルカリ金属アルミノ珪酸塩が挙げられる。

【0070】

視覚的に透明なゲルを用いる場合、Syloid 72およびSyloid 74などの登録商標SYLOID、またはSantocel 100などの登録商標SANTOCELで販売されるコロイド状シリカ、アルカリ金属アルミノ珪酸塩複合体の研磨剤は、通常の歯磨剤に使われるゲル化剤-液系（水および/または湿潤剤を含む）の屈折率に近い屈折率を有するので、特に有用である。

【0071】

いわゆる「水不溶」研磨材の多くは性状が陰イオン性であり、少量の可溶物質も含む。そして、不溶メタリン酸ナトリウムは「ソープ（Thorpe）の応用化学辞

書 (Thorpe's Dictionary of Applied Chemistry) , [Volume 9, 4th Edition , pp.510-511]に説明されたいずれかの適当な方法で作ることができる。マドレル (Madrell) の塩およびクロール (Kurrol) の塩として知られる不溶メタリン酸ナトリウムの形態は適当な材料のさらなる例である。これらのメタリン酸塩は水中で僅かな溶解度しか示さず、従って通常不溶メタリン酸塩 (IMP) と呼ばれている。これらには少量の可溶性リン酸塩材料が不純物として通常4重量%以下の数パーセントで存在する。不溶メタリン酸塩の場合には、可溶性三メタリン酸ナトリウムを含有すると考えられる可溶性リン酸塩材料の量は、もし所望であれば水洗により低減または消去することができる。不溶アルカリ金属メタリン酸塩は、典型的には、37ミクロンより大きい材料が1%を越えない粒子サイズの粉末形状で使用される。

【0072】

研磨材は一般的に固体またはペースト状組成物中に約10%～約99%の重量濃度で存在する。好ましくは、研磨材は歯磨ペースト中には約10%～約75%、そして歯磨粉中には約70%～約99%の量で存在する。歯磨ペーストでは、研磨材が珪酸質であれば、一般的に約10～30重量%で存在する。他の研磨材は典型的には約30～75重量%で存在する。

【0073】

歯磨ペーストでは、液ビヒクルは、水および湿潤剤を典型的には調製物の約10%～約80重量%の範囲の量で含有しうる。グリセリン、プロピレングリコール、ソルビトールおよびポリプロピレングリコールが適当な湿潤剤/担体の例である。また、水、グリセリンおよびソルビトールの液混合物も有利である。屈折率の考慮が重要である透明ゲルにおいては、約2.5～30%w/wの水、0～約70%w/wのグリセリンおよび約20～80%w/wのソルビトールを使用するのが好ましい。

【0074】

歯磨ペースト、クリームおよびゲルは、典型的には天然または合成の増粘剤またはゲル化剤を、約0.1～約10、好ましくは約0.5～約5%w/wの比率で含有する。適当な増粘剤は合成ヘクトライト、すなわち合成コロイド状マグネシウムアルカリ金属珪酸塩複合体粘土であり、これは例えばラポルト社 (Laporte Industries

Limited) から市販されるラポナイト(Laponite) (例えば、CP、SP 2002、D) として入手可能である。ラポナイト Dの組成は、近似的に重量で58.00% SiO₂、25.40% MgO、3.05% Na₂O、0.98% Li₂O、ならびに若干の水および微量金属である。その真比重は2.53であり、8%湿分にて見かけ嵩密度1.0g/mlを有する。

【0075】

他の適当な増粘剤としては、アイリッシュ・モス (Irish moss)、イオタ・カラギーナン (iota carrageenan)、トラガカントガム、デンプン、ポリビニルピロリドン、ヒドロキシエチルプロピルセルロース、ヒドロキシブチルメチルセルロース、ヒドロキシプロピルメチルセルロース、ヒドロキシエチルセルロース (例えばNatrosolとして市販される)、カルボキシメチルセルロースナトリウム、および微細に粉碎されたサイロイド (Syloid) (例えば、244) などのコロイド状シリカが挙げられる。また可溶化剤は、プロピレングリコール、ジプロピレングリコールおよびヘキシレングリコールなどの湿潤剤ポリオール、メチルセロソルブおよびエチルセロソルブなどのセロソルブ、オリーブ油、ヒマシ油およびワセリンなどの少なくとも約12個の炭素を直鎖に含有する植物油およびワックス、ならびに酢酸アミル、酢酸エチル、安息香酸ベンジルなどのエステルを含んでもよい。

【0076】

通常そうであるように、経口調製物は適当なラベルを付した包装で販売されるかさもなくば流通されることは理解されるであろう。従って、口リンスの壺は、内容物が口リンスまたは洗口液であることを記載するラベルが付いて、その使用に関する指示書を有するであろう；そして歯磨ペースト、クリームまたはゲルは、通常、押し出しチューブ、典型的にはアルミニウム、ライニングした鉛もしくはプラスチック、または他の内容物を計り出す押出器、ポンプもしくは加圧ディスペンサーに入っていて、歯磨ペースト、ゲルもしくは歯科用クリームのような物質を記載するラベルが付いている。

【0077】

有機界面活性剤を本発明の組成物に使用して、予防作用の増強を達成し、口腔全体に活性薬の十分で完全な分散の達成を助け、本発明の組成物をさらに化粧用

として (cosmetically) 許容され得るものにする。有機界面活性物質は、好ましくは陰イオン性、非イオン性、または両性電解質であって本発明の抗体を変性しない性質であり、そして、界面活性剤として、抗体を変性することなく洗浄および発泡物性を組成物に付与する洗浄材料を使用することが好ましい。陰イオン性界面活性剤の適当な例は、水素化ココナツオイル脂肪酸のモノ硫酸化モノグリセリドのナトリウム塩などの高級脂肪酸モノグリセリドモノスルフェートの水溶性塩、ラウリル硫酸ナトリウムなどの高級アルキルスルフェート、ドデシルベンゼンスルホン酸ナトリウムなどのアルキルアールスルホネート、高級アルキルスルホアセテート、1,2-ジヒドロキシプロパンスルホネートの高級脂肪酸エステル、および低級脂肪族アミノカルボン酸化合物の実質的に飽和した高級脂肪族アシルアミド (例えば脂肪酸、アルキルもしくはアシル基に12~16個の炭素を有するもの)、その他である。最後に記述したアミドの例は、N-ラウロイルサルコシン、およびN-ラウロイル、N-ミリストイル、またはN-パルミトイルサルコシンのナトリウム、カリウム、およびエタノールアミン塩であり、実質的に石鹼または同様な高級脂肪酸物質を含有すべきでない。本発明の経口組成物におけるこれらのサルコナイト化合物の使用は、これらの物質が、炭水化物分解による口腔内の酸形成阻害に持続性の顕著な効果をあらわすのに加えて、酸性溶液中の歯エナメル質の溶解度低下に作用するので特に有利である。抗体との使用に適当な水溶性非イオン界面活性剤の例は、エチレンオキサイドと各種反応性水素を含有し長い疎水鎖 (例えば、約12~20個の炭素原子の脂肪族鎖) を有することにより反応性がある化合物との縮合生成物であって、その縮合生成物 (「エトキサマー (ethoxamer) 」) は、ポリ (エチレンオキサイド) と脂肪酸、脂肪アルコール、脂肪族アミド、多価アルコール (例えば、ソルビタンモノステアレート) およびポリプロピレンオキサイド (例えばプルロニック剤 (Pluronic materials)) との縮合生成物のような親水性ポリオキシエチレン部分を含有する。

【0078】

界面活性剤は、典型的には、約0.1~5重量%の量で存在する。注目すべきは、界面活性剤は本発明の抗体の溶解を助け、それにより必要な可溶化湿潤剤の量を削減できることである。

【0079】

本発明の経口調製物には、増白剤、保存剤、シリコーン、クロロフィル化合物および/または尿素、リン酸二アンモニウムのようなアンモニア化物、ならびにそれらの混合物のような様々な他の材料を組み込むことができる。これらのアジュバントは、存在する場合には、所望の物性および特性に実質的に悪影響をあたえない量で調製物に組み込まれる。

【0080】

また適当な風味剤または甘味剤を使用してもよい。適当な風味剤成分の例は、風味(flavoring)オイル、例えば、スペアミント(spearmint)、ペパーミント(peppermint)、ヒメコウジ(wintergreen)、ササfras(sassafra)、チョウジ(clove)、セージ(sage)、ユーカリノキ(eucalyptus)、マヨラナ(marjoram)、シナモン、レモン、およびオレンジ、ならびにサリチル酸メチルのオイルである。適当な甘味剤としては、ショ糖、ラクトース、マルトース、ソルビトール、キシリトール、サイクラミン酸ナトリウム、ペリラルチン(perillartine)、AMP(アスパルチルフェニルアラニン、メチルエステル)、サッカリン等が挙げられる。風味剤および甘味剤はそれぞれまたは一緒に調製物の約0.1%~5%以上を含有するのが適当でありうる。

【0081】

本発明の好ましい実施においては、本発明の組成物を含有する洗口液または歯磨剤などの本発明による経口組成物を、歯ぐきおよび歯に、例えば毎日または1日おきにまたは2日おきにまたは好ましくは毎日1~3回のように規則的に、約4.5~約9、一般的に約5.5~約8、好ましくは約6~8のpHで、少なくとも2週間から8週間まで、またはそれ以上生涯にわたって適用するのが好ましい。

【0082】

本発明の組成物は、望ましくは通常の可塑剤または軟化剤、糖類または他の甘味剤またはグルコース、ソルビトール等と一緒に、ロゼンジまたはチューインガムまたは他の製品に、例えば、暖かいガムベース中に攪拌するかまたはガムベースの外面をコーティングすることによって組み込むことができ、ガムベースの例としてはジェルトン(jelutong)、ゴムラテックス、ビニライト樹脂などが挙げ

られる。

【0083】

本発明の組成物はまた、歯周ポケット洗浄デバイスなどのターゲティングされた送達ビヒクル、歯周ポケットに配置されたまたはバリア膜として使われたまたは直接歯根に適用されたコラーゲン、エラスチンまたは合成スポンジ、膜または繊維も含む。

【0084】

本発明はまた、*P. gingivalis*の存在の診断方法であって、本明細書に今まで定義した抗体もしくは抗原の任意の1つまたは組合せの使用により特徴づけられ、例えば固相酵素免疫測定法を含む既知の技術の適用を含んでなる前記診断方法も提供する。

【0085】

本明細書全体にわたって、用語「含んでなる (comprise)」、または「含んでなる (comprises)」または「含んでなること (comprising)」などの変形は、規定した要素、完全体 (integer) またはステップ、あるいは要素、完全体またはステップの群を包含するが、いずれの他の要素、完全体またはステップ、あるいは要素、完全体またはステップの群も排除するものでないことを意味すると理解されるであろう。

【0086】

本明細書に含まれている文書、行為、材料、デバイス、物品またはその他のいずれの考察も、単に本発明の背景を提供することを目的とする。それはこれらの事項のいずれかまたは全てが先行技術の基礎の部分形成することまたは本出願の各請求項の優先日前にオーストラリアで存在した本発明に関連する分野の一般常識であったことを自認するとってはならない。

【0087】

本発明の性質がさらに明確に理解されるように、その好ましい形態を以下の実施例を参照して説明することにする。

【0088】

実施例

実施例1 : *P. gingivalis*リコンビナントタンパク質PG32およびPG33ならびにこれらのタンパク質の断片または末端切断物(truncation)のクローニングと分析

(a) *P. gingivalis*末端切断タンパク質のクローニング

PG32(GenBank登録番号AF175714)およびP33(GenBank登録番号AF175715)は、*P. gingivalis*株W50の免疫反応性タンパク質としてすでに説明されている。その完全なDNA配列とタンパク質配列は、PG32についてはそれぞれ配列番号1と3に、またPG33についてはそれぞれ配列番号2と4に与えられている。

【0089】

PG32とPG33リコンビナントタンパク質の両方ならびにこれらのタンパク質の複数の末端切断物(表2)をクローニングして大腸菌(*E. coli*)に発現させた。

【0090】

表2に掲げたオリゴヌクレオチドプライマーを用いて、全長PG32、PG33(それらのリーダー配列は除いて)およびPG32とPG33からの多数の断片を精製*P. gingivalis* W50ゲノムDNAから、Pfu DNAポリメラーゼ(Promega)およびPTC-100サーマルサイクラー(MJ Research)を使ってPCR増幅した。PCR反応は次の条件を用いた: 30サイクルの変性(95℃、1分間)、アニーリング(50℃、2分間)、および伸長(72℃、6分間)。それぞれのPCR産物は、プロテイナーゼK(Boehringer Mannheim)処理し、QIAquick PCR精製キット(Qiagen)を使って精製した。次いでDNAをプライマーが導入した制限酵素部位でEcoRIおよびNotIによって消化した。DNA断片を1%低融点アガロースゲル(Bio-Rad)を介して電気泳動に従って精製し、QIAexIIゲル抽出キット(Qiagen)を使って抽出した。精製DNAを、先にEcoRIおよびNotIを用いて消化しておいたQIAexII精製プラスミド発現ベクターpET24a(+)(Novagen)中に連結した。連結産物をカルシウムコンピテント大腸菌(*E. coli*)BL21 DE3細胞(Stratagene)中に形質転換し、形質転換体を50 µgカナマイシンを含有するLB上で選択した。PG32、PG33およびこれらのタンパク質の末端切断物は、発現されるリコンビナントタンパク質のN末端に融合したヘキサヒスチジンタグを含有するpET24a(+)から発現された。タンパク質発現は、IPTG添加によって誘導され、ニッケルアフィニティクロマトグラフィにより精製された(以下を参照)。

【0091】

【表2】

表2. PG32 および PG33 をコードするヌクレオチド配列またはこれらの遺伝子の部分の増幅に用いたオリゴヌクレオチドプライマー (F=フォワードおよび R=リバース)。aa は、PG32 については配列番号 3 および PG33 については配列番号 4 において与えられたアミノ酸番号を意味する。

| 配列番号 | リコンビナントタンパク質 | F/R | プライマー |
|------|------------------|-----|--|
| 5 | PG32 (aa21-391) | F | 5' CGCAGAATTCCAGGAGAATACTGTACCGGCAACG 3' |
| 6 | | R | 5' CTATGCGGCGGCTTGGACCGAACCATTACAACAC 3' |
| 7 | PG33 (aa22-380) | F | 5' TGCAGAATTCOAAGAAGCTACTACACAGAACAAA 3' |
| 8 | | R | 5' CTATGCGGCGGCTTCCGCTGCAGTCATTACTIONACAA 3' |
| 5 | PG32 (aa21-223) | F | 5' CGCAGAATTCCAGGAGAATACTGTACCGGCAACG 3' |
| 9 | | R | 5' TTTTGGGCGCGCCATCCCCTGGAATCCATT 3' |
| 10 | PG33 (aa22-212) | F | 5' TGCAGAATTCOAAGAAGCTACTACACAGAACAAA 3' |
| 11 | | R | 5' TTTTGGGCGCGCCATTACAGGCAAGTCTGC 3' |
| 12 | PG32 (aa86-223) | F | 5' TTTTGAATTCCTTTCTTTGGAACCTCGT 3' |
| 9 | | R | 5' TTTTGGGCGCGCCATCCCCTGGAATCCATT 3' |
| 13 | PG33 (aa84-212) | F | 5' TTTTGAATTCCTTTATTTCCGTACTCGT 3' |
| 11 | | R | 5' TTTTGGGCGCGCCATTACAGGCAAGTCTGC 3' |
| 5 | PG32 (aa21-152) | F | 5' CGCAGAATTCCAGGAGAATACTGTACCGGCAACG 3' |
| 14 | | R | 5' AAAAGCGGCGGCTTTGTGTTGCTAGCCAAC 3' |
| 10 | PG33 (aa22-150) | F | 5' TGCAGAATTCOAAGAAGCTACTACACAGAACAAA 3' |
| 15 | | R | 5' AAAAGCGGCGGCAATTTATAACCAAATCC 3' |
| 16 | PG32 (aa153-306) | F | 5' TTTTGAATTCATTCATCGGTAGCGAATGG 3' |
| 17 | | R | 5' TTTTGGGCGCGCAATTGATCTTTGTCCAC 3' |
| 18 | PG33 (aa151-285) | F | 5' TTTTGAATTCATAGCGAAAACGCCAA 3' |
| 19 | | R | 5' TTTTGGGCGCGGATACGGAAGTAAACCAC 3' |
| 20 | PG32 (aa191-322) | F | 5' TTTTGAATTCGCTCACTCCAATCTCAAT 3' |
| 21 | | R | 5' AAAAGCGGCGGCTCGTTAGTTTCTTTTAC 3' |

| | | | |
|----|------------------|---|--|
| 22 | PG33 (aa193-310) | F | 5' TTTTGAATTCTTTGCCGGAAAGATGAAC 3' |
| 23 | | R | 5' AAAAGCGGCCCGCTGCGTTGTTGGTCTTCGC 3' |
| 12 | PG32 (aa86-306) | F | 5' TTTTGAATTCCCTTTCTTTGCAACTCGT 3' |
| 17 | | R | 5' TTTTGGCGCCGCCAATTGATCTTTGTCCAC 3' |
| 13 | PG33 (aa84-285) | F | 5' TTTTGAATTCCCTTATTTCCGTTACTCGT 3' |
| 19 | | R | 5' TTTTGGCGCCCGGATACGGAAGTAAACCAC 3' |
| 12 | PG32 (aa86-322) | F | 5' TTTTGAATTCCCTTTCTTTGCAACTCGT 3' |
| 21 | | R | 5' AAAAGCGGCCCGCTCGTTAGTTTCTTTTAC 3' |
| 13 | PG33 (aa84-310) | F | 5' TTTTGAATTCCCTTATTTCCGTTACTCGT 3' |
| 23 | | R | 5' AAAAGCGGCCCGCTGCGTTGTTGGTCTTCGC 3' |
| 16 | PG32 (aa153-322) | F | 5' TTTTGAATTCTTCATCGGTAGCGAATGG 3' |
| 21 | | R | 5' AAAAGCGGCCCGCTCGTTAGTTTCTTTTAC 3' |
| 18 | PG33 (aa151-310) | F | 5' TTTTGAATTCCGATAGCGAAAACGCCAA 3' |
| 23 | | R | 5' AAAAGCGGCCCGCTGCGTTGTTGGTCTTCGC 3' |
| 20 | PG32 (aa191-306) | F | 5' TTTTGAATTCGCTCACTCCAATCTCAAT 3' |
| 17 | | R | 5' TTTTGGCGCCGCCAATTGATCTTTGTCCAC 3' |
| 22 | PG33 (aa193-285) | F | 5' TTTTGAATTCTTTGCCGGAAAGATGAAC 3' |
| 19 | | R | 5' TTTTGGCGCCCGGATACGGAAGTAAACCAC 3' |
| 24 | PG32 (aa224-391) | F | 5' GATCGAATTCGCTACAGCAGGTCTTAATTTCC 3' |
| 6 | | R | 5' CTATGCGGCCCGCTTGGAGCGAACGATTACAACAC 3' |
| 25 | PG33 (aa213-380) | F | 5' GATCGAATTCGCTACAGCAGGTCTAACGTTCAA 3' |
| 8 | | R | 5' CTATGCGGCCCGCTTCCGCTGCAGTCATTACTACAA 3' |
| 26 | PG33 (aa286-380) | F | 5' GATCCGAATTCGAATAGTGCAAAGATTGAT 3' |
| 8 | | R | 5' CTATGCGGCCCGCTTCCGCTGCAGTCATTACTACAA 3' |
| 24 | PG32 (aa224-306) | F | 5' GATCGAATTCGCTACAGCAGGTCTTAATTTCC 3' |
| 17 | | R | 5' TTTTGGCGCCGCCAATTGATCTTTGTCCAC 3' |
| 25 | PG33 (aa213-285) | F | 5' GATCGAATTCGCTACAGCAGGTCTAACGTTCAA 3' |
| 19 | | R | 5' TTTTGGCGCCCGGATACGGAAGTAAACCAC 3' |
| 27 | PG32 (aa281-384) | F | 5' GATCGAATTCACTAAGACAGAAAATATACTGA 3' |
| 28 | | R | 5' TTTTGGCGCCCGCACGATTCCAAGCTTTCTT 3' |
| 29 | PG33 (aa306-372) | F | 5' GATCGAATTCGAAGACCAACAACGCACCGATCA 3' |
| 30 | | R | 5' TTTTGGCGCCCGCACGATTCCAAGCGTTCTC 3' |

【0092】

(b) 大腸菌 (E.coli)におけるリコンビナントタンパク質の発現

単一コロニー形質転換体を用いて、50 µg/mlカナマイシンを含有するLuria-Bertaniブロス (LB) 20mlに接種して、37 °Cで一晩振とうした。次いでこの接種菌を用いて、テリフィック (Terrific) ブロス500ml (リン酸カリウムおよび50 µg

/mlカナマイシンを含有する)に接種して、37℃で吸光度(OD600)が2.0になるまで振とうした。培養物を0.1mM IPTGを用いて誘導した。30℃または37℃で1~4時間の誘導期間後に培養物を、4℃で4000rpmにて10分間遠心分離することによって回収して、ペレットを-70℃で保存してリコンビナントタンパク質の溶解度測定に備えた。

【0093】

(c)リコンビナントタンパク質の溶解度の測定

IPTG誘導後に、r-PG32またはr-PG33タンパク質あるいはそれらの末端切断物の発現レベルと溶解度を評価した。約14mlのリコンビナント大腸菌(E.coli)細胞培養物を遠心分離によりペレット化し、そしてTE pH8.0の1.5mlに再懸濁した。次に細胞を5の設定でマイクロプローブ(Virosonic Digital 475 超音波細胞破碎機、The Virtis社、NY)を使って2 X 10秒間のバーストで超音波処理した。15分間の遠心分離(13,000rpm)後に上清を回収して、これを可溶性画分とした。ペレットを洗浄し、次にTE pH8.0に再懸濁して、これを不溶性画分とした。様々な画分の分析をウェスタンブロット分析とSDS-PAGEを用いて実施した。これらの実験結果を表3に示す。複数の事例では、NOGおよびCHAPSなどの非イオン性洗剤を0.1~1%で超音波処理プロセスに加えて、リコンビナントタンパク質の可溶化を助けた。大規模な発現および精製の目的のために、大腸菌(E.coli)培養物500mlを遠心分離によりペレット化して、1x結合バッファー(5 mMイミダゾール、500nM NaCl、20mM Tris-HCl、pH 7.9)40mlに再懸濁した。次いで細胞を、8の設定のマイクロプローブ(0.5") (Virosonic Digital 475超音波細胞破碎機、The Virtis社、NY)を使って、6 X 10秒バーストで超音波処理した。15分間の遠心分離(13,000rpm)後に、可溶性リコンビナントタンパク質を含有する上清を回収して、以下に概説したように精製した。

【0094】

(d)封入体または不溶性リコンビナントタンパク質の単離と可溶化

全長PG32(配列番号3; 残基21-391)およびPG33(配列番号4; 残基22-380)の事例のようにr-タンパク質が不溶性であるとわかると、リコンビナント大腸菌(E.coli)ペレットを氷上で解凍して結合バッファーに再懸濁し、次いで超音波処

理し、20,000 x gで遠心分離して封入体を回収した。ペレットを結合バッファーに再懸濁し、超音波処理と遠心分離のプロセスを2回以上繰返してさらにタンパク質を遊離させた。次いでペレットを6M尿素を含有する結合バッファーに再懸濁し、氷上で2~3時間攪拌しながらインキュベートして完全にタンパク質を溶解した。39,000 x g、20分間の遠心分離によって残留する不溶性物質を除去した。上清は、カラム精製の前に0.45 µm膜を通して濾過した。

【0095】

(e)ニッケル-ニトリロ三酢酸 (Ni-NTA) 精製とリコンビナントタンパク質のリフォールディング

Ni-NTA金属アフィニティークロマトグラフィを使ってリコンビナントタンパク質をH6タグを介して精製した。簡単に説明すると、タンパク質を平衡化Ni-NTA樹脂 (Qiagen) にバッチ結合させて、これを小カラム中に注いで重力下で未結合タンパク質を溶出した。次にカラムを結合バッファー10mlを用いて洗浄し、次いで洗浄バッファー (60 mMイミダゾール、500mM NaCl、20mM Tris-HCl、pH 7.9) 6mlによって洗浄した。次に結合したタンパク質を、1Mイミダゾール、500mM NaCl、20mM Tris-HCl、pH 7.9を含有するバッファー中に溶出した。可溶化封入体または不溶性リコンビナントタンパク質を精製する場合には、上記バッファーに6M尿素を加えた。

【0096】

(f)リコンビナントタンパク質の再生

尿素を含有しない調製物については、Ni-NTA樹脂からの溶出タンパク質画分をプールした後、痕跡量のイミダゾールを除去するために0.5M Tris-HCl、50mM NaClに対する透析を行った。

【0097】

尿素を含有する調製物については、Ni-NTA樹脂からの溶出タンパク質画分をプールし、そして以下のバッファー (50mM Tris-HCl、0.5M NaClおよび8%グリセロール) に含有される尿素を6Mから4Mへ、2Mへ、0.5Mへ、0Mへと段階的に変えた透析を行ってリフォールディングした。それぞれの異なる尿素濃度において最小2時間の透析を実施した。複数の事例では、透析バッファーに0.5~1%のNOGまたは

0.5%～1%のCHAPSなどの様々な界面活性剤を加えて溶解度を改善した。

【0098】

(g) ポリアクリルアミドゲル電気泳動とウェスタンブロッティング

SDS-PAGEは本質的にNovexによる推奨の通り実施した。サンプルを2 x サンプル還元バッファー (Novex) の等容積と混合し、100 で10分間ボイルし、Tris-グリシン4～20%ゲル (Novex) に適用した。分子量標準 (SeeBlue™) もNovexから購入した。ウェスタンブロットは、電気泳動後に、タンパク質をニトロセルロース上に1時間100ボルトでエレクトロブロッティングして調製した。メンブランを5%のスkimミルク-PBSを用いてブロッキングした後、1/5000に希釈した抗ウサギ抗体と共に、または5%のスkimミルク-PBS中に1/1000に希釈した抗ラット抗体と共にインキュベートした。メンブランをその後洗浄し、ヤギ抗ウサギ-HRPコンジュゲート (KPL) またはヤギ抗マウス-HRPコンジュゲート (KPL) と共にインキュベートし、洗浄し、そしてTMBメンブランペルオキシダーゼ基質 (KPL) を用いて顕色した。

【0099】

実施例2：抗血清

BALB/cマウスに、PG32 (構築物21) 組換えタンパク質20 µgを含むフロイント不完全アジュバント (FIA; Sigma) を2回、3週間隔で投与することによって、精製組換えタンパク質に対するポリクローナル抗血清を産生させた。2回目の投与の1週間後にマウスから採血し、産生された抗血清を用いて、変性および還元条件下で泳動した*P. gingivalis* W50の全体細胞のウェスタンブロットをスクリーニングした。また、ウサギにおいても、*P. gingivalis*全体細胞 (W50株) または*P. gingivalis*細胞 (W50株) のサルコシル不溶性濃縮画分 (グラム陰性生物の外側膜タンパク質を濃縮する方法により) を含むFIAを、3回投与して免疫感作して、抗血清を産生させた。また、ラットにおいても、*P. gingivalis* W50の全体細胞を含むフロイント不完全アジュバントを用いて免疫感作して、抗血清を産生させた。次いでラットに*P. gingivalis*生細胞 (ATCC 33277株) を経口投与してチャレンジし、6週後に採血した。これらのラットは、対照ラットと比較して、チャレンジ後の大白歯周囲の歯槽骨の損失から守られていることを示した。

【0100】

【表3】

表3 PG32およびPG33組換えタンパク質ならびに断片についての溶解度、
発現レベルおよびウェスタンブロット反応性の測定

| # | pET24a (+) 中の 構築物 | 発現 レベル* | タンパク質 サイズ (kDa) | %溶解度 | ウェスタンブロット反応性** | | | |
|----|----------------------|------------|-----------------------|--------|----------------|----|-----|-----|
| | | | | | His6タグ | ヒト | ラット | ウサギ |
| 1 | PG32 (aa21-391) | ++ | 43.8 | 不溶性 | + | - | + | + |
| 2 | PG33 (aa22-380) | + | 43 | 不溶性 | + | - | + | + |
| 3 | PG32 (aa21-223) | ++ | 22.6 | 不溶性 | + | - | - | - |
| 4 | PG33 (aa22-212) | +++ | 21.2 | 不溶性 | + | - | - | - |
| 5 | PG32 (aa86-223) | ++++ | 15.4 | 10% | + | - | - | +/- |
| 6 | PG33 (aa84-212) | + | 14.3 | 不溶性 | + | - | - | + |
| 7 | PG32 (aa21-152) | + | 14.6 | 不溶性 | + | - | - | + |
| 8 | PG33 (aa22-150) | +++++ | 14.3 | 不溶性 | + | - | - | - |
| 9 | PG32 (aa153-306) | ++ | 17.2 | 不溶性 | + | - | - | + |
| 10 | PG33(aa151-285) | + | 15 | 不溶性 | + | - | - | + |
| 11 | PG32 (aa191-322) | +++++ | 14.6 | 10% | + | - | - | +/- |
| 12 | PG33 (aa193-310) | +++ | 10.9 | <5% | + | - | +/- | + |
| 13 | PG32 (aa86-306) | +++++ | 24.6 | 不溶性 | + | - | +/- | + |
| 14 | PG33 (aa84-285) | +++ | 22.4 | 不溶性 | + | - | - | + |
| 15 | PG32 (aa86-322) | ++++ | 26.3 | 不溶性 | + | - | +/- | + |
| 16 | PG33 (aa84-310) | ++++ | 25.2 | 不溶性 | + | - | +/- | + |
| 17 | PG32 (aa153-322) | + | 18.4 | 不溶性 | + | - | - | - |
| 18 | PG33 (aa151-310) | ++++ | 17.7 | 不溶性 | + | - | +/- | + |
| 19 | PG32 (aa181-306) | ++++ | 13 | <5% | + | - | - | + |
| 20 | PG33 (aa193-285) | +++++ | 8.1 | 不溶性 | + | - | +/- | + |
| 21 | PG32 (aa224-391) | +++++ | 18.5 | 10-15% | + | - | + | + |
| 22 | PG33 (aa213-380) | +++++ | 18.6 | 10-15% | + | - | + | + |
| 23 | PG33 (aa286-380) | +++ | 10.5 | <5% | + | - | - | + |
| 24 | PG32 (aa224-306) | +++ | 9.3 | 20% | + | - | - | +/- |
| 25 | PG33 (aa213-285) | +++ | 8.1 | <5% | + | - | - | + |
| 26 | PG32 (aa281-384) | +++++ | 11.4 | 50% | + | - | - | + |
| 27 | PG33 (aa306-372) | ++ | 7.3 | 10% | + | - | - | - |

* 発現レベル； + = 低レベルの発現 ~ +++++ = 極めて高レベルの発現

** ウェスタンブロット反応性； +/- = 低レベルの反応性、+ = 明確な陽性反応性

【0101】

実施例3：マウス病変モデル

10匹の雌のBALB/cマウス(6-8週齢)からなる群を、各組換えタンパク質、PG3

2 (0.5M尿素中に含まれる構築物1)、PG33 (2M尿素中に含まれる構築物2)、PG32断片 (構築物21) およびPG33断片 (構築物22) を用いて、皮下へ免疫感作した (20 µg/投与量)。対照マウスにはホルマリン殺菌 *P. gingivalis* 細胞 (ほぼ 2×10^9)、または大腸菌 (*E. coli*) ライセート (20pg/投与) を、いずれも不完全フロイントアジュバント (Sigma) 中に乳化して与えた。この免疫感作は、尾の基部に皮下注射して与え、*P. gingivalis* によるチャレンジの4週前および1週前に実施した。チャレンジの2日前に、マウスの球後神経叢 (retrobulbar plexus) から採血した。BALB/cマウスに *P. gingivalis* 33277の 7.5×10^8 生細胞を腹部の腹側領域中に皮下注射してチャレンジした。チャレンジ後、7日間にわたって毎日、病変の数とサイズについてマウスを試験した。病変が注射部位周囲のマウス腹部に発生したのでその病変を毎日測定した。

【0102】

図1は、3つの別々の実験で得た結果を示すが、ここで全長r-PG32 (0.5M尿素中に含まれる構築物1; aa21-391) 図1a; および全長r-PG33 (2M尿素中に含まれる構築物2; aa22-380) 図1b; はマウスを免疫感作するのに使用したものであり、さらにr-PG32断片 (PBS中に含まれる構築物21; aa224-391) およびr-PG33断片 (PBS中に含まれる構築物22; aa213-380)、図1cと比較した。対照マウスには、ホルマリン殺菌 *P. gingivalis* 株33277の全体細胞 (FK 33277) または全大腸菌 (*E. coli*) 全体ライセートを与えた。病変サイズの有意な低下が、ホルマリン殺菌 *P. gingivalis* 細胞 (33277株) ならびにr-PG32断片 (PBS中に含まれる構築物21; aa224-391、 $p < 0.01$) およびr-PG33断片 (PBS中に含まれる構築物22; aa213-380、 $p < 0.05$) を用いてワクチン接種した場合のみ得られた。

【0103】

実施例4：酵母におけるPG32 (aa224-391) の発現

PG32断片 (aa224-391) のクローニング。 PG32(構築物21) を、実施例1に概説したようにして、PCR増幅して抽出した。精製したDNAは、先にEcoRIおよびNotIを用いて消化しておいた、QIAexII精製した酵母GST発現ベクター-pYEX4T-1 (Amrad) 中にライゲートした。ライゲーション産物をカルシウムコンピテント大腸菌 (*E. coli*) BL21 DE3 (Stratagene) 中に形質転換し、50 µgアンピシリンを含有す

るLBプレート上で選択した。組換えプラスミドを含有する大腸菌 (*E. coli*) 細胞の単一コロニーをアンピシリンを含有するテリフィック (Terrific) プロスを含む100ml培養中に接種して一夜培養し、そしてそのプラスミドを、酵母中に形質転換する前に、QIAGEN Plasmid Maxiキットを用いて精製した。

【0104】

酵母形質転換。

S. セレビシエ (*S. cerevisiae*) DY150グリセロールストックのサンプルをYPDプレート上にストリークして、30℃で3~4日間放置した。単一コロニーを20ml YPD培地中に接種して、30℃にて24時間振とうした。500 μ l容量の一夜培養物を3000rpmにて5分間、遠心分離にかけ、そのDY150ペレットを1mlのdH₂Oで洗浄した。ペレットを10mg/ml子ウシ胸腺DNA (Sigma) に再懸濁し、それに1 μ gのプラスミドDNAをプレート溶液の500 μ lとともに加えて、その混合物を25℃にて24時間インキュベートした。細胞を3000rpmにて5分間、遠心沈降して、プレート溶液を除去した。酵母を1mlのdH₂Oで洗浄し、YNBSプレート上にプレーティングして30℃にて4~5日間インキュベートした。

【0105】

酵母における小規模発現

単一コロニー形質転換体を5mlのYNBSプロスに接種し、30℃にて48時間振とうした。0.5mlの種菌を5mlの新鮮なYNBSプロスに加え、0.5mM CuSO₄を用いて誘導を行った。30℃にて3時間の誘導期間後に、培養物を遠心分離によって回収し、500 μ lブレーキングバッファー (1mM PMSFおよび10mM E-64を含有、Sigma) に再懸濁した。2.0 mlスクリュウ柱バイアル (Biospec) を、3/4量は0.5 mmガラスビーズ (Biospec) によって満たし、残りの容積は細胞によって満たした。その混合物を、ミニ・ビーズビーター細胞破砕機 (Biospec) 中で30秒 (5,000rpm) × 8回ホモジナイズし、その各作動の間は、氷上で30秒インキュベーションした。ビーズを静置沈降させて、破砕された酵母細胞を回収した。5分間の遠心分離 (3000g) の後、上清を回収し、これを可溶性画分とした。ペレットはブレーキングバッファー中に再懸濁して不溶性画分とした。画分はSDS-PAGEとウェスタンブロット分析を用いて分析した。

【0106】

PG32断片 (aa224-391) の酵母発現の結果を、図2aおよび2bに示した。両図のレーン1は、前染色した分子量マーカー (Novex, SeeBlue) を含有し、レーン2は、GSTだけを発現する破碎組換え酵母から得た上清を含有する。レーン3~7は、PG32遺伝子 (aa224-391) と融合したGSTを含有する破碎酵母細胞の拡張された個々のクローンであって、酵母のコドン使用に対して最適化したPG32遺伝子を含む場合 (レーン3) と含まない場合 (レーン4~7、実施例5を参照) である。メンブランを抗GSTを用いてプローブすると、反応性はGST単独の位置 (レーン2、図2a、ほぼ27.5kDaの位置の矢印を参照) だけで見られることに、GSTがPG32 (aa224-391) と融合したときに見られる特徴的なより高い分子量のバンド (レーン3-7、図2aのほぼ48kDaの位置の矢印に注目) と比較して注目すること。ウェスタンブロットを抗PG32抗血清と反応させると (図2b)、GST単独を発現する酵母 (レーン2) では反応性は見られないが、強い反応性がほぼ46~48kDaの位置 (矢印を参照) で見られるとともに、他のバンドでいくらかの反応性が見られた。融合タンパク質の推定分子量はほぼ46kDaであって、これはレーン3~7の強く染色したバンド (図2b、矢印で示した) と対応する。

【0107】

実施例5：酵母における最適のタンパク質発現のための合成PG32 (aa224-391) の構築とクローニング

合成PG32末端切断型遺伝子 (PG32 aa224-391に対応) を、*S. cerevisiae* の推定上のコドン使用を利用して構築し、*S. cerevisiae* 中の *P. gingivalis* タンパク質の発現を改善した。表4に掲げた2本鎖DNA配列全体をカバーするオリゴヌクレオチドを、酵母中の発現用に高発現バイアスコドンを用いて設計した (Sharp, P.M. および Cowe, E. (1991) *Yeast*. 7, 657-678)。オリゴヌクレオチドプライマーAおよびBを、TaqPlus precision (Stratagene) DNAポリメラーゼを使って、次の条件下でのPCRにより、dsDNA断片に変換した：変性 (96℃、1分間)、アニーリング (53℃、1分間) および伸長 (72℃、2分間) の20サイクルとし、かつ伸長ステップの継続時間をサイクル毎に5秒ずつ増加する (Di Donato, A., de Nigris, M., Russo, N., Di Biase, S. および D'Alessio, G. (1993) *Ana*

lytical Biochemistry. 212, 291-293)。第2のPCRランでは、コア混合物の1/20アリコートをし、コアテンプレート延長に機能するオリゴヌクレオチドプライマーCおよびDと共に使用した。この操作を各プライマー対を使用して繰り返し、最終的に500bp産物を作製した。このPCR産物をプロテイナーゼK (Boehringer Mannheim) 処理し、QIAquick PCR精製キット (Qiagen) を用いて精製し、プライマーにより導入された制限酵素切断部位EcoRIおよびNotIで消化した。DNA断片を、1%低融点アガロースゲル (Bio-Rad) を通す電気泳動によって精製し、QIAexIIゲル抽出キット (Qiagen) を使って抽出した。精製したDNAを、先にEcoRIおよびNotIを用いて消化しておいたQIAexII精製済の酵母GST発現ベクターpYEX4T1 (Amrad) 中にライゲートした。ライゲーション産物をカルシウムコンピテント大腸菌 (*E. coli*) BL21 DE3 (Stratagene) 中に形質転換して、50 μ gアンピシリンを含有するLBプレート上で選択した。コドンを置き換えたインサートが正確であることをDNA配列分析によって確認した。酵母の形質転換とPG32の発現を前に概説した通り実施した。図2は、酵母により発現された、GSTと融合した合成PG32 (aa224-391) の発現および免疫反応性を示す。図2aおよび2bにおいて、レーン3は、酵母により発現された未改変 *P. gingivalis* コドンを含むし、レーン4、5、6、7は、それらのコドンを以上概説したようにして酵母での発現に対して最適化したクローンを含有する。特にPG32に対する抗血清を用いたとき (図2b) の、ほぼ48kD (矢印を参照) のバンドにおける反応性増加によって立証されるように、コドン最適化が行われると、ある程度の発現と免疫反応性の増加があるようである。

【0108】

【表4】

表4 PG32C高発現バイアスコドンに置き換えたDNAを作製するために使用した
多重重複オリゴヌクレオチドプライマー

合成PG32-C用のオリゴヌクレオチド

| <u>オリゴヌクレオチド</u> | <u>DNA配列 (5'→3')</u> | <u>配列番号</u> |
|------------------|--|-------------|
| | AC オーバーラップ | |
| A (62-mer) | <u>GGCTGTTTTGTTTCAGATTCGATTCTCACGTTGTT</u> | 31 |
| | <u>GATAAGGATCAATTGATTAAGTTGTACG</u> | 32 |
| | AB オーバーラップ | |

| | | |
|------------|--|----|
| | BD オーバーラップ | |
| B (57-mer) | <u>GGTTCGTTAGTTTCCTTAACGAATTGAGCAACA</u> | 33 |
| | <u>TCGTACAAGTTAATCAATTGATCC</u> | 34 |
| | BA オーバーラップ | |
| | CE オーバーラップ | |
| C (62-mer) | <u>CCAGAAGTTACTCCAGTTACTAAGACTGAAAA</u> | 35 |
| | <u>CATTTTGACTGAAAAGGCTGTTTTGTTTCAG</u> | 36 |
| | CA オーバーラップ | |
| | DF オーバーラップ | |
| D (61-mer) | <u>GTATTGAGTGTACCAGTTGGATCAGCGTAACC</u> | 37 |
| | <u>AACAACAGTAATTGGTTCGTTAGTTTCC</u> | 38 |
| | DB オーバーラップ | |
| | EG オーバーラップ | |
| E (60-mer) | <u>GAAGTTGAAGAATTGTCTAAGAGACCAGTTTCT</u> | 39 |
| | <u>TGTCCAGAATGTCCAGAAGTTACTCCA</u> | 40 |
| | EC オーバーラップ | |
| | FH オーバーラップ | |
| F (62-mer) | <u>AACATCAACAACAGCCTTAGCTCTTCTTTCAGA</u> | 41 |
| | <u>CAACTTTTCGTTGTATTGAGTGTACCAG</u> | 42 |
| | FD オーバーラップ | |
| | GI オーバーラップ | |
| G (64-mer) | <u>CGTTTGATTAACGATTTGAACGGTCAAATTA</u> | 43 |
| | <u>CAGATTGAGATCTGAAGTTGAAGAATTGTCT</u> | 44 |
| | GE オーバーラップ | |
| | HJ オーバーラップ | |
| H (64-mer) | <u>CGATTCAACAGAAATCAATTCAGATGGAACAC</u> | 45 |
| | <u>CGTACTTACCAGTCAAAAACATCAACAACAGCC</u> | 46 |
| | HF オーバーラップ | |

| | | |
|------------|--|----|
| | IK オーバーラップ | |
| I (54-mer) | <u>GTGCTGTTGGTTTCAACGCTATTGAACCAATGG</u> | 47 |
| | <u>ATTACGCTTTGATTAACGATT</u> | 48 |
| | IG オーバーラップ | |
| | JL オーバーラップ | |
| J (55-mer) | <u>CAAGCCTTCTTAGAGAATGGTTGAGTAGAATCA</u> | 49 |
| | <u>CCCTTCCATTCAACAGAAATCA</u> | 50 |
| | JH オーバーラップ | |
| | <i>EcoRI</i> | |
| K (54-mer) | <u>GATCGAATTCGCTACTGCTGGTTTGAACCTCAG</u> | 51 |
| | <u>ATTGGGTGCTGTTGGTTTCAA</u> | 52 |
| | KI オーバーラップ | |
| | <i>NotI</i> | |
| L (55-mer) | <u>CTATGCGGCCGCTTAGATCTAACAATAACAAC</u> | 53 |
| | <u>TCTGTTCCAAGCCTTCTTAGAGA</u> | 54 |
| | LJ オーバーラップ | |

【0109】

当業者であれば、特定の実施形態に示した本発明に対して、広範囲にわたって記載した本発明の精神または範囲から逸脱することなしに、多数の改変および/または修正をなしうるものが理解されるであろう。従って、本発明の実施形態は、あらゆる点において、説明的なものであって制限するものでないと考えられるべきである。

【図面の簡単な説明】

【図1】

図1は3つの別々の実験から得た結果を示し、ここで、全長r-PG32（構築物1；0.5M尿素中aa21-391）（図1a）および全長r-PG33（構築物2；2M尿素中aa22-380）（図1b）を使ってマウスを免疫感作し、そしてr-PG32（構築物21；PBS中aa224-391）およびr-PG33（構築物22；PBS中aa213-380）の断片（図1c）と比較した。対照マウスにはホルマリン殺菌した*P. gingivalis*株33277全細胞（FK 33277）また

は全大腸菌 (E.coli)ライセートを与えた。

【図2】

図2は、マウスモノクローナル抗GST (B14 ; Santa Cruz Biotechnology) と反応させた12% SDS-PAGEゲル(Novex)のウェスタンブロット (図2a) およびPG32 (a a224-391) を含むFIAを用いて免疫感作したマウスから得た血清と反応させたブロット (図2b) を示す。結合した抗体は、1:2000のヒツジ抗マウスIg-HRP血清 (Silenus) を使ってトレースし、TMB膜ペルオキシダーゼ基質 (KPL) を用いて検出した。

【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110> CSL Limited

<120> Porphyromonas gingivalis recombinant proteins and truncations

<160> 54

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 1173

<212> DNA

<213> Porphyromonas gingivalis

<400> 1

```

atgaaggtaa agtacttaat gctcacattg gttggagcaa ttgcaactgaa cgcaagtgca 60
caggagaata ctgtaccggc aacgggtcag ttaccggcta agaattgttg ttttgcctgc 120
aataaagcag gcagcaattg gtttgaaca ctgcaaggcg gtgttgcaag gcagttcctc 180
aatgacaaca acaacaaga cctcatggac cgcttaggag ccataggttc tctttctgtc 240
ggaaagtatc acagcccttt ctttgcaact cgtttgcaaa ttaacggagg tcaagcccac 300
actttcctcg gaaaaaatgg cgaacaagaa atcaacacca attttgggtg agctcacttc 360
gactttatgt ttgatgtggt taactacttt gcaccatata gcgaaaatcg tttcttccat 420
ttaattccat gggtaggtgt tggctaccaa cacaaattca tcggtagcga atggagcaaa 480
gacaatgtgg aatcactgac ggcgaatgta ggagttatga tggctttcag attaggaag 540
cgagtagact ttgtgatcga agcacaagca gctcactcca atctcaatct aagtcgcgca 600
tacaatgcca agaaaactcc cgtattcgaa gatcccgag gacgttatta caatggattc 660
caggggatgg ctacagcagg tcttaatttc cgctgggag ccgtaggctt caatgccatt 720
ganccaatgg actacgcact tatcaatgat ctgaatggtc agattaaccg tttgcgcagc 780
gaggtcgaag aactctcaaa acgtcctgta tcatgcccg aatgtcctga agtaactcct 840
gttactaaga cagaaaatat actgacggaa aaagctgtac tgttccggtt cgacagccac 900
gtttgtgaca aagatcaatt gatcaacctg tatgacgtag ctcaagttgt aaaagaaact 960
aacgagccga ttaccgttgt tggttatgct gatcctacgg gtaatactca atacaacgag 1020
aaattgtctg agcgtcgggc taaagccggt gttgatgttc tgacaggtaa atatgggtg 1080
ccttccgaat taatctctgt agaattggaag ggcgactcta cgcaaccggt cagcaagaaa 1140
gcttggaaac gtgtttgtaat cgttcgctcc aag 1173

```

<210> 2

<211> 1140

<212> DNA

<213> Porphyromonas gingivalis

<400> 2

```

atgaaagcta aatctttatt attagcactt gcgggtctcg catgcacatt cagtgcaaca 60
gccaaagaag ctactacaca gaacaaagca gggatgcaca ccgcattcca acgtgataag 120
gcctccgatc attggttcat tgacattgca ggtggagcag gtatggctct ctccggatgg 180
aataatgatg tagactttgt agatcgtcta agtatcgttc ctactttcgg tatcggtaaa 240
tggcatgagc cttatttcgg tactcgtctc caattcacag gattcgacat ctatggattc 300
ccgcaaggga gcaaggagcg taaccacaat tactttggaa acgcccacct tgacttcatg 360
ttcgatctga cgaactatth cgggtgatac cgtcccaatc gtgtcttcca tatcatccca 420
tgggcaggta taggatttgg ttataaattc catagcgaaa acgccaatgg tgaaaaagta 480
ggaagtaaag atgatatgac cggaacagtt aatgtcgggt tgatgctgaa attccgccta 540
tcaagagtct tagacttcaa tattgaagga caagcttttg ccggaagat gaactttatc 600
gggacaaaga gaggaagagc agacttccct gtaattggta cagcaggtct aacgttcaac 660
cttggcaaga cagagtggac agaaattggt cctatggact atgctttggt caatgacctg 720
aacaaccaa tcaactcaact tcgcggctcaa gtggaagagt tgagccgctg tcctgtttca 780
tgccctgaat gccctgagcc tacacagcct acagttactc gtgtagtctg tgacaatgtg 840
gtttacttcc gtatcaatag tgcaaaagatt gatcgtaatc aagaaatcaa tgtttacaat 900
acagctgaat atgcgaagac caacaacgca ccgatcaagg tagtaggtta cgctgacgaa 960
aaaaccggta ctgcggccta taacatgaag ctttcagagc gtcgtgcaaa agcggtagcc 1020
aagatgcttg aaaagtatgg tgtttctcgg gatcgcatta caattgaatg gaagggtc 1080
tcagagcaaa tctatgaaga gaacgcttgg aatcgtattg tagtaatgac tycagcggaa 1140

```

<210> 3
 <211> 390
 <212> PRT
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 3
 Met Lys Val Lys Tyr Leu Met Leu Thr Leu Val Gly Ala Ile Ala Leu
 1 5 10 15
 Asn Ala Ser Ala Gln Glu Asn Thr Val Pro Ala Thr Gly Gln Leu Pro
 20 25 30
 Ala Lys Asn Val Ala Phe Ala Arg Asn Lys Ala Gly Ser Asn Trp Phe
 35 40 45
 Val Thr Leu Gln Gly Gly Val Ala Ala Gln Phe Leu Asn Asp Asn Asn
 50 55 60
 Asn Lys Asp Leu Met Asp Arg Leu Gly Ala Ile Gly Ser Leu Ser Val
 65 70 75 80
 Gly Lys Tyr His Ser Pro Phe Phe Ala Thr Arg Leu Gln Ile Asn Gly
 85 90 95
 Gly Gln Ala His Thr Phe Leu Gly Lys Asn Gly Glu Gln Glu Ile Asn
 100 105 110
 Thr Asn Phe Gly Ala Ala His Phe Asp Phe Met Phe Asp Val Val Asn
 115 120 125
 Tyr Phe Ala Pro Tyr Arg Glu Asn Arg Phe Phe His Leu Ile Pro Trp
 130 135 140
 Val Gly Val Gly Tyr Gln His Lys Phe Ile Gly Ser Glu Trp Ser Lys
 145 150 155 160
 Asp Asn Val Glu Ser Leu Thr Ala Asn Val Gly Val Met Met Ala Phe
 165 170 175
 Arg Leu Gly Lys Arg Val Asp Phe Val Ile Glu Ala Gln Ala Ala His
 180 185 190
 Ser Asn Leu Asn Leu Ser Arg Ala Tyr Asn Ala Lys Lys Thr Pro Val
 195 200 205
 Phe Glu Asp Pro Ala Gly Arg Tyr Tyr Asn Gly Phe Gln Gly Met Ala
 210 215 220
 Thr Ala Gly Leu Asn Phe Arg Leu Gly Ala Val Gly Phe Asn Ala Ile
 225 230 235 240
 Pro Met Asp Tyr Ala Leu Ile Asn Asp Leu Asn Gly Gln Ile Asn Arg
 245 250 255
 Leu Arg Ser Glu Val Glu Glu Leu Ser Lys Arg Pro Val Ser Cys Pro
 260 265 270
 Glu Cys Pro Glu Val Thr Pro Val Thr Lys Thr Glu Asn Ile Leu Thr
 275 280 285
 Glu Lys Ala Val Leu Phe Arg Phe Asp Ser His Val Val Asp Lys Asp
 290 295 300

Gln Leu Ile Asn Leu Tyr Asp Val Ala Gln Phe Val Lys Glu Thr Asn
 305 310 315 320
 Glu Pro Ile Thr Val Val Gly Tyr Ala Asp Pro Thr Gly Asn Thr Gln
 325 330 335
 Tyr Asn Glu Lys Leu Ser Glu Arg Arg Ala Lys Ala Val Val Asp Val
 340 345 350
 Leu Thr Gly Lys Tyr Gly Val Pro Ser Glu Leu Ile Ser Val Glu Trp
 355 360 365
 Lys Gly Asp Ser Thr Gln Pro Phe Ser Lys Lys Ala Trp Asn Arg Val
 370 375 380
 Val Ile Val Arg Ser Lys
 385 390

<210> 4
 <211> 380
 <212> PRT
 <213> Porphyromonas gingivalis

<400> 4
 Met Lys Ala Lys Ser Leu Leu Leu Ala Leu Ala Gly Leu Ala Cys Thr
 1 5 10 15
 Phe Ser Ala Thr Ala Gln Glu Ala Thr Thr Gln Asn Lys Ala Gly Met
 20 25 30
 His Thr Ala Phe Gln Arg Asp Lys Ala Ser Asp His Trp Phe Ile Asp
 35 40 45
 Ile Ala Gly Gly Ala Gly Met Ala Leu Ser Gly Trp Asn Asn Asp Val
 50 55 60
 Asp Phe Val Asp Arg Leu Ser Ile Val Pro Thr Phe Gly Ile Gly Lys
 65 70 75 80
 Trp His Glu Pro Tyr Phe Gly Thr Arg Leu Gln Phe Thr Gly Phe Asp
 85 90 95
 Ile Tyr Gly Phe Pro Gln Gly Ser Lys Glu Arg Asn His Asn Tyr Phe
 100 105 110
 Gly Asn Ala His Leu Asp Phe Met Phe Asp Leu Thr Asn Tyr Phe Gly
 115 120 125
 Val Tyr Arg Pro Asn Arg Val Phe His Ile Ile Pro Trp Ala Gly Ile
 130 135 140
 Gly Phe Gly Tyr Lys Phe His Ser Glu Asn Ala Asn Gly Glu Lys Val
 145 150 155 160
 Gly Ser Lys Asp Asp Met Thr Gly Thr Val Asn Val Gly Leu Met Leu
 165 170 175
 Lys Phe Arg Leu Ser Arg Val Val Asp Phe Asn Ile Glu Gly Gln Ala
 180 185 190
 Phe Ala Gly Lys Met Asn Phe Ile Gly Thr Lys Arg Gly Lys Ala Asp

<210> 8
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 8
 ctatgcggcc gcttcgctg cagtcattac ttacaa 36

 <210> 9
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 9
 ttttgcggcc gccatcccct ggaatccatt 30

 <210> 10
 <211> 34
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 10
 tgcagaattc caagaagcta ctacacagaa caaa 34

 <210> 11
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 11
 ttttgcggcc gccattacag ggaagtctgc 30

 <210> 12
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 12
 ttttgaattc cctttctttg caactcgt 28

 <210> 13
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 13
 ttttgaattc ccttatitcg gtactcgt 28

 <210> 14
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 14
 aaaagcggcc gctttgtggt ggtagccaac 30

 <210> 15

<211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 15
 aaaagcggcc gcgaatttat aaccaaattcc 30

 <210> 16
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 16
 ttttgaattc ttcacggtta gcgaatgg 28

 <210> 17
 <211> 29
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 17
 ttttgccggc gcccaattgat ctttgtcca 29

 <210> 18
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 18
 ttttgaattc catagcgaaa acgccaa 27

 <210> 19
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 19
 ttttgccggc gcgatacggg agtaaaccac 30

 <210> 20
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 20
 ttttgaattc gctcactcca atctcaat 28

 <210> 21
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 21
 aaaagcggcc gcctcgtag tttcttttac 30

 <210> 22
 <211> 28

<212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 22
 ttttgaattc tttgccgga agatgaac 28

 <210> 23
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 23
 aaaagcggcc gctgcgttgt tggctttcgc 30

 <210> 24
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 24
 gatcgaattc gctacagcag gtcttaattt cc 32

 <210> 25
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 25
 gatcgaattc gctacagcag gtctaacggtt caa 33

 <210> 26
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 26
 gatccgaatt cgaatagtgc aaagattgat 30

 <210> 27
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 27
 gatcgaattc actaagacag aaaatatact ga 32

 <210> 28
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis

 <400> 28
 ttttgcggcc gcacgattcc aagctttctt 30

 <210> 29
 <211> 32
 <212> DNA

<213> Porphyromonas gingivalis
 <400> 29
 gatcgaattc aagaccaaca acgcaccgat ca 32

<210> 30
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Porphyromonas gingivalis
 <400> 30
 ttttgcggcc gcacgattcc aagcgttctc 30

<210> 31
 <211> 34
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide
 <400> 31
 ggctgttttg ttcagattcg attctcacgt tgtt 34

<210> 32
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide
 <400> 32
 gataaggatc aattgattaa ctgtacg 28

<210> 33
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide
 <400> 33
 ggttcgtag tttccttaac gaattgagca aca 33

<210> 34
 <211> 24
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide
 <400> 34

| | |
|--|----|
| tcgtacaagt taatcaattg atcc | 24 |
| <210> 35 | |
| <211> 32 | |
| <212> DNA | |
| <213> Artificial Sequence | |
| <220> | |
| <223> Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide | |
| <400> 35 | |
| ccagaagtta ctccaggtac taagactgaa aa | 32 |
| <210> 36 | |
| <211> 30 | |
| <212> DNA | |
| <213> Artificial Sequence | |
| <220> | |
| <223> Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide | |
| <400> 36 | |
| caatttgact gaaaggctg tttgttcag | 30 |
| <210> 37 | |
| <211> 33 | |
| <212> DNA | |
| <213> Artificial Sequence | |
| <220> | |
| <223> Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide | |
| <400> 37 | |
| gtattgagtg ttaccagttg gatcagcgta acc | 33 |
| <210> 38 | |
| <211> 28 | |
| <212> DNA | |
| <213> Artificial Sequence | |
| <220> | |
| <223> Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide | |
| <400> 38 | |
| aacaacagta attggttcgt tagtttcc | 28 |
| <210> 39 | |
| <211> 33 | |
| <212> DNA | |
| <213> Artificial Sequence | |
| <220> | |
| <223> Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide | |

<400> 39
gaagttgaag aattgtctaa gagaccagtt tct 33

<210> 40
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 40
tgtccagaat gtccagaagt tactcca 27

<210> 41
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 41
aacatcaaca acagccttag ctcttctttc aga 33

<210> 42
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 42
caacttttcg ttgtattgag tgttaccag 29

<210> 43
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 43
cgctttgatt aacgattga acgtcaaat taa 33

<210> 44
<211> 31
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 44
 cagattgaga tctgaagttg aagaattgtc t 31

<210> 45
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide

<400> 45
 ccattcaaca gaaatcaatt cagatggaac ac 32

<210> 46
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide

<400> 46
 cgtacttacc agtcaaaaca tcaacaacag cc 32

<210> 47
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide

<400> 47
 gtgctggttg tttcaacgct attgaaccaa tgg 33

<210> 48
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:
 Oligonucleotide

<400> 48
 attacgcttt gattaacgat t 21

<210> 49
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Description of Artificial Sequence:

Oligonucleotide

<400> 49
caagccttct tagagaatgg ttgagtagaa tca 33

<210> 50
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 50
cccttccatt caacagaaat ca 22

<210> 51
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 51
gatcgaattc gctactgctg gtttgaactt cag 33

<210> 52
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 52
attgggtgct gttggtttca a 21

<210> 53
<211> 32
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

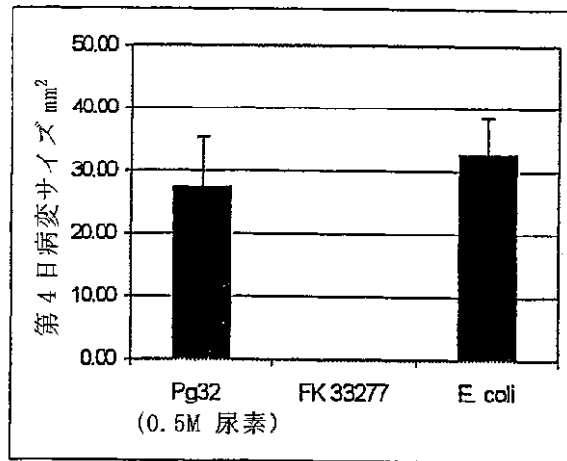
<400> 53
ctatgaggcc gcttagatct aacaataaca ac 32

<210> 54
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

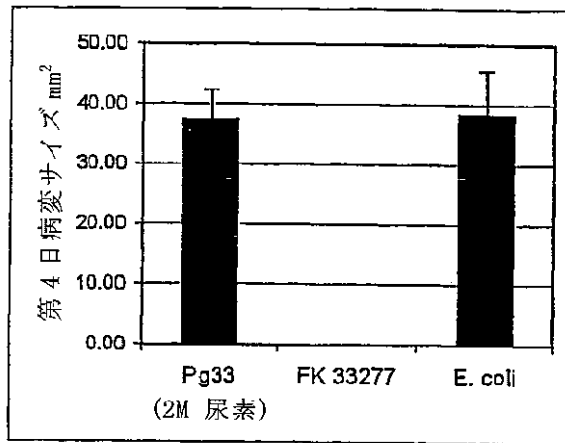
<220>
<223> Description of Artificial Sequence:
Oligonucleotide

<400> 54
tctgttccaa gccttcttag aga 23

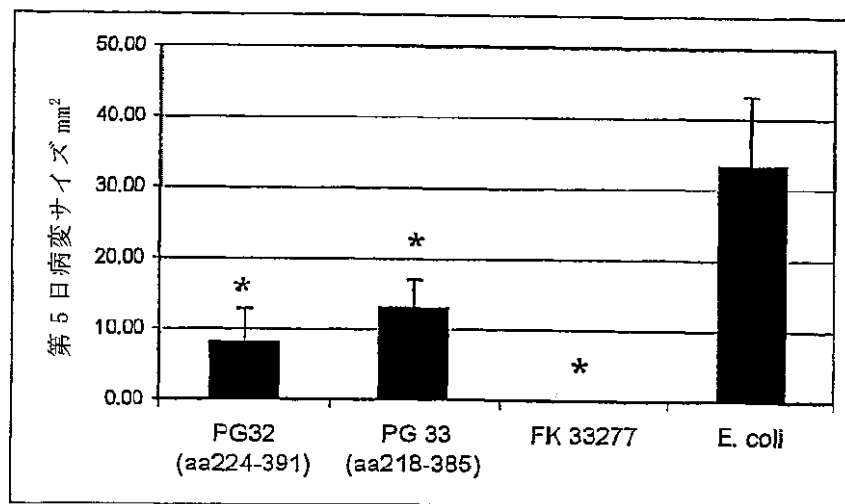
【図1】



a

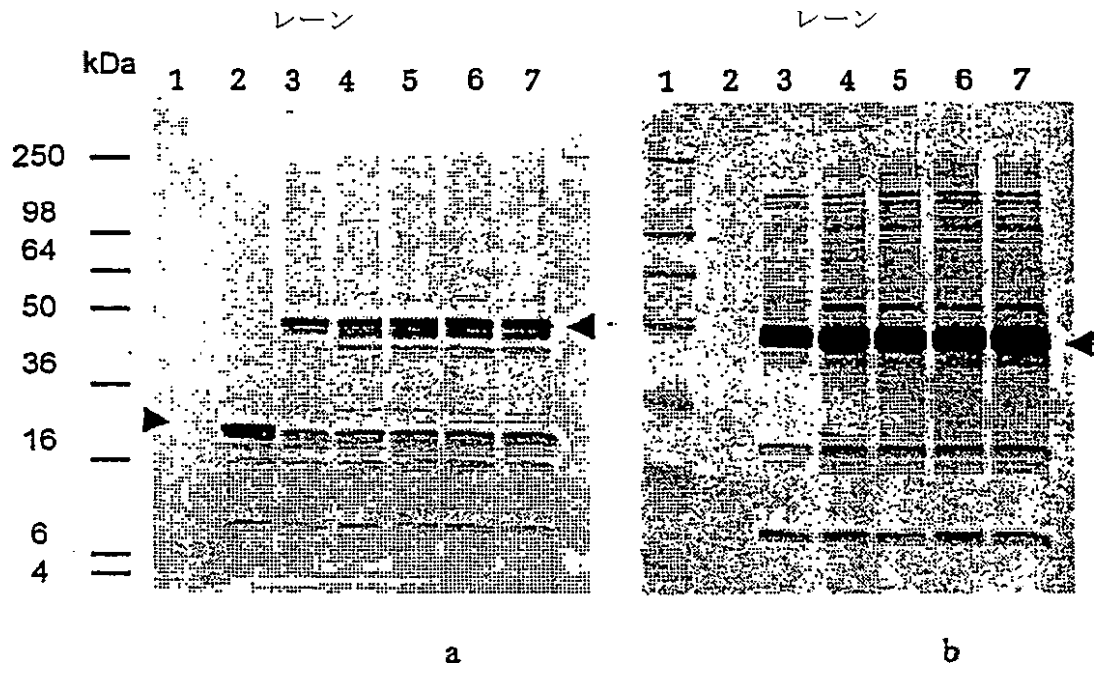


b



c

【図2】



【國際調查報告】

| INTERNATIONAL SEARCH REPORT | | International application No. PCT/AU01/00482 |
|---|---|--|
| A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER | | |
| Int. Cl. ⁷ : C07K 14/195, 16/12; C12N 15/11; A61K 39/02; A61P 1/02 | | |
| According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC | | |
| B. FIELDS SEARCHED | | |
| Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) | | |
| Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched | | |
| Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) ANGIS SEQUENCE SEARCH: sequences 3 and 4. | | |
| C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT | | |
| Category* | Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages | Relevant to claim No. |
| X | WO 99/29870 (CSL LIMITED) 17 June 1999, See in particular sequence ID 434, 437, 447 | 1-20 |
| <input type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C <input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex | | |
| * Special categories of cited documents: | | |
| "A" | document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance | "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention |
| "E" | earlier application or patent but published on or after the international filing date | "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone |
| "L" | document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) | "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art |
| "O" | document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means | "Z" document member of the same patent family |
| "P" | document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed | |
| Date of the actual completion of the international search 12 June 2001 | | Date of mailing of the international search report 22 June 2001 |
| Name and mailing address of the ISA/AU AUSTRALIAN PATENT OFFICE PO BOX 200, WODEN ACT 2606, AUSTRALIA E-mail address: pct@ipaustralia.gov.au Facsimile No. (02) 6285 3929 | | Authorized officer K. LEVER Telephone No : (02) 6283 2254 |

INTERNATIONAL SEARCH REPORT
Information on patent family members

International application No.
PCT/AU01/00482

This Annex lists the known "A" publication level patent family members relating to the patent documents cited in the above-mentioned international search report. The Australian Patent Office is in no way liable for these particulars which are merely given for the purpose of information.

| Patent Document Cited in Search Report | | Patent Family Member | |
|--|----------|----------------------|----------|
| WO | 99/29870 | AU | 16487/99 |
| | | EP | 1037999 |
| END OF ANNEX | | | |

フロントページの続き

| (51)Int.Cl. ⁷ | 識別記号 | F I | テ-マコ-ト'(参考) | |
|--------------------------|--------|---------|-------------|-----------|
| A 6 1 P | 1/02 | A 6 1 P | 31/04 | 4 H 0 4 5 |
| | 31/04 | C 0 7 K | 14/195 | |
| C 0 7 K | 14/195 | | 16/12 | |
| | 16/12 | | 19/00 | |
| | 19/00 | C 1 2 N | 1/15 | |
| C 1 2 N | 1/15 | | 1/19 | |
| | 1/19 | | 1/21 | |
| | 1/21 | C 1 2 P | 21/02 | C |
| | 5/10 | G 0 1 N | 33/53 | D |
| C 1 2 P | 21/02 | | 33/569 | F |
| G 0 1 N | 33/53 | C 1 2 N | 15/00 | Z N A A |
| | 33/569 | | 5/00 | A |

(81)指定国 EP(AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AP(GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZA, ZW

(72)発明者 ロス, ブルース, カーター
 オーストラリア国 3058 ヴィクトリア
 州, コバ-グ, ケルソン ストリート 32

Fターム(参考) 4B024 AA01 AA11 AA13 BA61 BA80
CA01 CA03 CA06 DA06 DA12
EA04 FA10 FA20 GA11 GA19
HA01

4B064 AG01 BA14 BE01 BH09 CA02
CA06 CA19 CC24 CE02 CE07
CE12 DA01 DA08 DA13 DA15

4B065 AA01Y AA26X AA80X AB01
BA02 BA25 BD01 BD04 BD09
BD15 BD18 CA24 CA44 CA46

4C084 AA13 ZA67 ZB35

4C085 AA03 AA13 BA15 BB11 BB31
CC07 CC21 DD88 EE01 EE06
FF24

4H045 AA10 AA11 AA20 AA30 BA10
BA41 CA11 DA75 DA86 EA20
EA22 EA31 EA50 EA52 FA73
FA74 GA01 GA15 GA22 GA26
HA05 HA31

| | | | |
|----------------|---|---------|------------|
| 专利名称(译) | <无法获取翻译> | | |
| 公开(公告)号 | JP2003531634A5 | 公开(公告)日 | 2008-06-05 |
| 申请号 | JP2001580954 | 申请日 | 2001-04-27 |
| [标]申请(专利权)人(译) | CSL有限公司 | | |
| 申请(专利权)人(译) | CS萨尔瓦多有限公司 | | |
| 当前申请(专利权)人(译) | CS萨尔瓦多有限公司 | | |
| [标]发明人 | パールイアンジョージ チャジコウスキーラリッサ ロスブルースカーター | | |
| 发明人 | パール,イアン,ジョージ チャジコウスキー,ラリッサ ロス,ブルース,カーター | | |
| IPC分类号 | C12N15/09 A61K39/00 A61K39/39 A61K39/395 A61K48/00 A61P1/02 A61P31/04 C07K14/195 C07K16/12 C07K19/00 C12N1/15 C12N1/19 C12N1/21 C12P21/02 G01N33/53 G01N33/569 C12N5/10 | | |
| CPC分类号 | A61K38/00 Y10S530/806 Y10S530/825 A61K39/00 C07K14/195 C07K16/1203 A61P1/02 | | |
| FI分类号 | C12N15/00.ZNA.A A61K39/00.H A61K39/39 A61K39/395.R A61K48/00 A61P1/02 A61P31/04 C07K14/195 C07K16/12 C07K19/00 C12N1/15 C12N1/19 C12N1/21 C12P21/02.C G01N33/53.D G01N33/569.F C12N5/00.A | | |
| F-TERM分类号 | 4B024/AA01 4B024/AA11 4B024/AA13 4B024/BA61 4B024/BA80 4B024/CA01 4B024/CA03 4B024/CA06 4B024/DA06 4B024/DA12 4B024/EA04 4B024/FA10 4B024/FA20 4B024/GA11 4B024/GA19 4B024/HA01 4B064/AG01 4B064/BA14 4B064/BE01 4B064/BH09 4B064/CA02 4B064/CA06 4B064/CA19 4B064/CC24 4B064/CE02 4B064/CE07 4B064/CE12 4B064/DA01 4B064/DA08 4B064/DA13 4B064/DA15 4B065/AA01Y 4B065/AA26X 4B065/AA80X 4B065/AB01 4B065/BA02 4B065/BA25 4B065/BD01 4B065/BD04 4B065/BD09 4B065/BD15 4B065/BD18 4B065/CA24 4B065/CA44 4B065/CA46 4C084/AA13 4C084/ZA67 4C084/ZB35 4C085/AA03 4C085/AA13 4C085/BA15 4C085/BB11 4C085/BB31 4C085/CC07 4C085/CC21 4C085/DD88 4C085/EE01 4C085/EE06 4C085/FF24 4H045/AA10 4H045/AA11 4H045/AA20 4H045/AA30 4H045/BA10 4H045/BA41 4H045/CA11 4H045/DA75 4H045/DA86 4H045/EA20 4H045/EA22 4H045/EA31 4H045/EA50 4H045/EA52 4H045/FA73 4H045/FA74 4H045/GA01 4H045/GA15 4H045/GA22 4H045/GA26 4H045/HA05 4H045/HA31 | | |
| 优先权 | 2000PQ7182 2000-04-28 AU | | |
| 其他公开文献 | JP2003531634A JP5209166B2 | | |

摘要(译)

本发明涉及衍生自PG32和PG33的可溶性牙龈卟啉单胞菌多肽和编码这些多肽的多核苷酸。牙龈卟啉单胞菌多肽和核苷酸治疗或预防被称为牙周疾病的病症或与牙龈卟啉单胞菌感染相关的其他病症的严重性，以在受试者中引发针对牙龈卟啉单胞菌的免疫应答。或者，它可以用于还原的组合物中。

