

(19)日本国特許庁 (J P)

(12) **公表特許公報** (A) (11)特許出願公表番号

特表2003 - 516113

(P2003 - 516113A)

(43)公表日 平成15年5月13日 (2003.5.13)

(51) Int. Cl ⁷	識別記号	F I	テ-マコード* (参考)
C 1 2 N 15/09	ZNA	A 6 1 K 39/02	4 B 0 2 4
A 6 1 K 38/00		A 6 1 P 1/00	4 B 0 6 3
39/02		29/00	4 B 0 6 4
A 6 1 P 1/00	171	35/00	4 C 0 8 4
29/00		C 0 7 K 14/195	4 C 0 8 5

審査請求 未請求 予備審査請求 (全102数) 最終頁に続く

(21)出願番号 特願2000 - 618320(P2000 - 618320)

(86)(22)出願日 平成12年5月11日(2000.5.11)

(85)翻訳文提出日 平成13年11月13日(2001.11.13)

(86)国際出願番号 PCT/AU00/00437

(87)国際公開番号 W000/069904

(87)国際公開日 平成12年11月23日(2000.11.23)

(31)優先権主張番号 60/133,973

(32)優先日 平成11年5月13日(1999.5.13)

(33)優先権主張国 米国(US)

(71)出願人 ファイザー プロダクツ インコーポレー
ティッド
アメリカ合衆国、コネティカット州 0634
0、グロトン、イースタン ポイント ロー
ド 無番地

(71)出願人 アグリカルチュア ビクトリア サービシ
ーズプロプライエトリー リミティッド
オーストラリア国、ビクトリア州 3049、
アトウッド、ミクラム ロード 475番地

(74)代理人 弁理士 高橋 健

最終頁に続く

(54)【発明の名称】 ローソニア由来の遺伝子及び関連 F l g E ポリペプチド、ペプチド及びタンパク質並びにそれらの使用

(57)【要約】

本発明は一般にローソニア・イントラセルラリス又は類似の若しくは他の類縁微生物により惹起され若しくは再燃された動物及び鳥の腸疾患状態の治療及び/又は予防のための治療用組成物に関する。特に、本発明は、動物宿主におけるローソニア・イントラセルラリス及び関連する病原体に対する体液性免疫を付与するためのワクチン調製における抗原としてとりわけ有用な免疫原性 F l g E ペプチド、ポリペプチド又はタンパク質をコードするローソニア・イントラセルラリス由来の新規な遺伝子を提供する。本発明はこのような腸疾患状態の治療法及び/又は予防法にも関し、そしてローソニア・イントラセルラリス又は類似の若しくは他の類縁微生物を検出するための診断薬及び診断方法にも関する。

【特許請求の範囲】

【請求項1】 ローソニア・スピーシーズ (*Lawsonia* spp.) の F l g E ポリペプチドの B 細胞エピトープ若しくは T 細胞エピトープを含み、これらを模倣し若しくはこれらと交差反応する、単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項2】 鳥若しくはブタ動物に投与するとローソニア・スピーシーズに対する抗体の産生を誘発できる、請求項1記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項3】 鳥若しくはブタ動物に投与するとローソニア・スピーシーズに対する防御的免疫応答を付与できる、請求項1記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項4】 該ローソニア・スピーシーズが L . イントラセルラリス (*L. intracellularis*) である、請求項2記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項5】 該ローソニア・スピーシーズが L . イントラセルラリスである、請求項3記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項6】 下記のもの、即ち

(i) 配列番号 : 1 に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約 6 0 % の配列同一性を有するアミノ酸配列を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、

(ii) ローソニア・スピーシーズ F l g E ポリペプチドの B 細胞エピトープ若しくは T 細胞エピトープを模倣する (i) の同族体、類似体若しくは誘導体、から選択される単離され、若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項7】 ブタ若しくは鳥動物においてローソニア・スピーシーズに対する抗体の産生を誘発できる、請求項6記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項8】 ブタ若しくは鳥動物においてローソニア・スピーシーズに対する防御的免疫応答を付与できる、請求項7記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項9】 ブタ若しくは鳥動物においてローソニア・スピーシーズに対する体液性免疫を誘発できる、請求項8記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項10】 ブタ動物においてローソニア・スピーシーズに対する体液性免疫を誘発できる、請求項9記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項11】 ローソニア・スピーシーズがL・イントラセルラリスである、請求項8記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項12】 該ローソニア・スピーシーズがL・イントラセルラリスである、請求項10記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項13】 配列番号：1に記載のアミノ酸配列、又はpALK11(ATCC207156)のFlgEをコードするヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列を含み、且つ鳥若しくはブタ動物に投与するとローソニア・イントラセルラリスに対する抗体の産生を誘発できる、請求項6記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項14】 配列番号：1のアミノ酸配列若しくはpALK11(ATCC207156)のFlgEをコードするヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列から本質的に成る、請求項13記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項15】 ブタ若しくは鳥動物においてローソニア・イントラセルラリスに対する防御的免疫応答を誘発できる請求項13又は請求項14記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項16】 ブタ動物においてローソニア・イントラセルラリスに対する防御的免疫応答を誘発できる、請求項15記載の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチド。

【請求項17】 ローソニア・スピーシーズによる動物感染の予防又は治療のためのワクチン組成物であって、配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有する免疫原性成分、又はローソニア・イントラセルラリスと免疫学的に交差反応性を有する免疫原性のそれらの同族体

、類似体、若しくは誘導體、及び獣医学的若しくは医学的使用に適する一つ以上の担体、希釈剤若しくはアジュバントを含むワクチン組成物。

【請求項18】 ローソニア・スピーシーズがL・イントラセルラリスである、請求項17記載のワクチン組成物。

【請求項19】 該免疫原性成分が、配列番号：1に記載のアミノ酸配列又はpALK11(ATCC207156)のFlgEをコードするヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列を含む単離され若しくは組換えられたポリペプチドを含むものである、請求項18記載のワクチン組成物。

【請求項20】 該免疫原性成分が、本質的に配列番号：1のアミノ酸配列から成るものである、請求項19記載のワクチン組成物。

【請求項21】 ローソニア・スピーシーズによる動物感染の予防又は治療のための組合せワクチン組成物であって、

(i) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有する単離され若しくは組換えられたポリペプチド又はローソニア・イントラセルラリスと免疫学的に交差反応性を有するその免疫原性の同族体、類似体若しくは誘導體を含む第一の免疫原性成分、

(ii) L・イントラセルラリスの抗原性ペプチド、ポリペプチド若しくはタンパク質を含む第二の免疫原性成分、及び

(iii) 獣医学的又は医学的使用に適する一つ以上の担体、希釈剤若しくはアジュバント、を含むワクチン組成物。

【請求項22】 ブタ若しくは鳥類動物に投与されると、免疫原性ポリペプチドがローソニア・スピーシーズに対する免疫性を付与するのに十分なレベルで発現されうるように、配列番号：1に記載のアミノ酸配列を含む単離され若しくは組換えられた該免疫原性ポリペプチドをコードするヌクレオチド配列を有する単離された核酸分子を、発現可能な形で、含むワクチンベクター。

【請求項23】 該免疫原性ポリペプチドが下記の工程、即ち

(i) 配列番号：2に記載のヌクレオチド配列、又はその縮重変異体、それに少なくとも約60%の配列同一性を有するその同族体、類似体若しくは誘導體を

含む単離された核酸分子を、プロモーター配列と機能しうる結合状態に置く工程、

(ii) 工程(a)の単離された核酸分子及びプロモーター配列をワクチンベクター中に導入する工程、及び

(iii) 該核酸分子によりコードされる免疫原性ポリペプチドの発現が起こるのに十分な時間及び条件の下で該ワクチンベクターをインキュベートし、生育させ、又は増殖させる工程、

により発現されるものである、請求項22記載のワクチンベクター。

【請求項24】 ローソニア・スピーシーズがL・イントラセルラリスである、請求項23記載のワクチンベクター。

【請求項25】 ローソニア・スピーシーズから誘導され、且つ配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有するF1gEポリペプチド又はF1gEポリペプチドの誘導体に特異的に結合できるポリクローナル抗体分子若しくはモノクローナル抗体分子。

【請求項26】 該F1gEポリペプチド若しくはその誘導体が配列番号：1に記載のアミノ酸配列を含むものである、請求項25記載の抗体分子。

【請求項27】 ローソニア・イントラセルラリス若しくはそれに免疫学的交差反応性を有する微生物によるブタ若しくは鳥動物の感染を診断する方法であって、該動物から得られる生体試料を、抗原-抗体複合体が形成するのに十分な時間及び条件の下で請求項25記載の抗体分子と接触させる工程、及び次いで該複合体の形成を検出する工程を含む方法。

【請求項28】 該生体試料がブタ動物由来の全血清、リンパ節、回腸、盲腸、小腸、大腸、糞又は直腸標本を含むものである、請求項27記載の方法。

【請求項29】 ブタ若しくは鳥動物が、ローソニア・イントラセルラリス若しくはそれに免疫学的交差反応を示す微生物に過去に感染し、又は現在感染しているか否かを同定する方法であって、該動物由来の血液若しくは血清を、抗原-抗体複合体が形成するのに十分な時間及び条件の下で請求項1の免疫原性ポリペプチドと接触させる工程、及び次いで該複合体形成を検出する工程を含む方法。

。

【請求項30】 下記のもの、即ち

(i) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、

(ii) ローソニア・スピーシーズのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを模倣する(i)の同族体、類似体若しくは誘導体、から成る群より選択されるペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチドをコードするヌクレオチド配列又はコードする核酸分子に相補的な配列を含む単離された核酸分子。

【請求項31】 該ペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチドが配列番号：1に記載のアミノ酸配列又はpALK11(ATCC207156)のFlgEをコードするヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列、又はそのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを含むものである、請求項30記載の単離された核酸分子。

【請求項32】 配列番号：2に記載されたヌクレオチド配列又はそれに相補的なヌクレオチド配列、又はその縮重変異体を含む、請求項31記載の単離された核酸分子。

【請求項33】 本質的に配列番号：2のヌクレオチド配列又はその縮重変異体から成る、請求項32記載の単離された核酸分子。

【請求項34】 ブタ若しくは鳥動物被験体から得た生体試料中のローソニア・イントラセルラリス又は類縁微生物を検出する方法であって、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列又はそれに相補的なヌクレオチド配列から誘導される一つ以上のプローブ又はプライマーを該試料とハイブリダイズさせる工程、及び次いで検出手段を用いて該ハイブリダイゼーションを検出する工程を含む方法。

【請求項35】 該生体試料がブタ動物から得た全血清、リンパ節、回腸、盲腸、小腸、大腸、糞又は直腸標本を含むものである、請求項34記載の方法。

【請求項36】 該検出手段が任意の核酸に基づくハイブリダイゼーション反応又は増幅反応を含むものである、請求項34記載の方法。

【請求項37】 配列番号：2又はそれに相補的なヌクレオチド配列から得

られる長さが少なくとも約15の連続したヌクレオチドを有するプローブ又はプライマー。

【請求項38】 pALK11と命名されたプラスミド(ATCC受託番号207156)。

【請求項39】 該第二免疫原性成分が、OmpH、SodC、ヘモリシン及びオートリシンから成る群より選択されるL・イントラセルラリスの抗原性ペプチド、ポリペプチド又はタンパク質を含むものである、請求項21記載の組合せワクチン。

【発明の詳細な説明】

【0001】

発明の分野

本発明は、一般的に、ローソニア・イントラセルラリス若しくは同類の微生物若しくは他の類縁の微生物により動物及び鳥類で惹起され又は悪化させられる腸の病状を治療する及び/又は予防する治療用組成物に関する。具体的には、本発明は、ローソニア・イントラセルラリスに由来し且つ免疫原のペプチド、ポリペプチド又はタンパク質をコードする新規な遺伝子を提供する。本明細書に記載されF1gEと名付けられたポリペプチド、又はそのペプチドの同族体、類似体、若しくは誘導体は、動物宿主中のローソニア・イントラセルラリス及び類縁の病原菌に対する体液免疫を付与するためのワクチン調製において抗原として特に有用である。本発明は、このような腸の疾病状態の治療方法及び/又は予防方法、並びにローソニア・イントラセルラリス又は同類の微生物又は他の類縁の微生物を検出するための診断薬及び診断方法にも関する。

【0002】

一般

本明細書中、数字で言及される刊行物の書誌的詳細は、本明細書の最後に集められている。本明細書で引用される全ての特許、特許出願、及び刊行物は参照によりその全体がインコーポレートされる

【0003】

以下の本明細書で「ローソニア・イントラセルラリス (Lawsonia intracellularis)」又はその略語の「L. イントラセルラリス (L. intracellularis)」についての言及は、スティルス (1991) 又はジョーンズら (1997) 又はローソンら (1993) 又はマックオリストら (1995) により記載されたように、この微生物に同類の又は他の類縁の微生物全てを包含する。

【0004】

本明細書で用いられるとき、「f1gE」という単語又は「f1gE 遺伝子」という用語は、本発明の鞭毛フックタンパク質ポリペプチドをコードする遺伝子を指すものと解釈されるべきである。用語「F1gEポリペプチド」は本発明の

鞭毛フックタンパク質を指すものと理解すべきである。

【0005】

本明細書で用いられるとき、「に由来する」という用語は、明記される生産物、とりわけペプチド、ポリペプチド、タンパク質、遺伝子若しくは核酸分子などの高分子、抗体分子、Ig画分、又は他の高分子、又は該高分子を含む生物試料が、特定の起源、生物、組織、器官又は細胞から得られうるが、必ずしも直接的にこの起源、生物、組織、器官又は細胞から得られるわけではないことを示していると解釈されるべきである。

【0006】

本明細書を通して、文脈が他の意味を要求しない限り、「含む(comprise)」という単語、又は「含む(comprises)」若しくは「含む(comprising)」などの変形は、明記した工程若しくは要素若しくは整数又は工程若しくは要素若しくは整数の群の包含を意味するが、任意の他の工程若しくは要素若しくは整数又は要素若しくは整数の群の排除を意味するわけではないと理解されるべきである。

【0007】

当業者は、本明細書に記載された本発明が具体的に記載されたもの以外の変形及び修飾を受け入れる余地があることを理解するであろう。本発明はこのようあらゆる変形及び修飾を包含することが理解されるべきである。本発明は、この明細書中で言及した又は示した工程、特性、組成物及び化合物の全てをも個別に又は集合的に包含し、そして該工程、特性、組成物及び化合物の任意の又は任意の二つ以上の組み合わせ及びあらゆる組み合わせをも包含する。

【0008】

本発明は、単に説明を意図して本明細書に記載される具体的な実施態様によって範囲が限定されるべきではない。本明細書に記載されるような機能的に等価な産物、組成物及び方法は、明らかに本発明の範囲内にはいる。

【0009】

発明の背景

農産業の食肉製造分野は家畜類の健康に依存するものであり、人の消費用に無病の家畜類を維持する必要性がある。この産業は、潜在的に人間に伝染しうる病

気を含む、家畜類に悪影響を及ぼす疾病状態並びにそれに起因する食肉製品の品質に反応して急速な経済的下落を被る。従って、家畜動物及び人における感染又は潜在的な感染を処置するために利用できる十分に確立された治療法及び予防法及び診断法を持つことが重要である。

【0010】

ブタ及び鳥類の種に由来する食肉産物は農産物の重要な商品である。特に、ブタは食肉産業の主要部門を形成する。しかしながら、ブタはブタ増殖性腸症（PPE）とひとまとめに呼ばれる広範囲スペクトルの腸の病気に罹りやすい。これらの病気は、腸腺腫複合症（intestinal adenomatosis complex、バーカーとファン・ドルメール、1985）、ブタ腸腺腫症（PIA）、壊死性腸炎（necrotic enteritis、ローランドとローソン、1976）、増殖出血性腸症（proliferative haemorrhagic enteropathy、ラブとラブ、1977）、局所性回腸炎（regional ileitis、ジョンソンとマーティンソン、1976）、出血性腸症候群（haemorrhagic bowel syndrome、オニール、1970）、ブタ増殖性腸炎（porcine proliferative enteritis）及びカンピロバクター・スピーシーズ誘導性腸炎（*Campylobacter* spp-induced enteritis、ストロー、1990）として以前から知られている。

【0011】

PPEには二つの主要な型がある。一つは成長遅延及び軽症の下痢を度々惹起する腸腺腫症に代表される非出血型であり、もう一つは遠位の小腸腔が血液でうっ積する増殖出血性腸症（PHE）に代表され、しばしば死に至る出血型である。PPEは、鳥類（メイソンら、1998）、並びにブタ（マックオリストラ、1993）、ハムスター（スティルス、1991）、白イタチ（フォックスら、1989）、モルモット（エルウェルら、1981）、ウサギ（シュオデブとフォックス、1990）を含む幾つかの動物種で報告されてきた。

【0012】

PPEの原因となる生物は、本明細書で「ローソニア・イントラセルラリス」と呼ばれるカンピロバクター様の生物である（マックオリストラ、1995）。この生物は以前は回腸共生性イントラセルラリス（ileal symbiont intracellularis）とも呼ばれてきた（スティルス、1991）。ブタのPPEに似た病気はカンピロ

バクターの多様な種など他の病原菌によっても惹起されうる（ゲブハートら、1983）。

【0013】

ローソニア・イントラセルラリスは細胞内細菌であり、おそらく絶対的細胞内細菌である。これはインビトロでは組織培養細胞と共にのみ培養できる（ジョーンズら、1997、ローソンら、1993、マックオリストら、1995、国際特許出願PCT/US96/09576）。L・イントラセルラリスは感染した動物の絨毛細胞及び腸陰窩細胞の細胞質に局在する。PPEに罹っているブタは上皮細胞の形成異常を伴う該絨毛細胞及び腸陰窩構造の異常により特徴付けられる。この場合、該絨毛及び腸陰窩が分岐状になり炎症細胞で満ちるにつれ陰窩膿瘍が形成される。

【0014】

PPEは、とりわけ頭数の損失、医療費、ブタの成長速度の低下及び飼料費の増加の点で、養豚産業と関連する重要な損害要素である。PPEは、例えば抗生物質残留物の混入を処理する際の上乗せされる労働費及び環境費用において、並びに該生物が他の動物又は人に伝えられる又は運ばれるのを防止するための管理手段などにおいて、下流部門の間接費用をも増大させる。

【0015】

現在のPPEについての制御戦略は抗生物質の使用に頼っている。しかしながら、このような戦略は、とりわけ政府の規制圧力が抗生物質の予防的使用を伴う畜産の実施を諦めさせる傾向にあるため、短期的から中期的なものであるに過ぎないと考えられる。従って、抗生物質の使用に替わる、効果的で、安全で且つ低コストの代替法を開発する必要があり、特に、ローソニア・イントラセルラリスの感染に対する防御的免疫を家畜動物に付与できるワクチン調製物を開発する必要がある。

【0016】

最も効果的なワクチン調製物は、一般的に、該ワクチンが標的とする病原生物に由来するペプチド、ポリペプチド、タンパク質又は他の高分子などの抗原性が高い成分から構成されている。該抗原性成分は、感染しやすい宿主動物に投与さ

れた際にほとんど又は全く禁忌を生じず、そして該宿主動物の腸管又は他の組織の正常な微生物叢の一部である非病原性生物などの望ましい生物と抗原交差反応性をほとんどか又は全く生じない。要約すると、効果的なワクチン調製物は、免疫原性があり、特異的であり且つ安全なものでなければならない。

【0017】

従って、ローソニア・イントラセルラリス細菌により生産される免疫原性の高い抗原を同定する必要がある。

【0018】

国際特許出願PCT/AU96/00767は、幾つかのL・イントラセルラリスの部分遺伝配列、及びそれによりコードされる部分ポリペプチドを記載している。しかしながら、改良されたワクチン組成物を使用するために、属又は種に特異的な免疫原を含む、L・イントラセルラリス細菌により生産されるポリペプチド免疫原及びそれに由来する免疫原性ペプチドを更に同定する必要がある。ここに記載される発明はこのような免疫原を提供する。

【0019】

発明の概要

本発明の一つの側面は、ローソニア・スピーシーズに由来するFlgEポリペプチドのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを含み、これらを模倣し若しくはこれらと交差反応する、単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチドである。この単離された若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチドは、下記のもの、即ち

(i) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、

(ii) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列の少なくとも約5つの連続したアミノ酸を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、又は

(iii) ローソニア・スピーシーズのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを模倣する(i)又は(ii)の同族体、類似体若しくは誘導体、から成る群より選択されることが好ましい。

【0020】

好ましい実施態様において、該ポリペプチドは配列番号：1のアミノ酸配列を含み、又は本質的に該配列から成るものである。

【0021】

本発明の更なる側面は、L・イントラセルラリス若しくは同類の微生物若しくは他の類縁の微生物によるブタ若しくは鳥などの動物の感染を予防し又は治療するためのワクチン組成物を提供する。このワクチン組成物は、配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有する又は配列番号：1に由来する少なくとも五つの連続したアミノ酸を含む単離され若しくは組換えられたポリペプチドを含む免疫原性成分、又はL・イントラセルラリスと免疫学的に交差反応する免疫原性のそれらの同族体、類似体、若しくは誘導体の免疫学的有効量を含み、且つ獣医学的若しくは医学的使用に適する一つ以上の担体、希釈剤及び/若しくはアジュバントを含む。

【0022】

好ましい実施態様において、該ワクチン組成物のポリペプチドは、配列番号：1のアミノ酸配列を含み又はその配列から本質的に成るものである。

【0023】

本発明の更なる側面は、本発明の免疫原性ポリペプチドに結合できる抗体又は抗体断片などの免疫学的に相互作用する分子に及ぶ。

【0024】

本発明の更なる側面は、ローソニア・イントラセルラリス若しくは類縁の微生物による動物の感染を診断する方法を提供する。この方法は、該動物から得られる生体試料を、抗原-抗体複合体などの複合体が形成するのに十分な時間及び条件の下で本発明の免疫学的に相互作用する分子と接触させる工程、及び次いで該複合体の形成を検出する工程を含む。

【0025】

本発明の更なる側面は、動物が、ローソニア・イントラセルラリス若しくは類縁の微生物により過去に感染したか又は現在感染しているかどうかを決定する方法を意図する。この方法は、該動物由来の組織又は血液若しくは血清などの流体

試料を、抗原 - 抗体複合体などの複合体が形成するのに十分な時間及び条件の下で本発明の免疫原性ポリペプチドと接触させる工程、及び次いで該複合体形成を検出する工程を含む。

【0026】

本発明の更なる側面は、下記のもの、即ち

(i) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、

(ii) 配列番号：1に由来する少なくとも約五つの連続したアミノ酸を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、又は

(iii) ローソニア・スピーシーズのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを模倣する(i)又は(ii)の同族体、類似体若しくは誘導体、から選択されるペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチドをコードするヌクレオチド配列又はコードする核酸分子に相補的な配列を含む単離された核酸分子を提供する。

【0027】

好ましい実施態様において、単離された該核酸分子は、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列であって、その全て又は一部に対して少なくとも約60%の配列同一性を有するもの、又はそれらの縮重変異体を含む。

【0028】

本発明の更なる側面は、動物被験体から得た生体試料中のローソニア・イントラセルラリス又は類縁の微生物を検出する診断方法を提供する。この方法は、配列番号：2に記載されたヌクレオチド配列又はそれに相補的なヌクレオチド配列又はそれらの同族体、類似体若しくは誘導体に由来する一つ以上のポリヌクレオチド又はオリゴヌクレオチドのプロブ又はプライマーを該試料とハイブリダイズさせる工程、及び次いで検出手段を用いて該ハイブリダイゼーションを検出する工程を含む。本発明のこの側面の検出手段は任意の核酸に基づくハイブリダイゼーション又は増幅反応である。

【0029】

本発明の更なる側面は、配列番号：2又はそれに相補的なヌクレオチド配列に由来する単離されたプローブ又はプライマーを提供する。

【0030】

発明の詳細な説明

本発明に至る研究において、本発明者らは、ブタ及び鳥類を含む動物におけるPPEの予防用及び治療用のワクチンで使用するためのローソニア・イントラセルラリスの免疫原性タンパク質を特定しようと努めた。

【0031】

従って、本発明の一つの側面は、ローソニア・スピーシーズに由来するFlgEポリペプチドのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを含み、これらを模倣し若しくはこれらと交差反応する、単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチドに向けられている。

【0032】

ローソニア・スピーシーズのエピトープは、B細胞エピトープ又はT細胞エピトープでありうる。抗体結合部位(B細胞エピトープ)が高次構造エピトープであるだけでなく直鎖状エピトープをも含むことはよく知られている(ファン・レジェンモルテル、1992)。B細胞エピトープは大部分が高次構造的である。対照的に、T細胞は大部分がMHCクラスII分子と結合した直鎖状エピトープの配列を認識する。

【0033】

ローソニア・スピーシーズのエピトープの正確な特定及び慎重な選択により、ローソニア感染の効果的な治療又は予防のための診断試薬及びワクチン組成物の開発が促進される。エピトープの特定及び特性決定(即ち、ローソニア・スピーシーズのエピトープの分子量、アミノ酸配列、及び構造の決定)は、技術認知された技法を用いて実施されうる。高次構造的エピトープの検出のためには、該エピトープの二次構造が著しく変化する場合、抗原抗体反応は減少するので、三次元構造を保存するために該エピトープ分子の分解及び変性を回避しなければならない。実際、直鎖状で非高次構造的のエピトープの特性決定及び単離はより容易である。何故ならその免疫反応性領域はある範囲の条件下で精製できる単一のペ

プチド断片又は単一のアミノ酸配列の中に含まれるからである。

【0034】

非高次構造型エピトープ及び高次構造型エピトープは両方共、ローソニア・スピーシーズ及び特にL・イントラセルラリス又はこれらに由来する単離されたポリペプチドに対し免疫化した又はこれらで感染させた動物の血清から得られる検出可能な量の抗体(IgM又はIgGなど)への結合能力、または該血清に由来する精製されたIg画分における検出可能な量の抗体への結合能力により同定されうる。該抗体は、ポリクローナル血清のプールから得られ若しくは該プール内に含まれうる、又はモノクローナル抗体でありうる。ファージディスプレイライブラリー内などのバクテリオファージ又はウイルス粒子の表面上に発現するもの等の抗体断片又は組換え抗体も使用しうる。

【0035】

T細胞エピトープの決定は、末梢血リンパ球又はT細胞クローンの増殖を誘導する該エピトープペプチドの能力を分析することにより実施される。T細胞エピトープの同定は、全長及び断片の天然又は組換えの抗原タンパク質の使用並びにより一般的に用いられる「重複ペプチド」法を含む、当分野で知られる種々の方法を用いて遂行される。後者の方法では、ローソニア・スピーシーズに由来するポリペプチドの全配列にわたる重複ペプチド類が合成され、インビトロでのT細胞障害性応答又は増殖性応答を刺激するそれらの能力について試験される。

【0036】

非直鎖状で高次構造型のエピトープ及び非高次構造型で直鎖状のエピトープの両方の構造決定は、核磁気共鳴分光法(NMR)及びX線結晶分析により実施されうる。X線技術を用いるエピトープの決定は結晶化されたタンパク質-抗体複合体を必要とし、一方、NMRは液体状の該複合体を分析できる。NMRはアミノ酸量及び異なるアミノ酸残基の近傍のプロトン量を測定するだけでなくアミノ酸の量をも測定する。この方法では、この炭素骨格に沿った二つのプロトンの交互の効果が特定のエピトープの特徴となる。

【0037】

非高次構造型で直鎖状のエピトープを認識するための巧い方法は免疫プロット

、とりわけウェスタンブロットである。ペプチドは、トリプシン又はキモトリプシンなどの部位特異的プロテアーゼでの消化により完全長のローソニア・スピーシーズのポリペプチドから作製されうる。これにより作製されたペプチドは標準的な電気泳動法又はクロマトグラフィー法を用いて分離できる。例えば、SDS/PAGE (SDS/ポリアクリルアミドゲル電気泳動)を用いて分子量に従って電気泳動させた後、及び/又はIEF (等電点電気泳動)を用いて等電点に従って電気泳動させた後、または代わりに二次元電気泳動による電気泳動後、該ペプチドはナイロン膜又はニトロセルロース膜に転移して固定し完全体の該ポリペプチドに対して作成した血清とインキュベートできる。免疫原性領域を含むペプチド (即ちB細胞エピトープ又はT細胞エピトープ) は血清中の抗体と結合し、この結合した抗体は放射能又は酵素で標識された、抗IgG抗体などの二次抗体を用いて検出されうる。次いで、該エピトープは、とりわけ、サイズ排除クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィー、アフィニティークロマトグラフィー又はELISAなどの技術の一つ以上を用いて、そのサイズ、電荷、又は完全なポリペプチドに対する抗体に特異的に結合する能力に基づいて精製することにより特性決定されうる。該エピトープを精製した後、唯一つのバンド又は点がゲル電気泳動で検出できるはずである。該ペプチドのN末端配列決定又は全配列決定により、データベースの既知タンパク質と該ペプチドとを比較することが可能となる。

【0038】

現在、タンパク質のT細胞エピトープについて調べるため、幾つかのコンピュータ駆動アルゴリズムが考案されている (マルガリートら, 1987、ヴァジャとシイ・デリシ, 1990、アルツヴィアら, 1994、パーカーら, 1994、デグローツら, 1995、ガブリエルら, 1995、マイスターら, 1995)。これらのアルゴリズムは、免疫原性ペプチドに共通すると考えられる特性について所与のタンパク質のアミノ酸配列を調べ、インビトロで細胞の免疫応答を誘導しそうな領域を位置決定する。コンピュータ駆動アルゴリズムは、エピトープを含み且つ異なる単離体の中でもほとんど変化しないローソニア・スピーシーズのポリペプチドの領域を同定できる。または、コンピュータ駆動アルゴリズムは多価ワクチンに含まれる各単

離体のより変化しうるタンパク質の領域を迅速に同定できる。

【0039】

T細胞エピトープの周期性に基づいたAMPHIアルゴリズム(マルガリートら、1987)は、配列情報のみからT細胞抗原部位を予測するために広く使用されてきた。本質的に、MHC結合モチーフ(即ち、特定のMHC分子に結合するペプチドの大部分に共通しているように見えるアミノ酸のパターン)がアルファラセンと同じ周期性を示すようであるので、AMPHIはMHC結合モチーフの共通の構造パターンを描く。アミノ酸配列中のMHC結合モチーフの位置決定によるT細胞エピトープの同定は、診断検定において免疫原性エピトープを同定する効果的な手段を提供する。

【0040】

EpiMerアルゴリズム(マイスターら、1995、ガブリエルら、1995、デグローツら、1995)は、種々のMHC分子に結合する能力(種々雑多の又は多決定基の結合基)及びこれらの種々のMHC文脈においても同様に免疫応答を誘発する能力(種々雑多の又は多決定基のエピトープ)を有しうるペプチドとMHC結合モチーフの密な領域との間の相関関係に基づいて、タンパク質のアミノ酸配列におけるクラスターとなったMHC結合モチーフの位置決定をする。このEpiMerアルゴリズムは、多様な遺伝的背景をもつ患者に免疫応答を誘導する潜在能力を有するタンパク質内の抗原部位を予測するために、多重のクラスI及びクラスIIのHLA対立遺伝子についてMHC結合モチーフのライブラリーを使用する。EpiMerは、所与のタンパク質抗原の一次配列内における個々のMHC結合モチーフとの合致点を位置決定する。これらのモチーフ合致点の相対密度が該抗原の長さに沿って決定され、モチーフ-密度ヒストグラムが作製される。最終的に、このアルゴリズムは、アルゴリズムで定義された遮断密度値よりも高いモチーフ合致密度を、このヒストグラムのタンパク質領域と同定し、これらのクラスター領域又はモチーフに富んだ領域を示す部分配列の表を作成する。EpiMerにより選択されるこの領域は、それらのMHC結合モチーフ合致濃度によって、同一抗原から無作為に選択されたペプチドとしてより多決定基結合性ペプチドとして作用することがより確実であるらしい。MHC結合モチーフが密な領

域の選択により、この予測されたペプチドが「有効な」モチーフを含む蓋然性、並びに更に同一モチーフの反復がペプチド結合に寄与しうる蓋然性が増大する。

【0041】

MHC結合モチーフに基づく更なるアルゴリズムは、パーカーら(1994)及びアルツヴィアら(1994)により記載されている。これらのアルゴリズムでは、所与のMHC分子への結合は、経験的に定められたパラメータに基づいて、各位置にある残基の直鎖状の機能により予測され、アルツヴィアら(1994)のアルゴリズムの場合には、既知の結晶構造も考慮に入れられうる。

【0042】

組換え法は、診断試薬及びエピトープに特異的なワクチン製剤を生産するためによく特性決定された高純度のエピトープを得る機会を提供する(モハパトラら、1995)。直鎖状エピトープのアミノ酸配列及びそれをコードする対応するヌクレオチド配列の同定に基づいて、cDNAから該エピトープをコードする領域を増幅するためにポリメラーゼ連鎖反応(PCR)が実施されうる。適切なベクター/宿主系でのクローニング及び発現の後、大量の高純度エピトープを抽出できる。従って、本発明は、明らかに、単離された非組換えポリペプチド及び不純形若しくは単離形の組換えポリペプチドの両方に及ぶ。

【0043】

本明細書で用いられる「ポリペプチド」という用語は、共有結合により結合したアミノ酸から成る任意のポリマーを指すと解釈されるべきであり、その範囲内には、全長のタンパク質並びにそれらの一部又は断片、例えばオリゴペプチド、及び少なくとも約5アミノ酸残基、好ましくは少なくとも約10アミノ酸残基、より好ましくは少なくとも約12アミノ酸残基、更により好ましくは少なくとも約15アミノ酸残基から成る短いペプチド配列等が含まれる。また、「ポリペプチド」の定義の範囲内には、例えば、その免疫原性、診断試薬としての用途、又は中でもローソニア・スピーシーズに対するペプチドワクチンとしての有効性など、該ポリペプチドの少なくとも一つの本質的な特性を改変することのない、一つ以上の好ましくはアミノ酸の同類置換、欠失、又は挿入を含むアミノ酸配列の変異体も含まれる。従って、ポリペプチドは天然の起源から単離してもよく、化

学的に合成してもよい。さらに、ポリペプチドは、中でも、CNBr、トリプシン、又はキモトリプシンなどの試薬を用いて化学的又は酵素的な切断により全長タンパク質から誘導することもできる。

【0044】

アミノ酸同類置換は当分野でよく知られている。例えば、本発明の天然の鞭毛フックタンパク質の一つ以上のアミノ酸残基は、同類の電荷、サイズ又は極性のアミノ酸残基で保存的に置換でき、得られるポリペプチドは本明細書に記載されるワクチン又は診断試薬として機能する能力を保持している。このような置換を行う通則にはデイホッフ(1978)により記載されたものが含まれる。より具体的には、アミノ酸同類置換は一般的にそれらの側鎖に関連するアミノ酸のファミリー内で起こる置換である。遺伝的にコードされたアミノ酸は、通常四つのグループ、即ち(1)酸性=アスパラギン酸塩、グルタミン酸塩、(2)塩基性=リシン、アルギニン、及びヒスチジン、(3)非極性=アラニン、バリン、ロイシン、イソロイシン、プロリン、フェニルアラニン、メチオニン、及びトリプトファン、並びに(4)非荷電の極性=グリシン、アスパラギン、グルタミン、システイン、セリン、トレオニン、及びチロシンに分類される。フェニルアラニン、チロシン及びトリプトファンはともに芳香族アミノ酸としても分類される。例えば、イソロイシン若しくはバリンをロイシンで置換、又はグルタミン酸塩をアスパラギン酸塩で又はセリンをトレオニンで、又は任意の他のアミノ酸残基を構造的に関連するアミノ酸残基で置換など、任意の特定のグループ内での一つ以上の置換は、一般に、得られるポリペプチドの機能にそれほど影響を及ぼさない。

【0045】

本発明は、この免疫原の起源により制限されるものではなく、天然又は非天然で生じる起源に由来する単離されたポリペプチド及び組換えられたポリペプチドにも明らかに及ぶ。

【0046】

本明細書で用いられる「組換えポリペプチド」という用語は、ポリペプチドをコードする、適切なプロモーターの制御下にある遺伝子配列の発現であって、該発現を達成するために遺伝子操作が実施されたものによりインビトロ又は宿主細

胞で生産されるポリペプチドを指すと解釈されるべきである。従って、「組換えポリペプチド」という用語は、明らかに、原核細胞又は真核細胞、組織又は器官内に導入されたウイルスベクター、コスミド又はプラスミドに含まれる遺伝子配列の発現により生産されるポリペプチドを包含する。この文脈で用いられうる遺伝子操作は当業者に知られており、核酸の単離、制限エンドヌクレアーゼ消化、エキソヌクレアーゼ消化、大腸菌DNAポリメラーゼIのクレノウ断片若しくはT4DNAポリメラーゼ酵素を用いる末端充填、T4DNAポリメラーゼ若しくはエキソIII酵素を用いるDNA分子の平滑末端化、部位特異的突然変異誘発、連結、及び増幅反応が含まれるが、これらに限定されるわけではない。当業者に知られるように、所望の組換えポリペプチドをコードする核酸分子及び該核酸分子を含む遺伝子構築物の同一性を確認する際に、核酸のハイブリダイゼーション及びヌクレオチド配列分析などの更なる技術も組換えポリペプチドの調製で利用されうる。

【0047】

本発明のポリペプチドが組換えポリペプチドである場合、これは組換えウイルスベクター発現系又は宿主細胞内で生産され、必要ならば、それらから単離されうる。関連分野の熟練者に知られているように、組換えポリペプチドを生産するための細胞は、考慮中の該ポリペプチドを発現するために使用される遺伝子構築物、並びに該ポリペプチドの安定性及び活性を含む幾つかのパラメータに基づいて選択される。組換えポリペプチドの安定性又は活性は、例えば中でもグリコシル化、アシル化又はアルキル化の反応などの該ポリペプチドへの翻訳後修飾により少なくとも部分的に決定されうる。該修飾は該組換えポリペプチドを生産するために使用される細胞系統間で変わりうる。

【0048】

従って、より具体的に好ましい実施態様において、本発明は、ウイルス粒子内に存在する、又は原核若しくは真核の宿主細胞、又はそれらのウイルス培養若しくは細胞培養で生産される、組換えポリペプチド又はその誘導體、同族体若しくは類似体に及ぶ。

【0049】

本発明は、ローソニア属に属する細菌細胞、特にL・イントラセルラリスの細胞、又はその培養物中で生産される前述の実施態様のいずれかの組換えポリペプチドにも及ぶ。

【0050】

「単離されたポリペプチド」という用語は、その天然起源から、又は非天然で生じるポリペプチドの場合、それがその中で生産された培養液又は細胞環境から、ある程度まで、好ましくはタンパク質の少なくとも約20重量%まで、好ましくはタンパク質の少なくとも約50重量%まで、より好ましくはタンパク質の少なくとも約60重量%まで、更により好ましくはタンパク質の少なくとも約70重量%まで、更により好ましくはタンパク質の少なくとも約80重量%又はそれ以上まで精製された本発明のポリペプチドを指す。このような単離は、本発明のポリペプチドの免疫原性を改良するため、又は該ポリペプチドに対する免疫応答の特異性を改良するため、又は毒性の若しくは望ましくない夾雑物をそれらから除去するために実施されうる。単離されたポリペプチドの純度の必要な又は要求される程度は該ポリペプチドが意図される目的に応じて変化し、多くの適応では、宿主動物、特にPPEに対して免疫化されるブタ若しくは鳥動物に投与される場合、該ポリペプチドの免疫原性を低減しうる、又はPPE若しくはその原因物質を診断するための免疫検定法において免疫特異的結合を阻害しうる、夾雑物を該ポリペプチド調製物が含まない程度で十分なものである。

【0051】

本発明の単離されたポリペプチドの純度は、SDS/ポリアクリルアミドゲル電気泳動、2次元電気泳動、又はアミノ酸の組成分析若しくは配列分析により評価されるタンパク質調製物の均質性の度合いを含む、当業者に知られる任意の手段により決定されうる。

【0052】

本発明のポリペプチドは、SDS/ポリアクリルアミドゲル電気泳動、2次元電気泳動、又はアミノ酸の組成分析若しくは配列分析により評価されるとき、実質的に均質である又は実質的に非特異的タンパク質を含まないことが好ましい。

【0053】

本発明のポリペプチドは、当業者に知られる任意の方法又はそれらの組み合わせ、例えば中でも逆相クロマトグラフィー、HPLC、イオン交換クロマトグラフィー、及びアフィニティークロマトグラフィーにより、ワクチン組成物の一成分として使用するために精製できる。

【0054】

好ましい実施態様において、本発明の単離され又は組換えられたポリペプチドは、例えばL・イントラセルラリスなどの細菌中で鞭毛フックタンパク質として機能し、又は鞭毛フックタンパク質から誘導され、又は代替的に本発明のL・イントラセルラリス鞭毛フックタンパク質であるFlgEと免疫学的に交差反応する。

【0055】

特に好ましい実施態様において、本発明の単離され又は組換えられたポリペプチドは、ローソニア・スピーシーズ又はPPEの発症及び/又は進行に関連する他の病原体に由来し、そして当該ポリペプチドはローソニア・イントラセルラリスに由来することがより好ましい。

【0056】

FlgEポリペプチドのB細胞エピトープ又はT細胞エピトープ又はその誘導体、同族体若しくは類似体は、下記のもの任意の組み合わせを含みうる。

- (i) 連続的な非高次構造型エピトープとして当分野で知られる、FlgEポリペプチドの一次アミノ酸配列、
- (ii) 連続的な高次構造型エピトープとして当分野で知られる、FlgEポリペプチドが採る二次構造、
- (iii) 非連続的な高次構造型エピトープとして当分野で知られる、同一のポリペプチド分子の別の領域と接触してFlgEポリペプチドが採る三次構造、又は
- (iv) 非連続的な高次構造型エピトープとして当分野で知られる、別のポリペプチド分子の領域と接触してFlgEポリペプチドが採る四次構造。

【0057】

従って、同一の又は実質的に同一の一次アミノ酸配列を含む免疫原性ポリペプチド又はその誘導体、同族体若しくは類似体は、「B細胞エピトープ又はT細胞

エピトープを含む免疫原」又は同様な用語で以下に定義される。

【0058】

異なる一次アミノ酸配列を含む免疫原性ポリペプチド又はその誘導体、同族体若しくは類似体は、宿主種の免疫系により同一であると認識される高次構造的B細胞エピトープ又はT細胞エピトープを保有するので、免疫学的に同一な免疫原を含みうる。このような免疫原性ポリペプチド又はその誘導体、同族体若しくは類似体は、「B細胞エピトープ又はT細胞エピトープを模倣し又はこれらと交差反応する免疫原」又は同様な用語で以下に定義される。

【0059】

従って、本発明は、前記実施態様のいずれか一つによる単離され若しくは組換えられたポリペプチドのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを含み、これらを模倣し若しくはこれらと交差反応する免疫原、又はその誘導体、同族体若しくは類似体に及ぶ。特に好ましい実施態様において、本発明は、L・イントラセルラリス（これに限定されない）などのローソニアの種から天然の形で得られる単離され若しくは組換えられたポリペプチドのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを含み、これらを模倣し若しくはこれらと交差反応する免疫原であって好ましくは鞭毛フックタンパク質として機能する免疫原を提供する。

【0060】

このような免疫原性ポリペプチドは、動物、特にブタ又は鳥動物の消化管又は他の器官に通常住みついている他の非病原性微生物とL・イントラセルラリスとの間で高度に保存されている一次アミノ酸配列を含まないことが好ましい。実施（例えばワクチン適用や診断への適用）には特異性が必要不可欠な本発明の該実施態様にとって、この排除の重要性は当業者には明らかである。

【0061】

この点で、本発明者らは、L・イントラセルラリス由来のF1gEポリペプチドのN末端アミノ酸配列及び対応するf1gE遺伝子の5'領域が、L・イントラセルラリス由来のF1gEポリペプチドのC末端アミノ酸配列及び対応するf1gE遺伝子の3'領域に比べて、同族体遺伝子及び他の種由来のポリペプチドの中では高度に保存されていないことを明らかにした。従って、F1gEポリペ

プチドのN末端領域は、L・イントラセルラリスに関するワクチン接種法における使用や診断薬としての使用にとってとりわけ好ましい免疫原である。同様に、flgE遺伝子の5'末端はL・イントラセルラリスのための診断薬としての使用に特に好ましい。

【0062】

本発明の当該ポリペプチドの免疫原性を改良するため、本来のタンパク質配列に対応しない一つ以上のアミノ酸を該ポリペプチドのアミノ末端又はカルボキシル末端に付加できる。このような余分のアミノ酸は、該ポリペプチドを別のペプチド若しくはポリペプチド、より大きな担体タンパク質若しくは固体支持体に結合するために有用である。これらの目的に有用なアミノ酸は、チロシン、リシン、グルタミン酸、アスパラギン酸、システイン及びそれらの誘導体を含むがこれらに限定されるわけではない。該ポリペプチドを別のポリペプチド、タンパク質、若しくはペプチド分子、又は固体支持体に結合するための更なる手段を提供するために、例えばNH₂アセチル化又はCOOH末端のアミド化などの更なるタンパク質の修飾技術が使用できる。ポリペプチドを相互に結合させる手法、又はポリペプチドを担体タンパク質若しくは固体支持体に結合する手法が当分野でよく知られている。従って、カルボキシ末端若しくはアミノ末端のいずれかに上述した余分のアミノ酸残基を含み且つ担体若しくは固体支持体に結合した若しくは結合していないポリペプチドは、本発明の範囲内にある。

【0063】

さらに、該ポリペプチドはポリマー担体又は支持物質に固定できる。

【0064】

代替の実施態様において、本発明のポリペプチドの免疫原性は、高い免疫原性タンパク質などの担体分子と融合させた本発明の一つ以上のポリペプチドを含む融合タンパク質を生産するための分子生物学的技術を用いて改良されうる。本発明のポリペプチドに対する免疫応答を増大させるために、例えば、高い免疫原性のコレラ毒素Bサブユニットに融合させた本発明のポリペプチドを含む融合タンパク質を使用できる。本発明は、本発明の当該ポリペプチドに融合させたインターロイキンなどのサイトカインを含む融合タンパク質、並びにそれをコードする

遺伝子も意図する。

【0065】

本発明のポリペプチド、又はその誘導體、同族体若しくは類似体は、哺乳動物に投与された場合、該哺乳動物に免疫応答を誘導することが好ましい。本発明のポリペプチドは、哺乳動物、とりわけブタ動物（例えばコブタ）に投与された場合、ローソニア・スピーシーズ、好ましくはL・イントラセルラリスに対する防御的免疫応答を誘発することがより好ましい。本明細書で用いられるとき、「防御的免疫応答の誘発」などの句は、投与された本発明のポリペプチドがローソニア感染に関連した症状の発症、発達、若しくは進行を妨げる能力又は検出できるほどに遅くさせる能力、並びに好ましくはブタにおけるPPEに関連した症状の発症、発達若しくは進行を妨げる能力又は検出できるほどに遅くさせる能力を指す。

【0066】

本発明の免疫原性ポリペプチドは、配列番号：1に記載のアミノ酸配列と実質的に同一の又は配列番号：1に全体として少なくとも約60%同一の又は配列番号：1の少なくとも八つの連続したアミノ酸に少なくとも約75%同一のアミノ酸配列を含むことが好ましい。好ましい実施態様において、本発明の免疫原性ポリペプチドは、配列番号：1のアミノ酸配列又はpALK11(ATCC207156)中のFlgEをコードするヌクレオチド配列によりコードされるアミノ酸配列から本質的に成るものである。

【0067】

用語説明のため、配列番号：1に記載のアミノ酸配列は、ローソニア・イントラセルラリスのFlgE遺伝子によりコードされるFlgEポリペプチドのアミノ酸配列を表す。このL・イントラセルラリスFlgE遺伝子のヌクレオチド配列は配列番号：2に記載される。

【0068】

配列番号：1に対するアミノ酸配列同一性百分率は、少なくとも約70%、より好ましくは少なくとも約80%、更により好ましくは少なくとも約90%、そして更により好ましくは少なくとも約95%であることが好ましい。

【0069】

二つのアミノ酸配列がこれらの百分率の範囲内に収まるか否かを決定する際に配列の並列比較又は多重整列を行うことが必要であることを当業者は認知している。このような比較又は整列において、該整列を実施するために用いられるアルゴリズムに応じて、同一でない残基の位置決定に差異が生じる。本文脈において、二つ以上のアミノ酸配列間での配列同一性百分率又は配列類似性百分率についての言及は、それぞれ、当業者に知られるいずれかの標準的なアルゴリズムを用いて決定される該配列間で同一な残基の数及び類似する残基の数を指すと解釈されるべきである。例えば、アミノ酸配列の同一性又は類似性はコンピュータ・ジェネティクス・グループ社、ユニバーシティー・リサーチ・パーク、マディソン、ウィスコンシン州、アメリカ合衆国のGAPプログラム（デベリユックスら、1984）を用いて算出されうる。このGAPプログラムは、同一残基/類似残基の数を最大にし且つ該整列の配列空所の数及び/又は長さを最小にするために、ニードルマンとヴァンシュ（1970）のアルゴリズムを利用する。代わりに又はその上、三つ以上のアミノ酸配列が比較される場合、トンプソンら（1994）のクラスタールWプログラムが使用できる。

【0070】

代替の実施態様において、本発明は、ローソニア・スピーシーズに由来するFlgEポリペプチドのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを含み、これらを模倣し若しくはこれらと交差反応する、単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチドを提供する。ここで、この単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチドは、配列番号：1の少なくとも5つの連続したアミノ酸残基を含むアミノ酸配列又はその同族体、類似体若しくは誘導体を含む。。

【0071】

本発明の単離され若しくは組換えられた免疫原性ポリペプチドは、配列番号：1に由来する少なくとも約10個の連続したアミノ酸、より好ましくは配列番号：1に由来する少なくとも約20個の連続したアミノ酸残基、更により好ましくは配列番号：1に由来する少なくとも約30個の連続したアミノ酸残基、そして更により好ましくは配列番号：1に由来する少なくとも約40個の連続したアミ

ノ酸残基を含むことが好ましい。

【0072】

本発明は、配列番号：1に記載のアミノ酸配列を含むポリペプチドの同族体、類似体及び誘導体をさらに包含する。

【0073】

ポリペプチドの「同族体」は、その免疫原性、生物活性又は触媒活性などの一つ以上のその特性を変化させることなく該ポリペプチドに対するアミノ酸の置換、欠失及びノ又は付加を含むポリペプチドである。このような分子において、アミノ酸は、例えば疎水性、親水性、疎水モーメント、抗原性、アルファらせん構造又はシート構造等を形成又は破壊する性向などの類似の性質を有する他のアミノ酸により置換できる。

【0074】

置換変異体は、該配列の少なくとも一つの残基が取除かれその代わりに異なる残基が挿入されたものである。アミノ酸置換は通常一残基の置換であるが、該ポリペプチドに与える機能的拘束に応じて分類されうる。挿入は通常約1～10アミノ酸残基のオーダーのものであり、欠失は約1～20残基の範囲である。アミノ酸置換は、前述したようなアミノ酸同類置換を含むことが好ましい。

【0075】

挿入によるアミノ酸配列変異体は、一つ以上のアミノ酸残基が該タンパク質の予め決められた部位に導入されたものである。挿入は一つ若しくは複数のアミノ酸の配列内挿入だけでなくアミノ末端及びノ若しくはカルボキシ末端の融合をも含み得る。一般に、該アミノ酸配列内の挿入は、アミノ末端又はカルボキシ末端の融合より小さく、約1から4残基のオーダーである。

【0076】

欠失変異体は、該配列から一つ以上のアミノ酸が除去されることを特徴とする。

【0077】

本発明のポリペプチドのアミノ酸変異体は、固相ペプチド合成法等の当分野で周知のペプチド合成技術を用いて、又は組換えDNA操作により容易に作製され

うる。置換、挿入又は欠失の変異体として現れる変異体タンパク質を生産するためのDNA配列の操作は、当分野でよく知られている。例えば、既知の配列を有するDNAの予め決められた部位に置換突然変異を行う技術は、M13突然変異誘発法又は他の部位特異的突然変異誘発法などにより、当業者にはよく知られている。

【0078】

「類似体」は、本発明のペプチドと機能的に等価であるが当業者に知られる非天然型の又は修飾されたアミノ酸残基を含むペプチド、オリゴペプチド及びポリペプチドとして定義される。従って、本明細書で定義される「類似体」は、本発明のポリペプチドの二次構造、三次構造、若しくは四次構造を示すコンピュータ予測又は実験データから誘導される、例えば、ペプチド、オリゴペプチド及びポリペプチドなどの本明細書に記載のアミノ酸配列に類似のアミノ酸配列を含む必要はない。従ってそれは、該ポリペプチドと同一な一次アミノ酸配列を含まず、それにもかかわらず、ローソニア・スピーシーズのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを模倣し又はこれらと交差反応し、好ましくはローソニア・イントラセルラリスのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを模倣し又はこれらと交差反応する。

【0079】

例えば、ミモトープ（本発明のローソニアポリペプチドのB細胞エピトープ又はT細胞エピトープと交差反応するが、該エピトープとは異なるアミノ酸配列を含むポリペプチド類似体）は、所望のT細胞エピトープ又はB細胞エピトープに結合する抗体を用いてペプチドライブラリー中の無作為アミノ酸配列をスクリーニングすることにより同定されうる。前述したB細胞エピトープ又はT細胞エピトープの同定のための技術と同様に、このようなミモトープを同定するために用いられる抗体は、粗製の又は精製した、ポリクローナル抗体又はモノクローナル抗体又は組換え抗体でありうる。次に、T細胞エピトープのミモトープを、インビボでT細胞細胞障害性応答又は増殖応答を誘発する能力についてさらに検定する。高次構造型エピトープは一般にポリペプチドの非連続領域から形成されるので、ミモトープは本発明のポリペプチドの非直鎖状（即ち高次構造型の）エピト

ープの類似体として特に有用であり、該ミモトープは単一のペプチド分子の形態でその免疫原性等価物を提供する。

【0080】

さらに、ポリペプチド類似体の使用により、免疫原活性及び/又は抗原活性が増大し、且つ酵素分解に影響され難く、より選択性の高いポリペプチドを得ることができる。適当なプロリン類似体は、天然ポリペプチドの免疫原活性を20倍以上増大することが示された2-アミノシクロペンタンカルボン酸(AC⁵c)である(ミエルケら, 1990、ポルトゲーゼら, 1990、グードマンら, 1987)。

【0081】

本明細書に記載されるポリペプチドの「誘導体」は、配列番号: 1に記載のアミノ酸配列の少なくとも約五つの連続したアミノ酸残基を含むペプチド、オリゴペプチド及びポリペプチドである。「誘導体」は、配列番号: 1に記載のアミノ酸配列と比較して、更なる天然型の、改変されグリコシル化され、アシル化された、又は非天然型のアミノ酸残基をさらに含む。代わりに又はその上、誘導体は、該アミノ酸配列に共有結合若しくは非共有結合した例えばレポーター分子若しくは他のリガンドなど一つ以上の非アミノ酸置換基、例えば検出を容易にするためそれらに結合させたレポーター分子などを含む。

【0082】

本発明のペプチド免疫原の組換え突然変異体若しくは合成突然変異体及び誘導体の他の例には、炭水化物、脂質及び/又はタンパク質又はポリペプチド等の一つの又は複数の置換基、欠失及び/又は付加を組入れたものが含まれる。当該ペプチドの天然型又は改変されグリコシル化された形態又はアシル化された形態は本発明により特に意図される。さらに、配列番号: 1にリストされた当該ペプチドの一つ以上のコピーを含むホモポリマー若しくはヘテロポリマー、又はそれらの一つ以上の誘導体、同族体若しくは類似体は本発明の範囲内にある。

【0083】

本発明のポリペプチドの同族体、類似体及び誘導体は、該ポリペプチド、又はその誘導体、同族体若しくは類似体が免疫化に応答して該宿主にB細胞応答及び/又はT細胞応答を誘発する能力として以下定義される「免疫原性」であること

が好ましい。

【0084】

配列番号：1に記載のアミノ酸配列の好ましい同族体、類似体及び誘導体には、免疫応答を媒介できる該アミノ酸配列のB細胞エピトープ又はT細胞エピトープとして機能するそれらのアミノ酸変異体が含まれ、例えばFmoc化学等の合成手段により生産された本明細書に記載の免疫原性ポリペプチドのミモトープが含まれる。このような分子の唯一の必要条件は、これらが配列番号：1に記載のアミノ酸配列又は配列番号：1の全長の少なくとも長さ五つの連続したミノ酸を含むその誘導体を含むポリペプチドと免疫学的に交差反応することである。

【0085】

当業者に明らかなように、本発明分子のポリペプチドのこのような同族体、類似体及び誘導体は、該ポリペプチドに対する抗体と交差反応する抗体を調製するために及び/又は該ポリペプチドにより誘発されるものに対して類似の特異性の防御免疫応答を誘発するために有用である。このような分子は、診断適用及び本来免疫学的な他の適応、例えば一つ以上の免疫検定形方式を利用する診断（例えばELISA、RIA等）にも有用である。

【0086】

従って、本発明の免疫原、又はその誘導体、同族体若しくは類似体は、L・イントラセルラリスによる感染に対して個体を防御するワクチン組成物に有用であり、及び/又はポリクローナル抗体若しくはモノクローナル抗体の生産を誘発する抗原として有用であり、及び/又は感染した動物、特にブタ及び鳥類動物のL・イントラセルラリスに対する抗体の検出に有用である。

【0087】

本発明者らは、他の細菌由来の鞭毛フックタンパク質のそれを含む他の免疫原性アミノ酸配列と比較して配列番号：1に記載のアミノ酸配列は特に独特であることも示した。従って、図1に記載したように、配列番号：1の独特のエピトープ領域を含むペプチド、オリゴペプチド及びポリペプチドは、ローソニア・スピーシーズFlgE分子の他領域と比べて特異性が改善されている。このようなペプチドの具体的な利点は、目的の病原体に対する特異性が重要な考慮事項となる

ワクチン組成物の生産における熟練者には直ちに明らかとなる。

【0088】

L・イントラセルラリスFlgEポリペプチドのこの独特の領域は生体試料中のローソニア・スピーシーズの特異的検出のためのローソニア特異的ワクチン及び診断薬の調製のための有望な抗原性ペプチドである。

【0089】

本発明の第二の側面は、L・イントラセルラリス又は同類の微生物又は他の類縁の微生物による哺乳動物又は鳥類の感染の予防又は治療のためのワクチン組成物を提供する。該ワクチン組成物は、

(i) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%のアミノ酸配列同一性及び/又は配列番号：1に由来する少なくとも5つの連続したアミノ酸を含む単離され又は組換えられたポリペプチド、又はローソニア・イントラセルラリスと免疫学的に交差反応するそれらの免疫原性の同族体、類似体若しくは誘導体を含む免疫原性成分、及び

(ii) 獣医学的又は医学的使用に適する一つ以上の担体、希釈剤及び/又はアジュバントを含む。

【0090】

本明細書で用いられるとき、「免疫原性成分」という用語は、L・イントラセルラリス又は動物、特にブタ若しくは鳥類動物における防御的免疫応答を誘発できるその類縁の微生物から得られるか又はそれらに由来するDNAによりコードされるペプチド、ポリペプチド、又はタンパク質を指し、該ペプチド、ポリペプチド又はタンパク質は単離された形であるか又は組換え型であるかを問わない。従って、該ワクチン組成物は、L・イントラセルラリス又は該ペプチド、ポリペプチド、若しくはタンパク質を含む若しくは発現するそれに類縁の微生物の弱毒化された、殺菌された又は非病原性の単離体又は形態を含むそれらのワクチン組成物を明らかに包含する。

【0091】

「防御的免疫応答」とは、該免疫原性成分が、対照の感染動物と比較して、該

ワクチン組成物が投与された動物において、ローソニア・イントラセルラリス若しくはそれに類縁の微生物による動物宿主の感染を防止するのに十分な、及び/又はローソニア・イントラセルラリス若しくはそれに類縁の微生物による動物宿主の感染と関連する一つ以上の症状若しくは状態を検出できる程度に低減させるのに十分な、若しくは該一つ以上の症状若しくは状態の発症を検出できる程度に遅くさせるのに十分な体液レベル及び/又は細胞レベルで免疫応答を誘発することを意味する。該ワクチン組成物に存在する免疫原性成分の「有効な量」という用語は、全用量の1回投与をした後又は数回の分割用量が投与された後に防御的免疫応答を誘発できる該免疫原性成分の量を指す。

【0092】

当該ワクチン組成物のポリペプチド成分は、PPEの原因菌であるローソニア・イントラセルラリスとのその免疫交差反応性により免疫原性で且つ特異的なアミノ酸配列を含むことが好ましい。この点で、このようなポリペプチド成分が配列番号：1に由来するアミノ酸配列、又は例えば該配列のミモトープ等の配列番号：1に記載のアミノ酸配列の同族体、類似体若しくは誘導体を含みうることは先の記載から明白であろう。

【0093】

免疫原性ポリペプチド又は免疫原性の同族体、類似体若しくは誘導体は、前述の又は本明細書で例示される実施態様のいずれかに記載の、単離型又は組換え型の天然型ペプチド、オリゴペプチド又はポリペプチドでありうる。

【0094】

該免疫原性ポリペプチド又は免疫原性の同族体、類似体若しくは誘導体はローソニア・スピーシーズ、特にL・イントラセルラリス、又はそれらに類縁の微生物に由来することが好ましい。

【0095】

該免疫原性成分は、L・イントラセルラリス若しくはそれに類縁の微生物を含む細胞培養物から、又はL・イントラセルラリス細胞若しくは類縁の微生物の溶解調製物から、又は該免疫原性成分が組換え的に発現される他の培養物から、少なくとも一回の精製工程又は少なくとも部分的な濃縮を経ていることが好ましい

。不可欠な免疫原性を有するこのような成分の純度は、個々の調製物のタンパク質の少なくとも約20重量%であることが好ましく、より好ましくは少なくとも約50%、更により好ましくは少なくとも約60%、更により好ましくは少なくとも約70%、そして更により一層好ましくは少なくとも約80%以上である。

【0096】

本発明のワクチンの免疫原性成分は、単一の該ペプチド、ポリペプチド若しくはタンパク質、又は異なる若しくは同類のエピトープを網羅する、異なるペプチド、ポリペプチド若しくはタンパク質のある範囲若しくは組合わせを含み得る。その上又は代わりに、単一のポリペプチドが多重エピトープを提供することもできる。後者の型のワクチンは多価ワクチンと呼ばれる。多重エピトープは一つのペプチド分子又はポリペプチド分子内に位置した二つ以上のエピトープを含む。

【0097】

ワクチンの製剤化は一般的に当分野で知られており、便宜的にはレミングトンの薬科学、第17版、マック・パブリッシング社、イーストン、ペンシルバニア州、米国を参照できる。

【0098】

該ワクチンの特に有用な形態は、例えばワクシニアウイルスベクターでトランスフェクトされた細胞又は免疫原性成分を発現できる細菌細胞などの（これらに限定されないが）ワクチンベクターで生産された組換えワクチンである。

【0099】

本発明は、明らかに、該免疫原性成分が少なくとも例えば加熱、ホルマリン若しくは他の化学処理、電気ショック又は高圧力若しくは低圧力により調製された死滅ワクチンベクター内に含まれる組換えワクチン組成物に及ぶ。この実施態様に従って、該ワクチンの免疫原性成分は、一般的に、生きたワクチンベクターで合成させ、動物への投与前に死滅させる。

【0100】

さらに、該免疫原性成分を発現するワクチンベクターは非病原性であっても又は弱毒化されてもよい。該ワクチンの免疫原性成分をコードする非病原性ウイル

ス若しくは弱毒化されたウイルスでトランスフェクトされた細胞並びに該免疫原性成分を直接発現する非病原性細胞若しくは弱毒化された細胞は、この実施態様の範囲内にある。

【0101】

弱毒化された宿主細胞又は非病原性宿主細胞には、当該ワクチンを投与する動物にとって有害でない細胞が含まれる。当業者に知られるように、「生ワクチン」は、免疫原性成分をコードする弱毒化されたウイルスベクター又は該ベクターを含む宿主細胞を含み、該ベクターは投与する動物内で複製でき、そして有害な副作用を生じずに宿主細胞機構を利用して該免疫原性成分を発現できる。。このようなワクチンベクターはワクチン接種された動物の腸又は他の器官にコロニー形成しうる。このような生ワクチンベクターは、該免疫原性成分の免疫原性等価物を発現する病原体に対する防御的免疫を付与するのに十分な時間及びレベルで、該宿主動物で該免疫原性成分を継続的に発現できるので有効である。本発明は、明らかに、このような弱毒化されたベクター又は非病原性ベクター及び生ワクチン調製物の使用を含む。

【0102】

該ワクチンベクターは、ウイルス、細菌細胞、又は鳥類、ブタ若しくは他の哺乳動物の細胞若しくは酵母細胞などの真核細胞、又はCOS、VERO、HeLa、マウスC127、チャイニーズハムスター卵巣(CHO)、WI-38、ベビーハムスター腎臓(BHK)若しくはMDC K細胞系統などの細胞系統でありうる。適切な原核細胞には、中でもマイコバクテリウム・スピーシーズ、コリネバクテリウム・スピーシーズ、サルモネラ・スピーシーズ、大腸菌、バチルス・スピーシーズ、及びシュードモナス・スピーシーズが含まれる。本目的に適切な細菌細胞は当分野で周知である(オズベルら、1987、サムブルックら、1989)。

【0103】

このような細胞及び細胞系統は、該動物に防御的免疫応答を誘導するのに有効な様式でL・イントラセルラリスから本発明のFlgEのペプチド、ポリペプチド又はタンパク質をコードする遺伝子配列を発現できる。例えば、L・イントラ

セルラリス由来のペプチド、ポリペプチド又はタンパク質をコードできる組換え配列を含む非病原性細菌が調製できる。該組換え配列は、構成性プロモーター又は誘導性プロモーターの制御下で発現ベクターの形となる。次いで、該細菌はブタの腸内の適切な位置にコロニー形成させられ、増殖させられ、そしてL・イントラセルラリスに対する防御的免疫応答を誘導するのに十分な量の組換えペプチド、ポリペプチド又はタンパク質を生産させられる。

【0104】

さらなる代替的实施態様において、該ワクチンは、本発明のペプチド、ポリペプチド又はタンパク質をコードするDNA又はRNAの一過的発現により防御的免疫応答を誘導するのに有効な量のペプチド、ポリペプチド又はタンパク質を生産させるのに十分な条件下で、ブタの筋組織又は他の適切な組織内に注射される該DNA分子又は該RNA分子を含むDNAワクチン又はRNAワクチンであり得る。好ましい実施態様において、該DNAワクチンは、免疫化された動物細胞内で該免疫原をコードするヌクレオチド配列を発現できるプロモーター領域と該DNAが機能的に接続されるプラスミドの形態をとる。

【0105】

本明細書に記載のDNAワクチンを除いた組換えワクチンの生産では、従って、適切なベクター系で該免疫原性成分を発現することが必要である。本目的のため、該免疫原性成分は、

- (i) 単離された核酸分子を発現可能な形態に配置する工程であって、該核酸分子が配列番号：2に記載のヌクレオチド配列のコード領域、又は
 - (a) 配列番号：2に対して少なくとも約60%の配列同一性を有するヌクレオチド配列、
 - (b) 少なくとも低度の厳格性ハイブリダイゼーション下で、好ましくは少なくとも中度の厳格性条件下で、及びさらにより好ましくは少なくとも高度の厳格性条件下で配列番号：2の相補体とハイブリダイズするヌクレオチド配列、及び
 - (c) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列、又は、例えば配列番号：1に記載のアミノ酸のミモトープを含む、その同族体、類似体若しくは誘導

体をコードするヌクレオチド配列、
から成る群より選択される配列番号：2の、タンパク質をコードする同族体、類似体若しくは誘導体を含むものである工程、

(ii) 発現可能な形態にある工程(i)の単離された核酸分子を適切なワクチンベクター中に導入する工程、並びに

(iii) 該核酸分子によりコードされる免疫原性成分の発現が起こるのに十分な時間及び条件の下で該ワクチンベクターをインキュベートし又は増殖させる工程

、
により発現できる。

【0106】

厳格性のレベルを定義するため、低度の厳格性は、本明細書中、28 で6 x SSC緩衝液、0.1% (w/v) SDS中で実施されるハイブリダイゼーション及び/又は洗浄として定義される。中度の厳格性は、本明細書中、45 から65 の範囲の温度で2 x SSC緩衝液、0.1% (w/v) SDS中で実施されるハイブリダイゼーション及び/又は洗浄として定義される。高度の厳格性は、本明細書中、少なくとも65 の温度で0.1 x SSC緩衝液、0.1% (w/v) SDS中で実施されるハイブリダイゼーション及び/又は洗浄として定義される。

【0107】

一般的に、該厳格性は、SSC緩衝液の濃度を低減すること、及び/又はSDSの濃度を増大させること及び/又はハイブリダイゼーション及び/又は洗浄の温度を上げることにより増大する。当業者は、ハイブリダイゼーション及び/又は洗浄の条件がハイブリダイゼーション膜の性質又は用いるハイブリダイゼーションプローブの型に応じて変化しうることを認知している。ハイブリダイゼーション及び洗浄の条件は当業者によりよく理解されている。核酸分子間のハイブリダイゼーションに影響を及ぼすパラメータを明確にするため、参照により本明細書にインコーポレートされるオズベルら(1987)の2.10.8頁から2.10.16頁を参照できる。

【0108】

本明細書で用いるとき、「発現可能な形態にある核酸分子」とは、該ワクチンベクター系で発現を調節できるプロモーター又は他の調節配列と機能しうるように連結して配置された核酸分子のタンパク質コード領域である。

【0109】

本明細書中の「プロモーター」についての言及は、その最も広い文脈で解釈されるべきであり、C C A A Tボックス配列並びに発生上の及び/又は外部の刺激に応答して又は組織特異的な様式で遺伝子発現を変更する更なる調節要素（即ち、上流の活性化配列、エンハンサー及びサイレンサー）の存在下及び非存在下で、正確な転写開始に必要なT A T Aボックスを含む古典的なゲノム遺伝子の転写調節配列を含む。本文脈において、「プロモーター」という用語は、機能しうるように連結され且つ該免疫原性ポリペプチドをコードする核酸分子の発現を付与し、活性化し又は強化する組換え分子、合成分子又は融合分子、又は誘導体を記載するためにも用いる。好ましいプロモーターは、さらに発現を強化するため及び/又は該核酸分子の空間的発現及び/又は経時的発現を変更するために一つ以上の特異的な調節要素の更なるコピーを含み得る。

【0110】

調節的制御の下に、即ちプロモーター配列と「機能しうるように連結して」核酸分子を配置することは、発現が該プロモーター配列により制御されるように該分子の位置を定めることを意味する。プロモーターは一般的にそれらが制御する遺伝子に対し5'（上流）に配置されるが、必ずしもそうでない。異型のプロモーター/構造遺伝子の組み合わせの構築において、該プロモーターがその本来の環境で制御する遺伝子、即ち該プロモーターがそれから得られた遺伝子とプロモーターとの間の距離とほぼ同じ遺伝子転写開始部位からの距離に該プロモーターを配置することが一般的に好ましい。さらに、プロモーターを含む調節要素は、通常、該遺伝子の転写開始部位の2 kb内に配置される。当分野で知られるように、この距離の幾らかの変動はプロモーターの機能を損なうことなく許容される。同様に、その制御下に配置された異型遺伝子に関する調節配列要素の好ましい配置は、その本来の環境での該要素の位置決定、即ちそれから得られた遺伝子の位置決定により定められる。ここでも、当分野で知られるように、この距離での

幾らかの変動が起こり得る。

【0111】

大腸菌などの細菌で完全なポリペプチドを生産するための必須条件は、効果的なりボソーム結合部位を備えた強力なプロモーターの使用である。大腸菌などの細菌細胞における発現に適した典型的なプロモーターには、lacZプロモーター、温度感受性の_Lプロモーター若しくは_Rプロモーター、T7プロモーター又はIPTG誘導性tacプロモーターが含まれるが、これらに限定されない。大腸菌で本発明の核酸分子を発現するための幾つかの他のベクター系が当分野でよく知られており、例えばオズベルら(1987)又はサムブルックら(1989)に記載されている。細菌での発現に適したプロモーター配列及び効果的なりボソーム結合部位を備えた多数のプラスミド、例えばpKC30(_L:シマタケとローゼンバーグ, 1981)、pKK173-3(tac:アマンとブロシウス, 1985)、pET-3(T7:ステュディールとモファット, 1986)、発現ベクターのpFLEX系列(ファイザー社、コネチカット州、米国)又は中でも発現ベクターのpQE系列(キアーゲン社、カリフォルニア州)などが記載されている。真核細胞のウイルス及び真核細胞での発現に適する典型的なプロモーターには、中でも、SV40後期プロモーター、SV40初期プロモーター及びサイトメガロウイルス(CMV)プロモーター、CMVIE(サイトメガロウイルス直前初期)プロモーターが含まれる。

【0112】

該ワクチン組成物の免疫原性成分を発現するために単離された核酸分子又は該分子を含む遺伝構築物を細胞に導入する手段は当業者によく知られている。所与の生物に用いる技法は既知の成功した技法に依存する。組換えDNAを動物細胞に導入する手段には、中でも、マイクロインジェクション、DEAE-デキストランにより媒介されるトランスフェクション、リポフェクタミン(ギブコ社、メリーランド、米国)及び/又はセルフェクチン(ギブコ社、メリーランド、米国)の使用などリボソームにより媒介されるトランスフェクション、PEGに媒介されるDNAの取り込み、電気穿孔法、及びDNAで被覆されたタングステン粒子若しくは金粒子(アグラセツス社、ウィスコンシン州、米国)の使用など微粒

子銃撃法が含まれる。

【0113】

本明細書で意図されるように、ワクチン組成物の免疫原性成分は、個々の場合に応じた量を投与すると、例えばPPEの治療及び/又は予防において優れた治療活性を示す。例えば、組換えペプチド分子について、約1mlから約5mlの容量中、約0.5µgから約20mg、好ましくは約1µgから約10mg、より好ましくは約10µgから約5mg、そして最も好ましくは約50µgから約1mgの該免疫原性成分の等価物を投与しうる。DNAワクチンについて、好ましい量は、約1mlから約5mlの容量中、約0.1µg/mlから約5mg/mlである。該DNAは「裸の」形態で存在でき又は細胞の取込みを促進する試薬とともに(例えばリポソーム又は陽イオン脂質で)投与できる。重要な特徴は、防御的免疫応答を誘導するのに十分な免疫原を投与することである。体重1キログラム当たりで述べられ又は算出された上記の量を投与できる。投与計画は最適な治療応答を売られるように調整できる。例えば、数回に分割した容量を投与でき、又は該用量は治療状況の緊急事態による指示に応じて低減できる。ブースター投与も必要となる場合がある。

【0114】

本発明のワクチンは、該免疫原性成分に対する免疫応答を増強できる一つ以上の補足的な免疫調節成分、例えば中でもアジュバント又はサイトカイン分子などをさらに含み得る。本発明のワクチンに使用できるアジュバントの非限定的な例には、RIBIアジュバント系(Ribi社、ハミルトン、モンタナ州、米国)、カリ明礬、水酸化アルミニウムゲルなどの鉱物ゲル、水中油の乳液、油中水の乳液、例えばブロック・コポリマー(サイトラックス社、アトランタ、ジョージア州、米国)、QS-21(ケンブリッジ・バイオテク社、ケンブリッジ、メリーランド州、米国)、SAF-M(カイロン社、エメリービル、カリフォルニア州、米国)、AMPHIGEN(登録商標)アジュバント、フロイントの完全アジュバント、フロイントの不完全アジュバント、及びサポニン、QuilA若しくは他のサポニン画分、モノホスホリル脂質A、並びにアブリディン脂質-アミンアジュバントが含まれる。ワクチンに含まれ得る他の免疫調節試薬には、例え

ば、インターフェロン及び/又はインターロイキンなどの一つ以上のサイトカイン、又は他の既知のサイトカインが含まれる。例えばポリオキシエチレンオレイルエーテル及びn - ヘキサデシルポリエチレンエーテルなどの非イオン性界面活性剤も本発明のワクチンに含めうる。

【0115】

該ワクチン組成物は、経口、静脈内（水溶性の場合）、筋内、皮下、鼻内、皮内、若しくは座薬の経路又は移植（例えば、除放技術を用いて）による等の便利な様式で投与され得る。投与経路に応じて、該免疫原性成分は、酵素作用、酸、及び消化管などの該成分を不活性化しうる他の自然状況から防御するための物質で被覆することが必要となりうる。

【0116】

該ワクチン組成物は非経口的に又は腹腔内に投与してもよい。分散液はグリセロール、液体ポリエチレングリコール、若しくはそれらの混合液又は油の中でも調製できる。保存及び使用の通常条件下で、これらの調製物は微生物の増殖を妨げるための保存剤を含み得る。または、該ワクチン組成物は凍結乾燥された形態で保存し使用前に適切なビヒクル又は担体で水溶液に戻せる。

【0117】

注射用途に適した医薬剤形には、滅菌水溶液（水溶性の場合）又は分散液及び滅菌された注射液又は分散液の即席調製用滅菌粉末が含まれる。除放技術を用いる際など該医薬剤形が固体又は半固体でない限り、あらゆる場合において、該剤形は容易に注射できる程度まで流体でなければならない。どの場合においても、製造及び保存の条件下で安定でなければならず、そして微生物の混入作用から防御されなければならない。

【0118】

該担体は、例えば水、エタノール、ポリオール（例えば、グリセロール、プロピレングリコール及び液体ポリエチレングリコール等）、その適切な混合物及び植物油を含む溶媒又は分散媒体でありうる。例えば、レシチンなどの被覆剤の使用により、分散液の場合必要とされる粒子サイズの保持により、並びに界面活性剤の使用により、適切な流動性が保持され得る。微生物の作用の予防は、例えば

パラベン、クロロブタノール、フェノール、ソルビン酸、チメロザール等の種々の抗細菌剤及び抗真菌剤により実施できる。多くの場合、例えば糖類又は塩化ナトリウムなどの等張剤を含むことが好ましい。該注射組成物の長期吸収は、例えばモノステアリン酸アルミニウム及びゼラチンなどの吸収を遅延させる試薬を組成物に用いることにより実施できる。

【0119】

滅菌注射液は、適切な溶媒中に必要量の活性化化合物を上記に列挙した種々の他成分とともに混合した後、必要ならば過滅菌することにより調製する。一般的に、分散液は、上記に列挙したのから選択される基本分散媒体及び必要な他の成分を含有する滅菌ビヒクルに滅菌された該活性成分を混合することにより調製する。滅菌注射溶液を調製するための滅菌粉末の場合、好ましい調製方法は、真空乾燥技術及び凍結乾燥技術であり、活性成分と任意の補足的な所望成分の粉末が先に滅菌ろ過された溶液から得られる。

【0120】

本発明は、ローソニア・イントラセルラリスと同様な血液型亜型又は血清グループに属するものを含むL・イントラセルラリスの一つ以上の単離体又はサブタイプによる感染に対する防御を付与するワクチン組成物に及ぶ。該ワクチン組成物は、ヌクレオチドレベル、生化学レベル、構造レベル、生理学レベル及び/又は免疫相互反応のレベルで決定されると、ローソニア属の他の種又はそれに類縁の他の微生物による感染に対する防御をも付与することが好ましい。これらの他の種又は他の微生物が本明細書に記載される本発明のポリペプチドと免疫学的に交差反応するポリペプチドを発現することが唯一の必須条件である。例えば、このような類縁の微生物は、標準的なゲノムDNAハイブリダイゼーション及び分析技術を用いて決定すると、ローソニア・イントラセルラリスのゲノムDNAに対して全体として少なくとも約70%同一であるゲノムDNAを含みうる。

【0121】

「血清グループ基」及び「血液型亜型」という用語は、血清学の型決定データ、特に顕微鏡凝集試験(MAT)などの凝集検定を用いて得られるデータに基づく微生物の分類に関する。当業者は、血液型亜型及び血清グループの抗原が細胞

表面上でモザイク状であり、その結果、一つの血液型亜型及び/又は血清グループに属する細菌の間に厳密な線引きはないことを知っている。さらに、異なる種に属する生物が、抗原決定により識別できるので、同じ血液型亜型又は血清基に分類されうる。本明細書で用いられるように、「血液型亜型」という用語は、一つ以上の遺伝子座により生じる抗原決定基群に関しての、抗原性としての同一の一つ以上のローソニア株を意味する。定量的に、血液型亜型は交差凝集吸収技術により互いに識別されうる。本明細書で用いられるとき、「血清グループ」という用語は、そのグループ内のメンバーは共有するグループ抗原と交差凝集するが他のグループのメンバーとは交差凝集しないので、一つの血清グループのメンバーは単純な交差凝集により相互に多かれ少なかれ密接な抗原関係を有するローソニア・スピーシーズの一群を指す。

【0122】

従って、本発明は、明らかに、ローソニア・イントラセルラリスと同じ血液型亜型又は血清グループに属する任意の細菌に対する動物の治療及び/又は予防のためのワクチン組成物、特にブタ及び/又は鳥類種の治療及び/又は予防のためのワクチン組成物に及ぶ。このような生物は、配列番号：1に関して全体として少なくとも約60%のアミノ酸配列同一性を有するポリペプチドを発現することが好ましい。

【0123】

本発明は、さらに、ローソニア・イントラセルラリスの「遺伝的変異体」に対する防御を付与できるワクチン組成物に及び、唯一の必須条件は、該変異体が配列番号：1に対して全体として少なくとも約60%のアミノ酸配列同一性を有するポリペプチド及び/又は配列番号：1由来の少なくとも約5個の連続したアミノ酸残基又はそれらと免疫学的に交差反応するその同族体、類似体若しくは誘導体を発現することである。L・イントラセルラリスの遺伝子変異体は、L・イントラセルラリスの突然変異、組換え、接合若しくは形質転換により開発でき又は天然で生じうる。このような誘導体を作成する方法は当業者に知られている。

【0124】

特に好ましい実施態様において、本発明のワクチン組成物は、L・イントラセ

ルラリスによる感染に対する、ブタ若しくは鳥類動物の感染の予防及び／又は治療、そしてより好ましくはブタ動物の予防及び／又は治療を意図しており又はそれらに適している。

【0125】

特に好ましい実施態様において、本発明のワクチン組成物は、L・イントラセルラリスによる感染に対して、ブタ若しくは鳥動物の感染の予防及び／又は治療、並びにより好ましくはブタ動物の予防及び／又は治療を意図しており又はそれらに適している。

【0126】

従って、本発明は、明らかに、動物、特にブタ又は鳥類動物のPPEの治療及び／又は予防のための医薬品の調製における前記実施態様のいずれか一つに記載の又は本明細書で例示される発明の免疫原性ポリペプチドの使用に及ぶ。

【0127】

本発明は、さらに、鳥類又はブタ動物などの動物におけるPPEの治療方法及び／又は予防方法に及ぶ。該方法は免疫応答が該動物に起こるのに十分な時間及び条件の下で本明細書に記載され又は例示される本発明のワクチン組成物又は免疫原性ポリペプチドを該動物に投与する工程を含む。ワクチン組成物の投与の場合、該免疫原に対する免疫応答は防御的免疫応答であることが好ましい。

【0128】

当業者は、ブタ及び鳥類動物以外の動物へのL・イントラセルラリス及び／又は類縁の微生物に対するワクチン接種における本発明の一般的適応を認知するであろう。本発明のワクチンの一般的適用において、唯一の必須条件は、防御を付与される動物がL・イントラセルラリス及び／又はそれに類縁の微生物に感染でき、且つL・イントラセルラリスに類縁の微生物の場合、この類縁の微生物が本明細書に記載されるワクチン組成物のポリペプチド成分を模倣し又はこれらと交差反応するB細胞エピトープ又はT細胞エピトープを発現することである。本発明のワクチンにより防御されうる動物には、ヒト、霊長類、愛玩動物（例えばネコ、イヌ）、家畜動物（例えばブタ、ヒツジ、ウシ、ウマ、ロバ、ヤギ）、研究室実験動物（例えばマウス、ラット、モルモット、ウサギ）、及び捕獲された野

生動物（例えばカンガルー、キツネ、シカ）が含まれるが、これらに限定されない。本発明は家禽鳥類、狩猟鳥及びかごの鳥などの鳥類のワクチン接種にも及ぶ。

【0129】

本発明は、さらに、ローソニア・スピーシーズ、又はブタ動物若しくは鳥に感染し病気を惹き起こす他の病原体のいずれかから、該動物を防御できる一つ以上の他の抗原を含む第二免疫原性成分の有効量と組み合わせた本発明のポリペプチドを含む第一免疫原性成分の有効量を含む組み合わせワクチンに及ぶ。好ましい実施態様において、該第二免疫原性成分は、L・イントラセルラリスのオートリシン、ヘモリシン、OmpH、及びSodCのポリペプチド、並びにそれらの同族体、類似体又は誘導体、特にその免疫原性の変異体若しくは誘導体、並びにそれらをコードする核酸分子から成る群より選択されるものである。

【0130】

本発明の単離され若しくは組換えられたFlgEポリペプチド又は免疫学的に等価なその同族体、類似体若しくは誘導体は、ローソニア・スピーシーズ、特にL・イントラセルラリス又はそれに類縁の生物による動物の感染の診断に有用な免疫学的に相互作用する分子の調製にも役立つ。

【0131】

本明細書で用いられるとき、「免疫学的に相互作用する分子」という用語には、抗体及び抗体の誘導体及びFab、又はSCAB（一本鎖抗体）などの機能的等価物が含まれ、それらはいずれも、とりわけ、酵素、放射性標識、若しくは蛍光標識に随意結合することができる。このような免疫学的に相互作用する分子の唯一の必須条件は、それらが上述したように本発明の免疫原性ポリペプチドに特異的に結合できることである。

【0132】

従って、本発明の更なる側面は、下記のもの、即ち

(i) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有するアミノ酸配列を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、

(ii) 配列番号：1由来の少なくとも五つの連続したアミノ酸残基を含むペプチド、又は

(iii) そのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを模倣する(i)又は(ii)の同族体、類似体若しくは誘導體、
のいずれか一つ以上に結合でき免疫学的に相互作用する分子に及ぶ。

【0133】

好ましい実施態様において、免疫学的に相互作用する分子は、配列番号：1のアミノ酸からなるポリペプチドに特異的に結合する抗体である。

【0134】

免疫学的に相互作用する分子を調製するため、従来の方が使用できる。例えば、本発明のポリペプチドを用いることにより、ポリクローナル抗血清又はモノクローナル抗体が標準的な方法で作製できる。例えば、哺乳動物（例えば、マウス、ハムスター、又はウサギ）は、該哺乳動物での抗体応答を誘発する本発明のポリペプチドの免疫原性製剤で免疫化できる。ポリペプチドに免疫原性を付与する技術には、担体への結合、又は当分野で周知の他の技術が含まれる。例えば、該ポリペプチドを、アジュバントの存在下で投与でき、又は当分野で知られるように、該ポリペプチドの免疫原性を増強する担体分子と結合できる。免疫化の進行は血漿又は血清中の抗体力価の検出により監視できる。標準的なELISA法又は他の免疫検定は、抗体のレベルを評価するための抗原としての免疫原とともに使用できる。免疫化の後、抗血清を得ることができ、例えばポリクローナル抗体に対応するIgG分子群が該抗血清から単離できる。

【0135】

モノクローナル抗体を作製するため、抗体を生産する細胞（リンパ球）は本発明のペプチドで免疫化された動物から回収し、標準的な体細胞融合手法により骨髓腫細胞と融合できる。こうして、これらの細胞を不死化し、ハイブリドーマ細胞を得ることができる。このような技術は当分野で周知であり、例えば最初コーラーとミルスタイン（1975）により開発されたハイブリドーマ技法、並びにヒトB細胞ハイブリドーマ技法（コズボールら、1983）、ヒトのモノクローナル抗体を生産するためのEBVハイブリドーマ技法（コールら、1985）及び組み合わせ

抗体ライブラリーのスクリーニング（ヒュゼら、1989）などの他の技法を含む。ハイブリドーマ細胞を、単離し、そして該ポリペプチド及び該細胞から単離されたモノクローナル抗体と特異的に反応する抗体の生産について免疫化学的にスクリーニングすることができる。

【0136】

抗体を誘発するためのあらゆる免疫原性組成物と同様に、本発明のペプチドの免疫学的に有効な量は実験的に決定されなければならない。天然ペプチドがアジュバント若しくは担体タンパク質若しくは他の担体と複合体を形成し又はそれらと共有結合するか否かに関わらず、考慮すべき因子には該ペプチドの免疫原性、該組成物の投与経路、即ち静脈内、筋肉内、皮下など、並びに投与されるべき免疫用量の回数が含まれる。このような因子はワクチン分野で知られており、過度に実験することなくこのような決定を行うことは十分免疫学者の技量内にある。

【0137】

本明細書で用いられるとき、「抗体」という用語は、配列番号：1に記載されるローソニア・イントラセルラリスのF1gEポリペプチドのB細胞エピトープ又はT細胞エピトープを模倣する又はこれらと交差反応するペプチドにも特異的に反応するそれらの断片を含むことを意図する。抗体は従来技術を用いて断片化でき、該断片は全長の抗体について上に記載したのと同様な様式で有用性についてスクリーニングできる。例えば、F(ab)₂断片は抗体をペプシンで処理することにより作製できる。得られるF(ab)₂断片は処理してジスルフィド架橋を減らしFab断片を作製できる。

【0138】

上で論じた最初に述べた抗体に対する抗イディオタイプ抗体を含む任意の二次抗体（モノクローナル抗体又はポリクローナル抗体又は抗体の断片）を含むことはこの発明の範囲内である。この一次抗体及び二次抗体の両方が検出検定で使用でき、又は一次抗体は市販の抗免疫グロブリン抗体とともに使用できる。本明細書で意図される抗体には、上述したように配列番号：1に記載のローソニア・イントラセルラリスF1gEポリペプチドのB細胞エピトープ又はT細胞エピトープを模倣し又はこれらと交差反応するペプチドの任意の領域に特異的なあらゆる

抗体が含まれる。

【0139】

本明細書に記載される抗体は、例えば合成ペプチドが該アミノ酸配列と免疫学的に交差反応する能力又は該アミノ酸配列と交差反応する抗体の生産を誘発する能力を試験すること等により、配列番号：1に記載のアミノ酸配列のB細胞エピトープ又はT細胞エピトープを決定するために有用である。本明細書に記載の方法を用いて、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体又はキメラのモノクローナル抗体もまた、配列番号：1に記載のローソニア・イントラセルラリスのFlgEポリペプチドのB細胞エピトープ又はT細胞エピトープを模倣し又はこれらと交差反応するペプチドに対して形成させることができる。

【0140】

より具体的には、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体又はキメラのモノクローナル抗体は、本発明のペプチド及び/又はその同族体、類似体若しくは誘導体を種々の生体材料中で検出するために使用できる。例えば、これらはELISA法、放射免疫検定、又は組織化学試験で使用できる。即ち、該抗体は、生体試料中のローソニア・イントラセルラリスの存在を診断するために、本発明のポリペプチド又はその同族体、類似体若しくは誘導体への結合について試験するために使用できる。

【0141】

従って、本発明の更なる側面は、ローソニア・イントラセルラリス若しくはそれに類縁の微生物による動物の感染を診断する方法を提供する。この方法は、該動物から得られる生体試料を、抗原-抗体複合体が形成するのに十分な時間及び条件の下で、配列番号：1に記載のアミノ酸配列又はその同族体、類似体若しくは誘導体を含むペプチド、オリゴペプチド又はポリペプチドに結合できる免疫学的に相互作用する分子と接触させる工程、及び該複合体の形成を検出する工程を含む。本発明のこの実施態様によれば、免疫学的に相互作用する分子は、配列番号：1に記載のローソニア・イントラセルラリスFlgEポリペプチド又はその類似体若しくは誘導体に対して調製された抗体分子であることが好ましい。

【0142】

該生体試料は、配列番号：1に記載のアミノ酸配列を有するポリペプチド、又はその同族体、類似体若しくは誘導体を含む可能性のあるものであり、具体的には、生体試料は、病原体のローソニア・イントラセルラリス又はそれに類縁の微生物のブタ又は鳥類の宿主に由来し、該動物から得られる任意の適切な組織試料又は体液試料を含み得る。好ましい生体試料は、試験されるブタ又は鳥類の宿主動物の回腸、盲腸、小腸、大腸、全血清又はリンパ節から得られる。その代わり又はその上に、該生体試験試料は該動物に由来する糞便又は直腸スワブを含みうる。

【0143】

動物の腸又は他の器官に棲む他の微生物とL・イントラセルラリスを識別するために、該抗体は、L・イントラセルラリスと動物の腸若しくは他の器官に住みついている、例えば大腸菌などのそれについて診断が求められている微生物との間で保存されている少なくとも5アミノ酸長のこれらの領域などのFlgEの高保存性エピトープに対して調製されるべきでない。

【0144】

従来免疫検定は、本発明のこの実施態様を実施するために用いることができる。米国特許第4,016,043号、第4,424,279号及び第4,018,653号を参照することにより分かるように、広範囲の免疫検定技術が利用できる。もちろん、これらには非競合型の一部位検定及び二部位検定の両方又は「サンドイッチ」検定、並びに古典的な競合結合検定が含まれる。これらの検定には標的に対する標識抗体の直接結合も含まれる。本発明のこの実施態様を実施するために該検定を改変する又は最適化する方法は当業者には容易に明らかであり、このようなあらゆる改変及び最適化が本発明に包含される。

【0145】

一つの代替的实施態様において、本発明は、動物が、ローソニア・イントラセルラリス若しくはそれに類縁の微生物により過去に感染したか又は現在感染しているか否かを決定する方法を意図する。この方法は、該動物由来の血液若しくは血清を、抗原-抗体複合体が形成するのに十分な時間及び条件の下で本発明の免疫原性ポリペプチドと接触させる工程、及び該複合体形成を検出する工程を含む

。この実施態様は、この病原体による過去又は現在の感染結果として存在する、動物の血液又は血清中のローソニア・イントラセルラリス又は類縁の生物に対する循環抗体の検出にかかっている点で、前述の実施態様と異なっている。しかしながら、該検定形式の原理が同じであることは当業者に明白である。前記で言及した本発明の他の実施態様と同様に、従来の免疫検定が使用できる。当業者は、本実施態様を実施するために既知の免疫検定形式を容易に変更できる。本発明のこの実施態様は、例えば中でも部分精製されたI g G画分若しくはI g M画分及び軟膜試料などの免疫学的に相互作用する分子を含む誘導体又は血液及び血清も利用できる。このような画分の調製は当業者にも知られている。

【0146】

本発明のさらなる側面は、下記のもの、即ち

(i) 配列番号：1に記載のアミノ酸配列に全体として少なくとも約60%の同一性を有するアミノ酸配列を含むペプチド、オリゴペプチド若しくはポリペプチド、

(ii) 配列番号：1に由来する少なくとも五つの連続したアミノ酸を含むペプチド、又は

(iii) ローソニア・スピーシーズのB細胞エピトープ若しくはT細胞エピトープを模倣する(i)又は(ii)の同族体、類似体若しくは誘導体、から選択されるペプチド、オリゴペプチド又はポリペプチドをコードするヌクレオチド配列又はそれらをコードする核酸分子に相補的なヌクレオチド配列を含む単離された核酸分子を提供する。

【0147】

好ましい実施態様において、本発明は、配列番号：1に記載のローソニア・イントラセルラリスのF1gEポリペプチドのB細胞エピトープ又はT細胞エピトープを含み、これらを模倣し又はこれらと交差反応するポリペプチド免疫原をコードするヌクレオチド配列、又は該免疫原をコードする核酸分子に相補的なヌクレオチド配列を含む単離された核酸分子を提供する。

【0148】

特に好ましい実施態様において、本発明は、配列番号：1に記載のアミノ酸配

列を有するL・イントラセルラリスのFlgEポリペプチドをコードするヌクレオチド配列を含む単離された核酸分子を提供する。

【0149】

配列番号：1に記載のアミノ酸配列、又はその同族体、類似体若しくは誘導体の凝集体などの、本明細書に記載の免疫原性ポリペプチドのポリマー形態、または、配列番号：1に記載のアミノ酸配列又はその同族体、類似体若しくは誘導体の反復を含むポリペプチドを包含することは本発明の範囲内である。

【0150】

代わりに又はその上、本発明の単離された核酸分子は、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列に全体として少なくとも約60%の配列同一性を有するヌクレオチド配列又はその相補的ヌクレオチド配列をさらに含む。より好ましくは、配列番号：2又はそれに相補的なヌクレオチド配列に対する配列同一性百分率は少なくとも約80%である。更により好ましくは、配列同一性百分率は少なくとも約90%である。更により好ましくは、配列同一性百分率は少なくとも約95%である。

【0151】

好ましい実施態様において、該核酸分子は配列番号：2に記載のヌクレオチド配列、又はpALK11(ATCC207156)に存在する、FlgEをコードするヌクレオチド配列、又はその縮重変異体、及びその相補体を含む。

【0152】

二つのヌクレオチド配列がこれらの百分率の範囲内に収まるか否かを決定する際に、配列の並列比較又は多重整列を行うことが必要であることを当業者は認知している。このような比較又は整列において、該整列を実施するために用いられるアルゴリズムに応じて、同一でない残基の位置決定に差異が生じる。本文脈において、二つ以上のヌクレオチド配列間での同一性百分率についての言及は、当業者に知られる任意の標準的なアルゴリズムを用いて決定されるとき、該配列間で同一な残基の数を指すと解釈されるべきである。例えば、ヌクレオチド配列を整列し、それらの同一性をBESTFITプログラム又はコンピュータ・ジェネティクス・グループ社、ユニバーシティ・リサーチ・パーク、マディソン、

ウィスコンシン州、アメリカ合衆国の他の適切なプログラム（デベリユックスら、1984）を用いて算出する。

【0153】

代わりに又はその上、本発明の単離された核酸分子は、少なくとも低度の厳格性条件下で、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列と若しくはそれと相補的なヌクレオチド配列と又は配列番号：2に記載の配列に由来する少なくとも長さ約20の連続したヌクレオチドを含む核酸断片と又はそれに相補的なヌクレオチド配列とハイブリダイズできる。

【0154】

該核酸分子は、少なくとも中度の厳格性条件下でハイブリダイズすることが好ましく、高度の厳格性条件下でハイブリダイズできることが更により好ましい。

【0155】

厳格性のレベルを定義するため、低度の厳格性は、本明細書中、 $6 \times \text{SSC}$ 緩衝液、 0.1% (w/v) SDS 中、 28°C で実施されるハイブリダイゼーション及び/又は洗浄として定義される。中度の厳格性は、本明細書中、 $2 \times \text{SSC}$ 緩衝液、 0.1% (w/v) SDS 中、 45°C から 65°C の範囲の温度で実施されるハイブリダイゼーション及び/又は洗浄として定義される。高度の厳格性は、本明細書中、 $0.1 \times \text{SSC}$ 緩衝液、 0.1% (w/v) SDS 中、少なくとも 65°C の温度で実施されるハイブリダイゼーション及び/又は洗浄として定義される。

【0156】

一般的に、該厳格性は、SSC 緩衝液の濃度を低減すること、及び/又は SDS の濃度を増大させること及び/又はハイブリダイゼーション及び/又は洗浄の温度を上げることにより増大する。当業者は、ハイブリダイゼーション及び/又は洗浄の条件がハイブリダイゼーション膜の性質又は用いるハイブリダイゼーションプローブの型に応じて変化しうることを知っている。ハイブリダイゼーション及び洗浄の条件は当業者によりよく理解されている。核酸分子間のハイブリダイゼーションに影響を及ぼすパラメータを明らかにするためには、参照により本明細書にインコーポレートされるオズベルら（1987）の2.10.8頁から2.10.16頁を参照することができる。

【0157】

本発明は、明らかに、組換えの一価又は多価の組換えワクチンの使用などのための、本発明の組換え免疫原性ポリペプチドの調製に適した発現可能な形式で当該核酸分子を含む遺伝子構築物を包含する。

【0158】

このような場合、該核酸分子はプロモーター配列と機能しうるように連結しており、それにより前述したように原核細胞又は真核細胞における該核酸分子の発現を調節できる。

【0159】

該遺伝子構築物は更に任意として例えばターミネーター配列を含む。「ターミネーター」という用語は、転写の終結を知らせる、転写単位の末端にあるDNA配列を指す。「ターミネーター」はヌクレオチド配列であり、一般的に遺伝子若しくはmRNAの3'-非翻訳領域内に位置し、mRNA一次転写産物の3'末端にポリアデニル化配列の転写後付加を促すポリアデニル化シグナルを含む。ターミネーター配列は、細菌、真菌、ウイルス、動物及び/又は植物の遺伝配列から単離されうる。動物細胞で活性なターミネーターが知られており文献に記載されている。

【0160】

好ましい実施態様において、該遺伝子構築物は、当分野で知られるように、本発明の核酸分子を含むプラスミド、コスミド、又はファージなどのクローニングベクター又は発現ベクターであり、宿主細胞はそれらで形質転換又はトランスフェクションされ得る。非制限的实施態様において、該ベクターはpALK11 (ATCC受託番号207156) プラスミドである。

【0161】

本発明の遺伝子構築物は、本明細書に記載されるワクチン組成物の免疫原性成分を生産するために又はDNAワクチンに用いるために特に有用である。

【0162】

ローソニア・イントラセルラリス又は類縁の微生物による動物の感染を検出するためのある範囲の遺伝子診断検定は、例えば、ポリメラーゼ連鎖反応(PCR

)及び核酸ハイブリダイゼーションに基づく検定などは、本明細書に記載の核酸分子を用いて利用できる。このような検定は全て本発明で意図される。

【0163】

従って、本発明の更なる側面は、動物被験体に由来する生体試料においてローソニア・イントラセルラリス若しくは類縁の微生物を検出する診断方法を提供する。この方法は、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列又はそれに相補的なヌクレオチド配列又はそれらの同族体、類似体若しくは誘導体に由来する一つ以上のプローブ又はプライマーを、該試料中に存在するDNA分子又はRNA分子にハイブリダイズする工程、次いで検出手段を用いて該ハイブリダイゼーションを検出する工程を含む。

【0164】

本明細書で用いられるとき、「プローブ」という用語は、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列に由来し且つ該ヌクレオチド配列の検出に使用できる核酸分子を指す。プローブは、DNA（一本鎖若しくは二本鎖）又はRNA（即ちリボプローブ）又はそれらの類似体を含みうる。

【0165】

「プライマー」という用語は、先に定義されたように、ローソニア・イントラセルラリス又はそれに類縁の微生物から得られるヌクレオチド配列をPCRで増幅するためにさらに使用できるプローブを指す。

【0166】

好ましいプローブ及びプライマーは、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列の断片、並びに配列番号：2に記載の配列に由来する少なくとも長さ約15ヌクレオチドの合成一本鎖DNA分子若しくはRNA分子、又はそれと相補的なヌクレオチド配列を含む。

【0167】

好ましくは、この実施態様に従うプローブ及びプライマーは、配列番号：2に由来する少なくとも約20の連続ヌクレオチド、又はそれに相補的な配列を含み、更により好ましくは配列番号：2に記載の配列若しくはその相補体に由来する少なくとも約25の連続したヌクレオチド、更により好ましくは少なくとも約5

0の連続したヌクレオチド、及び更により好ましくは少なくとも約100ヌクレオチドから約500ヌクレオチド、又はその相補体を含む。配列番号：2の全長又はそれに相補的なヌクレオチド配列を含むプローブ及びプライマーも本発明に包含される。

【0168】

本目的のため、ヌクレオチド配列の「同族体」は、該配列内の一つ以上のヌクレオチドの置換、挿入、欠失又は再配列の出現にも関わらず、本発明の核酸分子によりコードされるポリペプチド又は配列番号：1の同族体、類似体若しくは誘導体であるポリペプチドと機能的に等価なポリペプチドをコードする単離された核酸分子を指すと解釈されるべきである。

【0169】

本明細書に記載されるヌクレオチド配列の「類似体」は、例えば、中でも炭水化物、放射性ヌクレオチドを含む放射性化学物質、ビオチン、DIG、アルカリ性ホスファターゼ、又はホースラディッシュペルオキシダーゼ、これらに限定されないが、などのレポーター分子などの、単離された該核酸分子に通常存在しない非ヌクレオチド成分の出現にも関わらず、本発明の核酸分子によりコードされるポリペプチド、又は配列番号：1のアミノ酸配列を有するポリペプチドの同族体、類似体若しくは誘導体と機能的に等価なポリペプチドをコードする単離された核酸分子を指すと解釈されるべきである。

【0170】

本明細書に記載されるヌクレオチド配列の「誘導体」は、配列番号：2に記載のヌクレオチド配列又はそれに相補的なヌクレオチド配列に存在する15以上の連続ヌクレオチドに対して少なくとも約50%のヌクレオチド配列同一性をもつ単離された任意の核酸分子を指すと解釈されるべきである。一般的に、本発明のヌクレオチド配列は、突然変異誘発にかけて、一つ又は複数のヌクレオチドの置換、欠失及び/又は挿入を引き起こさせることができる。本発明のヌクレオチド配列のヌクレオチド挿入性誘導体は、一つ若しくは複数のヌクレオチド若しくはヌクレオチド類似体の配列内挿入だけでなく5'末端融合及び3'末端融合をも含む。挿入性ヌクレオチド配列変異体は、一つ以上のヌクレオチド又はヌクレオ

チド類似体が該配列のヌクレオチド配列中の予め決まった部位内に導入されたものであるが、得られる産物について適切なスクリーニングを行えば無作為挿入も可能である。欠失性ヌクレオチド配列変異体は該ヌクレオチド配列から一つ以上のヌクレオチドを除去することにより特徴づけられる。置換性ヌクレオチド配列変異体は、該配列の少なくとも一つのヌクレオチドを除去し異なるヌクレオチド若しくはヌクレオチド類似体をその部位に挿入したものである。好ましい実施態様において、このような置換は、当分野で知られるように、遺伝コードの縮重に基づいて選択され、配列番号：1のアミノ酸配列をコードする置換性変異体を得られる。

【0171】

プローブ又はプライマーは、得られるプローブ又はプライマーが少なくとも低度の厳格性条件下で配列番号：2若しくはその相補的ヌクレオチド配列にハイブリダイズでき、又は配列番号：2若しくはその相補的ヌクレオチド配列に少なくとも約60%同一であるならば、該ポリヌクレオチド分子内に取り込むことのできるイノシン、アデニン、グアニン、チミジン、シチジン、若しくはウラシルの残基又はその機能的な類似体若しくは誘導体を含み得る。

【0172】

本発明のこの側面の生体試料には、ローソニア・イントラセルラリスを含む若しくは含みそうな任意の器官、組織、細胞若しくは浸出物又はそれらから得られる核酸が含まれる。生体試料は、例えば抽出緩衝液又は懸濁緩衝液などの適切な溶液中で調製できる。本発明は、このように調製された生体溶液の試験に及び、唯一の必須条件は該溶液が少なくとも本明細書に記載の生体試料を含むことである。

【0173】

本発明の診断検定は、ローソニア・イントラセルラリス又は本発明の鞭毛フックタンパク質若しくは鞭毛フックタンパク質様ポリペプチドを発現するそれに類縁の微生物の検出に有用である。

【0174】

本発明は、明らかに、属特異的検出及び種特異的検出の両方ができる診断検定

を意図する。従って、一つの実施態様において、該プローブ若しくはプライマー、又はその同族体、類似体若しくは誘導体は、複数のローソニア・スピーシーズを検出するために使用できるDNAを含む。代替的实施態様において、該プローブ若しくはプライマー、又はその同族体、類似体若しくは誘導体は、ローソニア・イントラセルラリスを類縁の微生物から識別するために使用できるDNAを含む。

【0175】

配列番号：2内のそれほど保存性の高くない領域は、L・イントラセルラリス及び極めて近縁の種を検出するための種特異的なプローブ及び/又はプライマーとして特に有用である。

【0176】

さらに、本明細書に記載の診断検定は、該ハイブリダイゼーション工程の厳格性を変化させることにより属に特異的な検定又は種に特異的な検定に適応できる。従って、低度の厳格性のハイブリダイゼーションは、検定される一つ以上の生体試料で幾つかの異なるローソニアの種を検出するために使用でき、一方、高度の厳格性のハイブリダイゼーションはこのような他の種からローソニア・イントラセルラリスを識別するために使用できる。

【0177】

本発明のこの側面の検出手段には、例えば核酸ハイブリダイゼーション技術又はペーパークロマトグラフィーハイブリダイゼーション検定(PACHA)、又はPCRなどの増幅反応、又は核酸配列に基づく増幅(NASBA)系などの任意の核酸に基づく検出手段でありうる。本発明はさらに、中でも制限断片長多型(RFLP)、増幅断片長多型(AFLP)、一本鎖高次構造多型(SSCP)、増幅及びミスマッチの検出(AMD)、点在反復配列ポリメラーゼ連鎖反応(IRS-PCR)、逆ポリメラーゼ連鎖反応(iPCR)、インサイチュポリメラーゼ連鎖反応及び逆転写ポリメラーゼ連鎖反応(RT-PCR)を含む該核酸に基づく検出手段の異なる検定形式の使用を包含する。

【0178】

検出手段が核酸ハイブリダイゼーション技術である場合、該プローブは同定可

能なシグナル（例えば、 ^{32}P 若しくは ^{35}S などの放射性同位元素、又はビオチン化分子）を生じることのできるレポーター分子で標識できる。この実施態様に従って、当業者は、該レポーター分子の検出が該プローブの同定を可能にすること、且つハイブリダイゼーションの後、生体試料中の対応するヌクレオチド配列の検出が容易になることを知っている。単一のプローブを用いて得られる検定結果を確認するために更なるプローブが使用できる。

【0179】

本発明により意図される核酸ハイブリダイゼーション技術の変形は、レインハルツら（1993）により記載されたペーパークロマトグラフィーハイブリダイゼーション検定（PACHA）及びその等価法である。ここで、標的核酸分子はビオチンなどのレポーター分子で標識し、ニトロセルロース膜濾紙片若しくはナイロン膜濾紙片の一端に塗布し、そして該標的核酸分子が該膜の長い方に沿ってDNAプローブが固定されている領域、例えば中間領域などへ移動させるのに十分な時間及び条件の下、毛管作用若しくは他の力（例えば電界）の下でクロマトグラフィーにかける。この検出形式に従って、該プローブに相補的なローソニア・スピーシーズのヌクレオチド配列を含む標識された標的核酸はそれにハイブリダイズし、該プローブが結合した膜の領域に固定化されるようになる。該プローブに非相補的な配列は、該プローブが結合する部位を通り過ぎて拡散する。標的核酸は、DNA若しくはRNAの粗抽出液若しくは部分的に精製した抽出液、又は増幅された若しくは精製されたDNAを含みうる。本明細書に記載のヌクレオチド配列を利用するこの検出の更なる変形は、明らかに本発明に包含される。

【0180】

該検出手段がRFLPの場合、生体試料に由来する核酸、特にDNAは一つ以上の制限エンドヌクレアーゼ酵素で消化し、この消化されたDNAを電気泳動にかけ、例えばナイロン膜若しくはニトロセルロース膜などの固体支持体に移し、そして上に定義したレポーター分子で随意標識されたプローブとハイブリダイズさせる。この実施態様に従って、DNA断片の特異的な模様が該支持体上に現れ、該模様は個々のローソニア・スピーシーズに特異的であり、使用者は該細菌の異なる種を識別させうるのが好ましい。

【0181】

該検出手段は、例えばポリメラーゼ連鎖反応又は核酸配列に基づく増幅（N A S B A）系又はその変形などの増幅反応である場合、配列番号：2に由来する少なくとも長さ15の連続したヌクレオチド又はその相補的ヌクレオチド配列、又はその同族体、類似体若しくは誘導体の一つ以上の核酸プライマー分子が生体試料から得られる核酸にハイブリダイズし、そして該試料中のF l g Eをコードする遺伝子配列の核酸コピー、又はその一部若しくは断片が酵素で増幅される。

【0182】

当業者は、該プライマーがハイブリダイズする生体試料鋳型分子の配列（即ち「鋳型分子」と該プライマーとの間に十分に高いヌクレオチド配列同一性百分率がなければならないことを知っている。前述したように、厳格性の条件はハイブリダイゼーションを促進するために変更できる。

【0183】

各プライマーは配列番号：2の領域又は該プライマーがハイブリダイズする鋳型分子のその相補的ヌクレオチド配列に対して少なくとも約95%同一であることが好ましい。

【0184】

当業者は、一つの様式において、P C Rが該鋳型分子の異なる鎖に対する非相補的プライマーのハイブリダイゼーションを許し、このハイブリダイズしたプライマーが熱安定性DNAポリメラーゼ酵素の制御下で介在領域の核酸の5' - 3'合成を容易にするように配置されることを知っている。その結果、このハイブリダイズしたプライマー間の領域のヌクレオチド配列が未知のものでいかなる既知のヌクレオチド配列にも無関係である限り、P C Rは他の検出手段を凌ぐ利点を提供する。

【0185】

代替実施態様において、該検出手段がA F L Pである場合、該プライマーは、該生体試料から得られる核酸、特にDNAが増幅される際に、異なる長さの増幅産物が異なるローソニア・スピーシーズから生産されるように選択される。該増幅産物を、電気泳動にかけ、例えばナイロン膜若しくはニトロセルロース膜など

の固体支持体に移し、そして上述したレポーター分子で随意標識したプローブにハイブリダイズさせる。この実施態様に従って、増幅されたDNA断片の特異的な模様が該支持体上に現れ、該模様は随意に個々のローソニア・スピーシーズに特異的であり、使用者はRFLP分析とほとんど同様な方法で該細菌の異なる種を識別できる。

【0186】

AMD技術は生体試料中のローソニア・スピーシーズDNAの検出ばかりでなく該検定様式で用いるプライマー及びプローブと異なるヌクレオチド配列変異体の決定も容易にする。検出手段がAMDである場合、該プローブを適切なレポーター分子で末端標識し、増幅された過剰の鋳型分子と混合する。続いて、該混合物を変性し再生して核酸の「プローブ：鋳型ハイブリッド分子」即ち「ハイブリッド」を形成させる。この場合、該プローブとそれがハイブリダイズする鋳型分子との間のいかなるヌクレオチド配列変化があっても該ハイブリッドの塩基対形成は破壊される。これらのミスマッチ領域はヒドロキシルアミン（ミスマッチのシトシン残基）又は四酸化オスミウム（ミスマッチのチミジン残基）を用いた特異的な化学修飾を受け易く、続いてピペリジンを用いて該修飾部位を切断できる。この切断された核酸は、変性ポリアクリルアミドゲル電気泳動後、上述したように標準的な核酸ハイブリダイゼーションを用いて分析しローソニア由来のヌクレオチド配列を検出する。当業者は、この実施態様に記載した本発明の実施にしたがい遺伝子プローブを末端標識する手段を知っている。

【0187】

この実施態様にしたがって、片方の末端標識したプローブの使用により該配列変異体を明確に位置決定できる。配列の変異点と該末端標識との距離は該切断産物のサイズにより表される。

【0188】

AMDの代替的实施態様においては、該プローブはレポーター分子で両端が標識され、両DNA鎖の同時分析が容易になる。

【0189】

該検出手段がRT-PCRである場合、該核酸試料はローソニア由来のDNA

、又はその同族体、類似体若しくは誘導体の転写産物であるRNA分子を含む。その結果、この検定様式は一つ以上のローソニア遺伝子の発現を決定することが望まれる場合に特に有用である。この実施態様にしたがって、該RNA試料は逆転写され、続いて標準的な手法を用いて増幅された相補的な一本鎖DNAを生産する。

【0190】

本明細書に記載の実施態様の変形はマックフェルソンら（1991）により詳細に記載されている。

【0191】

本発明は、明らかに、動物におけるローソニア・スピーシーズ、特にローソニア・イントラセルラリスの感染を診断する目的で上に言及したいずれかの及びすべての検出手段の使用に及ぶ。

【0192】

上述した増幅反応検出手段は、該増幅DNAを該増幅反応で用いたプライマーのいずれとも異なるプローブとハイブリダイズすることなどにより、さらに古典的なハイブリダイゼーション反応検出手段と共役させて本発明方法の感度及び特異性をさらに増強できる。

【0193】

同様に、上述したハイブリダイゼーション反応検出手段は第一ハイブリダイゼーション反応で用いたプローブと異なるプローブを用いてさらに第二ハイブリダイゼーション工程と共役できる。

【0194】

本発明のさらなる側面は配列番号：2に由来する単離されたプローブ若しくはプライマー又はそれに相補的なヌクレオチド配列を提供する。

【0195】

本発明は国際特許出願番号PCT/AU96/00767に記載のFlgEポリペプチドのC末端領域を含まない免疫原性ポリペプチド又はそれをコードするヌクレオチド配列又はそのためのワクチン組成物には及ばない。

【0196】

本発明を下記の非限定的な実施例でさらに記載する。

【0197】

実施例1

ブタ組織の起源

感染したブタの腸

自然に又は実験的にPPEで感染させたブタから、ひどく厚くなった回腸の切片を採取した。その回腸におけるL・イントラセルラリス細菌の存在は、特異的なモノクローナル抗体(マックオリストラ、1987)での免疫蛍光染色により確認した。適当な抗体の一例はエディンバラ大学、英国から入手できるIG4モノクローナル抗体である。

【0198】

実施例2

感染したブタの回腸からのローソニア・イントラセルラリス細菌の単離

ローソニア・イントラセルラリス細菌は、以下の通り、濾過によりブタのPPE病巣から直接抽出し、そしてパーコール(ファルマシア社、ウプサラ、スウェーデン)勾配で更に精製した。感染した回腸をブタから回収し、L・イントラセルラリスの存在は-80で保存する前に組織学的に確認した。回腸の切片を解凍し、該腸壁から約8gの感染した粘膜をこすり落とした。この粘膜をサーバル万能ミキサーを用いて半開スピードで10秒間、40mlの滅菌リン酸緩衝食塩水(PBS)でホモジナイズした。この懸濁液を2000×gで4分間遠心分離した。その上清を捨て、細胞ペレットを40mlのPBSに再懸濁し、再遠心分離した。この洗浄工程を2回繰り返した。次いで、この細胞ペレットを20mlのPBSに再懸濁し、全開スピードで一分間ホモジナイズしてL・イントラセルラリス細菌を放出させた。

【0199】

このホモジネートは1000×gで4分間遠心分離し、ホモジナイズされた上皮細胞及び腸内細菌の粗混合物を含むペレットを得た。この上清を孔径3µm、1.2µm及び0.8µmのフィルター(ミリポア社、マサチューセッツ州、米国)で濾過した。この濾過液を8000×gで30分間遠心分離してL・イント

ラセルラリス細菌の小さなペレットを得た。このL・イントラセルラリス細菌は下記の通りに45%自己形成パーコール勾配を用いてさらに精製した。即ち、2mlの細菌調製物を30mlの45%自己形成パーコール(ファルマシアLKB社、ウプサラ、スウェーデン)勾配(45%v/vのパーコール、150mMのNaCl)中で反転させることにより混合した。この勾配は、SS34ローターを用いて、4、20,000rpmで30分間、サーバル遠心分離機で遠心分離した。通常、幾つかのバンドが該勾配内で形成する。L・イントラセルラリス細菌を含むバンド(通常チューブの底から約10~20mmに位置する)を回収し、容量をPBSで16mlにした。次に、この溶液を8000rpmで15分間遠心分離した。得られたペレットはPBSで洗浄した後、約1mlの最終容量で再懸濁した。

【0200】

実施例3

ローソニア・イントラセルラリスのゲノムDNAの精製

ゲノムDNAは、アンダーソンら(1984)及びサムブルックら(1989)記載の方法により、感染したブタの回腸の削片(実施例2)から回収しパーコール勾配で精製したローソニア・イントラセルラリス細菌から抽出した。

【0201】

簡潔に述べれば、このL・イントラセルラリス細胞を14,000×g、4で15分間遠心分離することによりペレット化した。この細胞は10mlのTE緩衝液(1mMのトリス塩酸、0.1mMのEDTA、pH8.0)に再懸濁し、上記のように遠心分離した。次いで、このペレットを4mg/mlのリゾチーム(シグマケミカル社)を含む4mlのTE緩衝液に再懸濁し、37で20分間インキュベートした。SDS及びプロテイナーゼK(プロメガ社、ウィスコンシン州、米国)を最終濃度が1%(w/v)及び200µg/mlになるようそれぞれ添加し、45で4時間インキュベーションを続けた。次いで、この溶菌液を等容量のフェノール、フェノール:クロロホルム(1:1)及びクロロホルムでそれぞれ抽出し、エタノール沈殿により上清から核酸を回収した。このペレットを緩やかにTEに溶解し、37で30分間リボヌクレアーゼA(プロメガ社、ウィス

コンシン州、米国)で処理した後、0.5% (w/v) のSDSの存在下、50 で1時間プロテイナーゼKで消化した。もう一巡、フェノール：クロロホルム(1:1)及びエタノール沈殿を行った後、この精製DNAをTEに溶解した。次いで、このDNAを4 で保存した。

【0202】

実施例4

ワクチン接種されたブタから得られた実験用血清を用いた

L. イントラセルラリスライブラリーの免疫スクリーニング

実施例3から得られたゲノムDNAを制限エンドヌクレアーゼSau3A(プロメガ社)で部分消化し、ラムダZAPエクスプレス(ストラタジーン社、カリフォルニア州、米国)内に連結した。このラムダライブラリーを、150mmのL-プロス寒天プレートにつき1,000ファージ形成単位(pfu)の密度で大腸菌XL1ブルー細胞の菌叢上を覆った。該ライブラリーをプロトプロットテクニカルマニュアル(プロメガ社、ウィスコンシン州、米国)に記載の方法を用いてスクリーニングした。該フィルターを、ブロッキング緩衝液(10mMのトリス塩酸、pH8.0、150mMのNaCl、0.05%のツウィーン20及び5%のプロット)中でブロッキングした後、Y12ブタ及び/又は395ブタから得られる血清を用いてスクリーニングした。このY12ブタ及び395ブタは、国際特許出願第PCT/AU96/00767号に記載されたように、ホルマリンで殺したL. イントラセルラリス及び熱で殺したL. イントラセルラリスでそれぞれ予め免疫化されたものであった。一次スクリーニングで同定された陽性プラークを選び、より低密度で再プレートし、個々の陽性プラークが同定されるまで、いずれかの血清又は両方の血清で再スクリーニングした。この陽性ラムダファージクローンから得られたプラスミドDNAを製造業者(ストラタジーン社、カリフォルニア州、米国)により推奨される通りにインビボ切除により単離した。L. イントラセルラリスのflgE遺伝子の一部を含むクローンは、このようにして同定された。

【0203】

実施例5

ファージクローンを発現するL・イントラセルラリスの分析

陽性の ZAP II エキスプレスファージクローンから得られたファージミド DNA は、製造業者（ストラタジーン社）により推奨される条件でインビボ切除により単離した。

【0204】

制限分析用のプラスミド DNA は、サムブルックら（1989）が記載するように、製造業者（ベーリンガー・マンハイム社、マンハイム、ドイツ）により推奨される通りにハイ・ピュア・プラスミド・キットを用いて自動配列決定のためにアルカリ溶解により抽出した。

【0205】

実施例 4 に記述したように単離したクローンから、ローソニア・イントラセルラリスの f1gE 遺伝子の 5' 領域のヌクレオチド配列（1005 bp）を得た。f1gE 遺伝子の残りの部分はベクトレット・システムを用い、製造業者（ゲノシス・バイオテクノロジーズ社、TX、USA）の記述に従って増幅した。

【0206】

簡単に述べれば、このベクトレット・システムによれば、一つのプライマーの配列だけが知られている特定の DNA 断片の増幅が可能となる。下記のように三つの基本的工程がある。即ち

(i) 制限酵素で標的 DNA（この場合は、ローソニア・イントラセルラリスのゲノム DNA）を消化する工程、

(ii) 消化された DNA に合成オリゴヌクレオチドを連結する工程、及び

(iii) f1gE の既知の 5' 配列に特異的な第一のプライマー及び連結した合成オリゴヌクレオチドに向けての第二のプライマーを用いて残りの f1gE ヌクレオチド配列を増幅する工程である。

【0207】

f1gE 遺伝子を含むこの増幅産物のヌクレオチド配列を次に得た。自動配列決定法の色素ターミネーター法（ABI バイオシステムズ, CA, USA）により、増幅した DNA 及び単離されたクローン挿入体の DNA 配列決定を行った。f1gE 遺伝子の完全コード領域のヌクレオチド配列は配列番号：2 に記述する

。

【0208】

実施例6

L. イントラセルラリス成分の同定

実施例4及び実施例5から同定された推定ワクチン候補をコードするDNA分子の配列類似性は、BLASTアルゴリズム（ギシュとステーツ、1993）を用いて同定した。配列番号：2のヌクレオチド配列及びその対応する演繹アミノ酸配列（配列番号：1）は他の病原体微生物由来の鞭毛フックポリペプチドに配列類似性を有する（図1）。ローソニア・イントラセルラリスFlgEポリペプチドの独特の領域は、このポリペプチドのアミノ酸配列と他の微生物からのものとの比較から明らかである（図1）。

【0209】

実施例7

大腸菌における組換えFlgEの発現と精製

flgE遺伝子を下記のプライマーを用いてL. イントラセルラリス染色体DNAから増幅した。

プライマーFlaF：

5'- GCGAATTCCATATGATGGGGAGTTTGTTTATTG
NTGCC-3' (SEQ ID NO:5)、及び

プライマーFlgE3'：

5'- GCTCTAGAGACTAGTCATATTAACGCTTTAGTT
CAAGTGC-3' (SEQ ID NO:6)

【0210】

得られる1.5 kbのPCR断片をpGEMT-TAベクター（プロメガ）中にクローニングした。XbaIで完全消化及びNdeIで部分消化した後、このFlgEを含むDNA断片を単離した。得られるバンドをゲル精製し、NdeI-XbaI断片として、熱誘導性ラムダ-PL発現ベクター中に方向を合わせてクローニングした。

【0211】

この組換えベクターを大腸菌細胞中に導入し、30℃に維持した。FlgE発現の熱誘導はインキュベーション温度を42℃にシフトしたときに起こった。

【0212】

組換えFlgEを発現する大腸菌の湿菌体を10,000psi(2回通過)でホモジナイズすることにより溶解し、組換えFlgEタンパク質を含む粒状物を遠心分離で集めた。このペレット状物質を、2×RIPA/TET緩衝液〔2×RIPAは20mMトリス(pH7.4)、0.3MのNaCl、2.0%デオキシコール酸ナトリウム、及び2%(v/v)IgepalCA-630(商標)(シグマ)、そしてTETは0.1Mトリス(pH8.0)、50mMのEDTA及び2%(v/v)トリトンX-100〕の5:4(w/v)で洗浄した。次いで、洗浄したペレットを8M尿素、50mMトリス、pH8.0に溶解し、遠心分離(40,000×g、40分間)した。

【0213】

可溶化したタンパク質を、4M尿素、50mMトリス、pH7.0を緩衝液として用いるQ-セファロースFFカラムにかけ、食塩の勾配を用いて溶出した。目的のタンパク質は10~15%NaCl濃度でこのカラムから溶出した。プールした溶出画分を、10kDa分子量遮断膜を用い、2M尿素、50mMトリス(pH7.2)に対し段階透析を行い、次いで50mMトリス、pH7.0に対し段階透析した。最終生成物は0.22µmを通して濾過した。濾液のタンパク質濃度は0.85mg/mlであり、SDS/PAGEで測定すると約80%より高い純度であると評価された。

【0214】

実施例8

寄託のための生物材料の調製 - flgEの増幅

鋳型DNAはL・イントラセルラリスで感染させたブタの回腸から単離した感染ブタ腸粘膜から単離したDNAから精製した。腸粘膜からのDNA精製はノローら(1996)の方法に従って行った。汚染している多糖類及び他の物質の存在のため、試料中の該DNA含量は定量できなかった。この試料をPCR増幅により経験的に使用した。

【0215】

PCR増幅は、50 µl容量中、1 µlのブタ腸粘膜、それぞれ1 µMの前向きプライマー (RA170:5'CTATTTT TAGGAGATGTTATC3'、配列番号:3)及び逆向きプライマー (RA171:5'TACAAAATTAACAATAAAATAC3'、配列番号:4)、7.5ユニットのクレンタックポリメラーゼ (ABペプタイズ社、セントルイス、ミズーリー)、0.075ユニットのPfuポリメラーゼ (ストラタジーン・クローニング・システム、ラホーヤ、カリフォルニア)、1×PC2 (クレンタック1) 緩衝液及び0.2 mM dNTPs から構成された。PCRは4段階で行った。即ち、(i) 94 で5分間、(ii) 94 で1分間、58 で30秒間、72 で2分間、×33回、(iii) 72 で10分間、(iv) 4 に保持、である。

【0216】

L. イントラセルラリスのflgE遺伝子をコードするPCR断片をpCR2.1-TOPO (インビトロゲン社、カールスバード、CA) 中にサブクローニングし、pALK11 (ATCC受託番号207156) と名付けた。

【0217】

微生物の寄託

このプラスミドpALK11は、1999年3月11日に米国、バージニア州20110、マナサス、ユニバーシティー・ブールバード10801にあるアメリカン・タイプ・カルチャー・コレクション (ATCC) に寄託し、ATCC受託番号207156を受けた。

【0218】

引用文献

1. アルツヴィア, Y., シュエラー, O. 及びマルガリート, H. (1995). J. Mol. Biol. 249: 244-250.
2. アマンとプロシウス (1985). Gene 40: 183. _____
3. アンダーソン, B.J., M.M. ビルス, J.R. イーゲルトン, 及びJ.S. マティック (1984). Journal of Bacteriology 160: 748-754. _____
4. オーズベル, F.M., プレント, R., キングストン, RE, ムーア, D.D., セ

ッドマン, J.G.、スミス, J.A.、及びスツルール, K. (1987)。In: Current Protocols in Molecular Biology. Wiley Interscience (ISBN 047150338)。

5 . バーカー, I.K.とヴァン・ドリュメル, A.A. (1985)。Pathology of Domestic Animals, 3rd Edition, Vol.2 p.1-237, K.V.F. ジュブ、P.C.ケネディーとN.パルメール編 (アカデミックプレス: オランダ)。

【0219】

6 . コールら(1985)。In: Monoclonal antibodies in cancer therapy, アラン R. Biss Inc., pp77-96。

7 . デイホフ, M.D.(1978)。In: Nat. Biomed. Res. Found., ワシントン D.C .、Vol5, 補遺3。

8 . デ・グローツ, A.S.、カーター, E.J.、ロバーツ, C.G.P.、エデルソン, B.T.、ジェスデル, B.M.、マイスター, G.E.、ホフテン, R.A.、モントヤ, J.、ロムロ, R.C.、ベルゾフスキー, J.A.及びラミレツム, B.D.L.L.(1995)。Vaccines 96, Cold Spring Harbor Laboratory, Cold Spring Harbor NY。

9 . デベリュックス, J.、ヘベルリ, P.及びスミシース, O.(1984)。Nucl. Acids. Res. 12: 387-395。

10 . エルウェル, MR、チャップマン, AL及びフレンケル, JK(1981)。Veterinary Pathology18: 136-139。_____

【0220】

11 . フォックス, JG、ムルフィー, JC、オッター, G.、ペッククエット - ゴード, ME、ラルソン, QHK及びスコット JA (1989)。Veterinary Pathology 26: 515-517。

12 . ガブリエル, E.、マイスター, G.E.、キャロライン, G.P.、ロバーツ, C. G.P.、ベロゾフスキー, J.A.及びデ・グローツ, A.S.(1995)。Vaccines 95, Cold Spring Harbor Laboratory, Cold Spring Harbor NY 。

13 . ゲブハート, C.J.、ワード, G.E.、チャング, K.及びクルツ, H.J.(1983)。American Journal of Veterinary Research 44: 361-367。_____

14 . ギシュ, W.とステート, D.J. (1993)。Nature Genetics 3: 266-272 。

15 . グードマンら (1987)。Biopolymers 26: 525-532 。

【0221】

16. フゼら (1989)。Science 246: 1275-1281 。
17. ジョネス, L.A.、ニーベリンク, S.及びグロック, R.D. (1997)。Am. J. Vet. Res. 58: 1125-1131 。
18. ジョンソン, L.とマーティンソン, K.(1976)。Acta Veterinaria Scandinavica 17: 223-232 。
19. コーラ - とミルスタイン(1975)。Nature 256: 495-499 。
20. コズボールら(1983)。Immunol. Today 4: 72。

【0222】

21. ローソン, G.H.K.、マックオリスト, S.、ジャンシ, S.及びマッキー, R. A. (1993)。Journal of Clinical Microbiology 31: 1136-1142 。
22. ラブ, R.J.とラブ, D.M. (1977)。Veterinary Record 100: 473 。
23. マルガリート, H.、スポウゲ, J.L.、コルネット, J.L.、シーズ, K.B.、デリシ, C.及びベルゾフスキー, J.A. (1987)。J. Immunol. 138: 2213-2229 。
24. マソン, RW、モントン, P及びハゼ, D (1998)。Australian Veterinary Journal (submitted for publication)。
25. マックオリスト, S.、ボイド, R.、ローソン, G.H.K.及びマックコンネル, I. (1987)。The Veterinary Record 121: 421-422 。

【0223】

26. マックオリスト, S.、ジャスニ, S.、マッキー, RA、マシントイレ, N.、ニーフ, N.及びローソン, GHK (1993)。Infection and Immunity 61: 4286-4292 。
27. マックオリスト, S.ら (1995)。International Journal of Systematic Bacteriology 45: 820-825 。
28. マックフェルソン, M.J.、キルケ, P.及びテイラー, G.R. (1991)。In: PCR: A Practical Approach. (series editors, D.リックウッドとB.D.ハメス) IRL Press Limited, Oxford, pp1-253。
29. マイスター, G.E.、ロバーツ, C.G.P.、ベルゾフスキー, J.A.及びデ・グロート, A.S. (1995)。Vaccine 13: 581-591。

30. ミエルケら(1990)。Int.J. Peptide Protein Research 35: 35-45 。
【0224】
31. モハパトラ, S.S.、カオ, Y.、ニ, H.及びサロ, D. (1995)。Allergy 50:
37-44。
32. ニードルマンとヴァンシュ(1970)。J. Mol.Biol. 48: 443-453。 _____
33. ノロー, P., モサー, C.及びウェイジナー, C., (1996) Bio Techniques
20: 784-788。
34. オニール, I.P.A.(1970)。Veterinary Record 87: 742-747。 _____
35. パルカー, K.C.、ベッドナルエク, M.A.及びコリーガン, J.E.(1994)。J.
Immunol. 152: 163-175。 _____
36. ポルトヘゼら(1990)。J. Med. Chem. 33: 1714-1720 。 _____
【0225】
37. レインハルツ, A.、アラジェム, S.、サムソン, A.及びヘルツベルグ, M.
(1993)。Gene 136: 221-226。 _____
38. ローランド, A.C.とローソン, G.H.K.(1976)。Veterinary Record 97: 17
8-180 。
39. サンプルック, J.、E.F.フリッシュ及びT.マニアティス(1989)。Molecula
r Cloning. A laboratory manual, Second edition. Cold Spring Harbor Labor
atory, Cold Spring Harbour, N.Y.
【0226】
40. シュオデブ, TRとフォックス, JG (1990)。Veterinary Pathology 27: 73
-80。
41. シマタケとローゼンベルグ (1981)。Nature 292: 128。 _____
42. スティルズ, H.F. (1991)。Infection and immunology 59: 3227-3236。
43. ストロー, B.E. (1990)。Journal of American Veterinary Medical Asso
ciation 197: 355-357。
44. スツディールとモファ(1986)。J. Mol. Biol. 189: 113 。 _____
【0227】
45. トンプソン, J.D.、ヒギンス, D.G.及びギブソン, T.J.(1994)。Nucl. Ac

ids Res. 22: 4673-4680。

46. バジャ, S.とデリシ, C.(1990)。Biopolymers 29: 1755-1772。 _____

47. ヴァン・レゲンモルテル, M. (1992)。Molecular dissection of protein antigens. In: Structure of antigens, (バンレーゲンモルテル, M.編) CRC プレス、ロンドン、1-27頁。

【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110> Agriculture Victoria Services Pty Ltd AND Pig Research and Development Corporation AND Pfizer Products Inc.

<120> Novel lawsonia spp. gene and uses therefor IV

<130> p:\oper\mro\lawson-4.pct

<140>

<141>

<150> US 60/133,973

<151> 1999-05-12

<160> 6

<170> PatentIn Ver. 2.0

<210> 1

<211> 502

<212> PRT

<213> Lawsonia intracellularis

<400> 1

Met Met Gly Ser Leu Phe Ile Gly Ala Thr Gly Met Lys Thr His Ser

1 5 10 15

Thr Gly Leu Gly Thr Val Ser Asn Asn Ile Ala Asn Ala Asn Thr Ile

20 25 30

Gly Tyr Lys Gln Gln Val Val Phe Gln Asp Leu Phe Ser Gln Asp

35 40 45

Leu Ala Ile Gly Ser Thr Gly Ser Gln Gly Pro Asn Gln Ala Gly Met

50 55 60

Gly Ala Gln Val Gly Ser Val Arg Thr Ile Phe Thr Gln Gly Ala Phe

65 70 75 80

	85	90	95
Phe Gln Val Thr Leu Glu Asp Lys Val His Tyr Thr Arg Ala Gly Asn			
	100	105	110
Phe Arg Phe Thr Gln Asp Gly Phe Leu Asn Asp Pro Ser Gly Phe Thr			
	115	120	125
Leu Met Gly Ser Arg Ile Ser Asn Asn Pro Asn Ile Lys Lys Glu Thr			
	130	135	140
Leu Glu Pro Ile Gln Leu Asp Phe Asn Asp Pro Thr Val Ala Lys Ser			
	145	150	155
Pro Ala Lys Thr Ser Thr Ala Leu Asn Ala Val Val Asn Leu Gly Asp			
	165	170	175
Ser Thr Asp Lys Thr Gln Ser Glu Ala Asn Pro Tyr Phe Ala Leu Leu			
	180	185	190
Glu Ser Trp Lys Gly Asn Gly Thr Pro Pro Ile Ser Thr Ser Asn Tyr			
	195	200	205
Ser Tyr Ala Gln Pro Met Arg Val Tyr Asp Gln Gln Gly Asn Ser His			
	210	215	220
Asp Ile Thr Val Tyr Phe Asp Gly Ala Pro Ser Ser Thr Gly Ser Lys			
	225	230	235
Thr Phe Glu Tyr Leu Val Ala Met Asn Pro Ser Glu Asp Gly Ser Ala			
	245	250	255
Ala Ser Gly Thr Asp Ser Ala Gly Leu Leu Met Ser Gly Thr Met Thr			
	260	265	270

Phe Ser Ser Asn Gly Glu Leu Lys Asn Met Thr Ala Phe Thr Pro Thr
 275 280 285

Gly Ser Ala Thr Lys Asp Leu Asn Ala Trp Gln Pro Ala Pro Leu Val
 290 295 300

Asn Gly Leu Pro Gln Phe Ser Ala Asn Phe Val Gly Ala Gly Ile Gln
 305 310 315 320

Pro Leu Thr Leu Asp Phe Gly Ile Lys Ser Gln Gln Asn Met Trp Ala
 325 330 335

Gly Ala Pro Ala Ser Ala Ala Ala Ile Gly Thr Asp Ile Gly Lys Leu
 340 345 350

Pro Ser Met Met Pro Ile Gln Thr Ser Ser Gly Asn Ser Thr Ala Arg
 355 360 365

Asn Gly Ser Ser Ser Thr Arg Arg Tyr Ser Gln Asp Gly Tyr Pro Gln
 370 375 380

Gly Asp Leu Val Asp Val Thr Ile Thr Ser Glu Gly Lys Leu Gln Gly
 385 390 395 400

Lys Tyr Ser Asn Ser Gln Val Val Asp Phe Tyr Asn Ile Pro Leu Ala
 405 410 415

Arg Phe Thr Ser Glu Asp Gly Leu Arg Arg Glu Gly Asn Asn His Tyr
 420 425 430

Ser Ala Thr Leu Asp Ser Gly Gly Pro Glu Phe Gly Leu Pro Gly Thr
 435 440 445

Ser Asn Tyr Gly Lys Leu Ser Val Asn Gln Leu Glu Thr Ser Asn Val
 450 455 460

Asp Met Ser Arg Glu Met Val Asn Met Ile Ile Ile Gln Arg Gly Phe
 465 470 475 480

Gln Met Asn Ser Lys Ser Val Thr Thr Ala Asp Thr Met Leu Gln Lys
 485 490 495

Ala Leu Glu Leu Lys Arg
 500

<210> 2

<211> 1509

<212> DNA

<213> *Lawsonia intracellularis*

<220>

<221> CDS

<222> (1)..(1506)

<400> 2

atg atg ggg agt ttg ttt att ggt gca aca ggt atg aaa acc cat agt 48
 Met Met Gly Ser Leu Phe Ile Gly Ala Thr Gly Met Lys Thr His Ser
 1 5 10 15

aca ggg ttg ggt act gtc tcc aat aat att gct aac gca aat acc att 96
 Thr Gly Leu Gly Thr Val Ser Asn Asn Ile Ala Asn Ala Asn Thr Ile
 20 25 30

ggg tat aag cag caa cag gta gtg ttt caa gac ctg ttt agt caa gat 144
 Gly Tyr Lys Gln Gln Gln Val Val Phe Gln Asp Leu Phe Ser Gln Asp
 35 40 45

tta gca ata ggt tct act gga agt cag ggg cca aac cag gct ggt atg	192
Leu Ala Ile Gly Ser Thr Gly Ser Gln Gly Pro Asn Gln Ala Gly Met	
50 55 60	
gga gca cag gtt gga agt gtt cgc aca att ttt aca cag ggt gct ttt	240
Gly Ala Gln Val Gly Ser Val Arg Thr Ile Phe Thr Gln Gly Ala Phe	
65 70 75 80	
gaa cct ggc aat agt gta aca gat ctt gct att ggt gga aaa ggt ttt	288
Glu Pro Gly Asn Ser Val Thr Asp Leu Ala Ile Gly Gly Lys Gly Phe	
85 90 95	
ttt cag gtt aca tta gag gat aaa gta cac tat aca cga gca ggg aat	336
Phe Gln Val Thr Leu Glu Asp Lys Val His Tyr Thr Arg Ala Gly Asn	
100 105 110	
ttt cgt ttt act caa gat ggt ttt tta aat gat cct agc gga ttt act	384
Phe Arg Phe Thr Gln Asp Gly Phe Leu Asn Asp Pro Ser Gly Phe Thr	
115 120 125	
tta atg ggc tca aga ata tct aat aat cct aac ata aaa aag gaa acc	432
Leu Met Gly Ser Arg Ile Ser Asn Asn Pro Asn Ile Lys Lys Glu Thr	
130 135 140	
ctt gaa cca att cag tta gac ttt aat gat cct aca gta gca aag tct	480
Leu Glu Pro Ile Gln Leu Asp Phe Asn Asp Pro Thr Val Ala Lys Ser	
145 150 155 160	
cct gca aaa aca agt aca gca tta aac gct gtg gta aac ctt ggt gat	528
Pro Ala Lys Thr Ser Thr Ala Leu Asn Ala Val Val Asn Leu Gly Asp	
165 170 175	
agt aca gat aaa aca caa agt gaa gct aat cca tac ttt gca ctt ctt	576
Ser Thr Asp Lys Thr Gln Ser Glu Ala Asn Pro Tyr Phe Ala Leu Leu	

180	185	190	
gag agc tgg aaa gga aat gga aca cct cct att tct aca tca aac tac 624			
Glu Ser Trp Lys Gly Asn Gly Thr Pro Pro Ile Ser Thr Ser Asn Tyr			
195	200	205	
tca tat gca caa cct atg aga gta tat gat caa caa gga aat tct cac 672			
Ser Tyr Ala Gln Pro Met Arg Val Tyr Asp Gln Gln Gly Asn Ser His			
210	215	220	
gat ata act gta tat ttt gat gga gca ccc tct tca aca gga agt aaa 720			
Asp Ile Thr Val Tyr Phe Asp Gly Ala Pro Ser Ser Thr Gly Ser Lys			
225	230	235	240
aca ttt gaa tac ctt gta gct atg aat cct agt gaa gat gga agt gct 768			
Thr Phe Glu Tyr Leu Val Ala Met Asn Pro Ser Glu Asp Gly Ser Ala			
245	250	255	
gca tca gga aca gat agt gca ggt ctc tta atg tct gga act atg aca 816			
Ala Ser Gly Thr Asp Ser Ala Gly Leu Leu Met Ser Gly Thr Met Thr			
260	265	270	
ttt tca agt aat ggc gaa tta aaa aat atg aca gct ttt act cct act 864			
Phe Ser Ser Asn Gly Glu Leu Lys Asn Met Thr Ala Phe Thr Pro Thr			
275	280	285	
ggc tct gca aca aaa gat tta aat gca tgg caa cca gca cca tta gtc 912			
Gly Ser Ala Thr Lys Asp Leu Asn Ala Trp Gln Pro Ala Pro Leu Val			
290	295	300	
aat ggt tta cca cag ttt tca gca aat ttt gtt ggt gca gga ata cag 960			
Asn Gly Leu Pro Gln Phe Ser Ala Asn Phe Val Gly Ala Gly Ile Gln			
305	310	315	320

cct tta aca tta gac ttt gga att aaa agc caa cag aat atg tgg gca	1008
Pro Leu Thr Leu Asp Phe Gly Ile Lys Ser Gln Gln Asn Met Trp Ala	
325 330 335	
gga gct cca gca tcc gct gct gcc ata ggt aca gat att ggg aaa ttg	1056
Gly Ala Pro Ala Ser Ala Ala Ala Ile Gly Thr Asp Ile Gly Lys Leu	
340 345 350	
cca tca atg atg cca ata caa aca tcc agc ggt aat tct aca gca aga	1104
Pro Ser Met Met Pro Ile Gln Thr Ser Ser Gly Asn Ser Thr Ala Arg	
355 360 365	
aat gga tca tct tca aca aga aga tat agc caa gat ggt tat cct cag	1152
Asn Gly Ser Ser Ser Thr Arg Arg Tyr Ser Gln Asp Gly Tyr Pro Gln	
370 375 380	
gga gat cta gta gat gtc aca att acc tct gaa ggg aaa tta caa ggt	1200
Gly Asp Leu Val Asp Val Thr Ile Thr Ser Glu Gly Lys Leu Gln Gly	
385 390 395 400	
aag tat agt aat agt cag gtt gtt gat ttt tat aat att cct tta gca	1248
Lys Tyr Ser Asn Ser Gln Val Val Asp Phe Tyr Asn Ile Pro Leu Ala	
405 410 415	
cgc ttt aca agt gag gat gga tta aga cga gaa ggg aat aac cat tat	1296
Arg Phe Thr Ser Glu Asp Gly Leu Arg Arg Glu Gly Asn Asn His Tyr	
420 425 430	
tcc gca aca ctt gac tca ggt ggg cca gag ttt gga ttg cca gga aca	1344
Ser Ala Thr Leu Asp Ser Gly Gly Pro Glu Phe Gly Leu Pro Gly Thr	
435 440 445	
tct aac tat gga aaa ctt agt gtg aat caa ctt gag act tct aac gta	1392
Ser Asn Tyr Gly Lys Leu Ser Val Asn Gln Leu Glu Thr Ser Asn Val	
450 455 460	

gac atg agc aga gaa atg gtt aat atg att att att caa cgt ggt ttt 1440
 Asp Met Ser Arg Glu Met Val Asn Met Ile Ile Ile Gln Arg Gly Phe
 465 470 475 480

cag atg aat agt aaa tct gtt aca aca gca gac aca atg cta caa aaa 1488
 Gln Met Asn Ser Lys Ser Val Thr Thr Ala Asp Thr Met Leu Gln Lys
 485 490 495

gca ctt gaa cta aag cgt taa 1509
 Ala Leu Glu Leu Lys Arg
 500

<210> 3

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:oligonucleotide

<400> 3

ctatttttag gagatgttat c 21

<210> 4

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:oligonucleotide

<400> 4

tacaaaatta acaataaaat ac 22

```

<210> 5
<211> 38
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Description of Artificial Sequence:oligonucleotide
<400> 5
gcgaattcca tatgatgggg agtttgttta ttgntgcc
38

<210> 6
<211> 40
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Description of Artificial Sequence:oligonucleotide
<400> 6
gctctagaga ctagtcatat taacgcttta gttcaagtgc
40

```

【図面の簡単な説明】

【図1】

図1は、ローソニア・イントラセルラリス(L. i n t)鞭毛フックタンパク質であるF l g Eのアミノ酸配列をトレポネマ・ファゲデニス(Treponema phag edenis) (T. phage)、トレポネマ・パリデウム(Treponema pallidum) (T. pall i)、サルモネラ・ティフィムリウム(S. typhi)、大腸菌(E. coli)、アクイフェックス・アエオリクス(A. aeo)、ヒブリオ・パラヘモリティクス(V. parah)、及びボレリア・ブルグドルフェリ(B. burgd)由来の鞭毛フックタンパク質のアミノ酸配列と比較する図式的表示である。空所は整列を最適化するために導入された。ローソニア・イントラセルラリスのF l g Eポリペプチド(配列番号: 1)と比べ同一のアミノ酸を含む位置は陰影を付してある。8個の配列全てで同一であった残基は太字で示してある。

【図1(i)】

図1(i)は、図1の一部を構成する図である。

【図1(ii)】

図1(ii)は、図1の一部を構成する図である。

【図1(iii)】

図1 (i i i) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (i v)】

図1 (i v) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (v)】

図1 (v) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (v i)】

図1 (v i) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (v i i)】

図1 (v i i) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (v i i i)】

図1 (v i i i) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (i x)】

図1 (i x) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (x)】

図1 (x) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (x i)】

図1 (x i) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (x i i)】

図1 (x i i) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (x i i i)】

図1 (x i i i) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (x i v)】

図1 (x i v) は、図1の一部を構成する図である。

【図1 (x v)】

図1 (x v) は、図1の一部を構成する図である。

【図1】

(i)	(ii)	(iii)
(iv)	(v)	(vi)
(vii)	(viii)	(ix)
(x)	(xi)	(xii)
(xiii)	(xiv)	(xv)

【図1 - 1】

L.	int	M	M	G	S	L	F	I	G	A	T	G	M	K	T	H	S
T.	phage	M	M	R	S	L	F	S	G	V	S	G	M	Q	N	H	S
T.	palli	M	M	R	S	L	F	S	G	V	S	G	M	Q	N	H	S
S.	typhi	-	-	M	S	L	F	S	G	V	S	G	M	N	A	A	A
E.	coli	-	-	M	A	F	S	Q	G	V	S	G	L	N	A	A	A
A.	aeoli	M	L	R	S	F	S	N	G	I	T	G	M	N	A	S	R
V.	parah	-	-	M	S	F	N	I	G	L	S	G	L	D	V	S	N
B.	burgd	M	M	R	S	L	Y	S	G	V	S	G	L	Q	N	H	Q
L.	int	G	S	Q	P	N	K	Q	A	G	M	G	A	Q	V	G	S
T.	phage	G	V	N	-	P	K	E	V	G	L	G	V	M	V	A	S
T.	palli	G	V	N	-	P	K	E	V	G	L	G	V	L	I	A	S
S.	typhi	G	S	-	-	-	-	K	V	G	L	G	V	L	V	A	G
E.	coli	G	S	-	-	-	-	K	V	G	L	G	V	K	V	A	G
A.	aeoli	G	T	V	K	T	T	T	F	G	A	G	A	V	V	D	S
V.	parah	G	M	Q	-	P	-	-	-	G	-	G	V	E	A	S	S
B.	burgd	G	T	N	-	P	K	Q	V	G	L	G	M	N	V	A	S

【图1 - 2】

Q	R	R	T	T	R	R	R	I	I	I	I	I	I	V
Q	G	G	G	G	S	A	G	A	A	S	A	A	A	A
Q	R	R	S	S	K	G	K	L	I	V	V	V	L	L
K	K	K	K	K	K	K	K	D	D	D	D	D	D	D
Y	F	F	F	F	F	F	F	T	T	T	L	L	T	M
G	G	G	G	G	G	G	G	V	N	N	G	G	T	S
I	T	T	Y	Y	V	Y	I	S	I	I	R	R	I	R
T	T	T	T	T	T	T	T	N	G	G	G	G	E	G
N	N	N	A	A	N	S	N	G	T	T	T	T	T	T
A	V	V	S	S	A	A	V	P	T	T	N	N	Q	G
N	N	N	N	N	N	N	N	E	Q	Q	T	T	K	T
A	A	A	A	A	A	A	A	F	L	L	T	T	F	I
I	V	V	I	I	L	I	I	A	A	A	T	T	S	S
N	N	N	N	N	N	N	N	G	G	G	G	G	G	G
N	N	N	N	N	D	H	N	Q	Q	Q	D	D	I	N
S	G	G	G	G	S	S	G	-	-	-	-	-	K	-
V	I	I	I	I	T	I	V	T	T	T	T	T	D	T
T	V	V	V	V	V	T	V	F	H	H	F	F	W	F
G	D	D	D	D	D	N	D	I	V	V	D	D	V	N
L	M	M	L	L	L	L	M	T	T	T	Q	Q	K	Q
G	R	R	N	N	A	E	R	R	D	D	T	Q	S	D
T	T	T	T	T	F	T	T	V	I	I	I	I	T	I

【图1-9】

L	L	M	S	G	T	M	T	F	S	S	N	G	E	L	K	N	M	T	A	F	T
T	E	N	T	F	I	V	S	F	D	N	Y	G	H	L	A	-	-	-	-	-	S
A	A	N	T	F	I	V	N	F	D	N	F	G	H	L	A	-	-	-	-	-	S
T	A	S	T	T	T	L	K	F	N	E	N	G	I	L	E	-	-	-	-	-	S
T	-	-	A	T	T	L	E	F	N	A	N	G	T	L	V	-	-	-	-	-	S
T	D	I	V	F	L	D	L	F	N	D	Q	V	H	I	A	D	N	G	T	F	S
S	-	-	T	I	P	V	L	F	N	K	D	G	T	L	A	-	-	-	-	-	A
-	-	S	N	F	T	L	G	F	D	N	E	G	A	L	A	-	-	-	-	-	S
S	A	N	F	V	G	A	G	I	Q	P	L	L	L	D	F	G	I	K	S	Q	Q
S	Y	N	V	V	G	A	N	P	D	-	-	-	-	E	G	G	A	P	T	R	-
S	Y	N	V	V	G	A	N	P	D	-	-	-	-	D	A	G	Q	V	T	R	-
T	G	T	I	N	G	A	T	A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
T	G	A	I	N	G	A	E	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
E	V	D	L	T	P	E	S	G	P	S	E	I	N	D	P	-	-	-	E	S	Y
A	F	P	A	A	G	A	N	A	-	-	-	-	-	-	-	N	D	-	-	-	-
T	F	N	V	L	G	A	N	V	G	-	-	-	-	E	V	G	E	T	-	-	-

【図1-10】

L.	int	N	M	W	A	G	A	P	A	S	A	A	A	A	A	I	G	T	D
T.	phage	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	N	I	N
T.	palli	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	T	L	N
S.	typhi	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	S	L	S
E.	coli	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	F	S	L	S
A.	aeoli	L	N	K	L	G	A	K	L	G	S	E	M	Q	N	V	K	I	N
V.	parah	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	V	V	D	I	N
B.	burgd	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	V	V	N	L	K

L.	int	T	-	S	E	G	K	L	Q	G	K	Y	Y	Y	Y	S	S	Q	V
T.	phage	D	-	Q	S	G	I	I	T	G	V	Y	Y	Y	S	N	G	A	S
T.	palli	D	-	Q	S	G	V	I	T	G	V	Y	Y	Y	N	G	V	S	S
S.	typhi	N	-	N	D	G	T	V	V	G	N	Y	Y	Y	N	E	Q	E	T
E.	coli	N	-	D	D	G	T	V	V	G	N	Y	Y	Y	N	E	Q	E	T
A.	aeoli	L	S	E	D	G	V	V	V	G	V	Y	Y	Y	N	G	E	T	T
V.	parah	E	-	D	N	G	M	V	Y	A	T	Y	Y	Y	N	G	Q	S	R
B.	burgd	D	-	Q	D	G	V	I	V	G	I	Y	Y	Y	N	G	I	S	R

【图1-12】

I	I	I	I	I	V	V	I	Y	K	K	F	F	-	L	-
T	K	K	Q	Q	Y	R	E	N	G	G	N	N	N	T	-
V	F	F	Y	Y	L	V	Y	S	M	M	G	G	S	G	-
D	N	N	S	S	D	G	N	T	V	V	S	T	G	S	-
V	E	E	V	V	I	A	E	G	G	G	G	G	G	G	-
L	L	L	L	L	L	L	M	P	S	S	A	A	P	P	-
D	Y	Y	D	D	E	E	Y	L	V	T	T	T	L	V	-
G	G	G	G	G	G	G	G	G	T	S	G	G	L	G	-
Q	M	M	P	P	R	S	M	F	I	I	L	L	I	M	-
P	A	A	K	K	A	T	G	E	N	N	L	L	T	I	-
Y	Y	Y	Y	Y	Y	Y	Y	P	A	A	A	A	P	P	-
G	G	G	G	G	G	G	G	G	I	I	V	V	-	A	-
D	D	D	N	N	D	N	D	G	G	G	G	G	-	G	-
Q	Q	Q	Q	Q	Q	P	Q	S	S	S	S	S	-	S	-
S	Q	R	N	T	D	S	I	D	N	N	A	S	T	S	-
Y	Y	Y	T	T	M	N	I	L	N	N	Q	Q	K	F	-
R	A	A	A	A	T	T	A	T	S	S	T	T	V	S	-
R	K	K	V	V	V	S	K	A	Q	Q	A	A	S	Q	-
T	T	T	I	I	V	V	T	S	I	V	A	S	A	T	-
S	T	T	N	N	F	G	S	Y	Y	Y	W	W	Y	W	L
S	S	S	N	N	A	F	S	H	T	T	V	V	L	A	I
S	R	R	A	A	A	A	S	N	N	N	N	N	N	T	L

【図1-13】

L.	int	G	K	L	S	V	N	S	T	D	M	S
T.	phage	G	K	L	I	A	N	S	T	D	L	T
T.	palli	G	K	L	I	A	N	S	T	D	L	T
S.	typhi	G	K	L	T	N	N	S	T	D	L	S
E.	coli	G	T	L	T	N	N	S	T	D	L	S
A.	aeoli	-	K	I	R	S	N	S	T	D	L	A
V.	parah	G	N	L	T	P	N	S	T	D	L	-
B.	burgd	-	-	-	-	-	N	S	T	D	L	-

【図1-14】

T	T	T	T	T	-	-	-
T	Q	Q	K	K	-	-	-
V	I	I	I	I	-	-	-
S	T	T	T	T	R	-	-
K	K	K	Q	Q	G	-	-
S	A	A	A	A	Q	-	-
N	G	G	N	N	T	-	-
M	A	A	S	S	V	-	-
Q	Q	Q	Q	Q	Q	-	-
F	F	F	Y	Y	Y	-	-
G	G	G	N	N	T	-	-
R	R	K	R	R	R	-	-
Q	Q	Q	Q	Q	Q	-	-
I	T	T	A	A	A	-	-
I	I	I	V	V	T	-	-
I	I	I	I	I	I	-	-
M	M	M	M	M	L	-	-
N	D	D	N	N	N	-	-
V	T	T	V	V	I	-	-
M	F	F	L	L	F	-	-
E	Q	Q	E	E	E	-	-
R	D	D	K	K	K	-	-

【図1-15】

R	R	R	-	-	-	-	-
K	K	K	R	R	-	-	-
L	L	L	L	L	-	-	-
E	N	S	N	N	-	-	-
L	L	L	V	V	-	-	-
A	V	V	L	L	-	-	-
K	T	T	T	T	-	-	-
Q	E	D	N	N	-	-	-
L	L	L	L	L	-	-	-
M	M	M	I	I	-	-	-
T	T	T	Q	Q	-	-	-
D	D	D	D	D	-	-	-
A	S	S	Q	Q	-	-	-

【國際調查報告】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT		International application No. PCT/AU00/00437
A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER		
Int. Cl. ⁷ : C07K 14/195, C07H 21/04, A61K 39/02, A61P 1/00		
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched		
Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) STN: WPIDS- Lawsonia, MEDLINE, HCA, BIOSIS- Lawsonia, polypeptide, gene, protein, peptide, immunogen, recombin ANGIS: sequence search		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	Veterinary Pathology (March 1998) 35 (2) 153-6. Boye M et al. 'Specific Detection of <i>Lawsonia intracellularis</i> in Porcine Proliferative Enteropathy Inferred from Fluorescent rRNA In Situ Hybridization'. See whole document	30-39
A	WO 9639629 A1 (NOBL LABORATORIES INC) 12 December 1996. See whole document	1-39
A	WO 9720050 A1 (PIG RESEARCH & DEVELOPMENT CORP) 5 June 1997. See whole document.	1-39
<input type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C <input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex		
* Special categories of cited documents:		
"A"	document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention
"E"	earlier application or patent but published on or after the international filing date	"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone
"L"	document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)	"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art
"O"	document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means	"&" document member of the same patent family
"P"	document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed	
Date of the actual completion of the international search 27 June 2000	Date of mailing of the international search report 05 JUL 2000	
Name and mailing address of the ISA/AU AUSTRALIAN PATENT OFFICE PO BOX 200, WODEN ACT 2606, AUSTRALIA E-mail address: pct@ipaustralia.gov.au Facsimile No. (02) 6285 3929	Authorized officer K. LEVER Telephone No.: (02) 6283 2254	

INTERNATIONAL SEARCH REPORT
Information on patent family members

International application No.
PCT/AU00/00437

This Annex lists the known "A" publication level patent family members relating to the patent documents cited in the above-mentioned international search report. The Australian Patent Office is in no way liable for these particulars which are merely given for the purpose of information.

Patent Document Cited in Search Report		Patent Family Member					
WO	9639629	AU	62627/96	CA	2222643	EP	843818
		US	5885823	US	5714375		
WO	9720050	AU	76141/96	CA	2236574	EP	871735
							END OF ANNEX

フロントページの続き

(51)Int.Cl. ⁷	識別記号	F I	テ-マコ-ト'(参考)	
A 6 1 P	35/00	C 0 7 K	16/12	4 H 0 4 5
C 0 7 K	14/195	C 1 2 Q	1/68	A
	16/12	G 0 1 N	33/53	D
C 1 2 Q	1/68			M
G 0 1 N	33/53		33/566	
	33/566		33/569	F
	33/569		33/577	B
	33/577	C 1 2 P	21/08	
// C 1 2 P	21/08	C 1 2 N	15/00	Z N A A
		A 6 1 K	37/02	
(81)指定国	E P (A T , B E , C H , C Y , D E , D K , E S , F I , F R , G B , G R , I E , I T , L U , M C , N L , P T , S E) , O A (B F , B J , C F , C G , C I , C M , G A , G N , G W , M L , M R , N E , S N , T D , T G) , A P (G H , G M , K E , L S , M W , S D , S L , S Z , T Z , U G , Z W) , E A (A M , A Z , B Y , K G , K Z , M D , R U , T J , T M) , A E , A G , A L , A M , A T , A U , A Z , B A , B B , B G , B R , B Y , C A , C H , C N , C R , C U , C Z , D E , D K , D M , D Z , E E , E S , F I , G B , G D , G E , G H , G M , H R , H U , I D , I L , I N , I S , J P , K E , K G , K P , K R , K Z , L C , L K , L R , L S , L T , L U , L V , M A , M D , M G , M K , M N , M W , M X , N O , N Z , P L , P T , R O , R U , S D , S E , S G , S I , S K , S L , T J , T M , T R , T T , T Z , U A , U G , U S , U Z , V N , Y U , Z A , Z W			
(71)出願人	オーストラリアン ポーク リミティッド オーストラリア国、オーストラリアン キ ャピタル テリトリー 2600、ディーキ ン、ガイルズ コート 43 - 49、レベル 1、ウェスト ウィング			
(72)発明者	パナッキオ, マイケル オーストラリア国、ビクトリア州 3104、 ノース ボールウィン、ヒル ロード 112番地			
(72)発明者	ローゼイ, エベレット, リー アメリカ合衆国、コネティカット州 06365、プレストン、ルート 164 457番 地			
(72)発明者	シニスタジ, メリー オーストラリア国、ビクトリア州 3183、 イースト セントキルダ、ゴーレー スト リート 3 / 60番地			

- (72)発明者 ハッセ, デトレフ
オーストラリア国、ビクトリア州 3429、
サンベリ、スカリン コート 4番地
- (72)発明者 パーソンズ, ジム
オーストラリア国、ビクトリア州 3095、
リサーチ、カナンダー コート 11番地
- (72)発明者 アンケンバウアー, ロバート, ジェラルド
アメリカ合衆国、コネティカット州
06379、ポーカタック、キャースル ヒル
ロード 104番地
- F ターム(参考) 4B024 AA01 AA10 AA13 BA31 CA04
CA09 HA14 HA17
4B063 QA19 QQ02 QQ58 QR55 QR62
QS24 QS34
4B064 AG27 DA01 DA11 DA15
4C084 AA02 AA07 BA01 CA53 DC50
NA14 ZB112 ZB262 ZC612
4C085 AA03 BA07 CC07 DD03 DD07
DD08 EE01 GG01
4H045 AA10 AA11 AA30 BA72 CA11
DA76 DA86 EA05 EA31 EA52

专利名称(译)	劳森氏菌衍生的基因和相关的FlgE多肽，肽和蛋白质及其用途		
公开(公告)号	JP2003516113A	公开(公告)日	2003-05-13
申请号	JP2000618320	申请日	2000-05-11
[标]申请(专利权)人(译)	辉瑞产品公司 农业维多利亚Sabishizu亲层等保守党有限公司 澳大利亚猪肉有限公司		
申请(专利权)人(译)	辉瑞产品股份有限公司Retiddo 农业维多利亚Sabishizu亲层等保守党有限公司 澳大利亚猪肉有限公司		
[标]发明人	パナッキオマイケル ローゼイエベレットリー シニスタジメリー ハッセデトレフ パーソンズジム アンケンバウアーロバートジェラルド		
发明人	パナッキオ,マイケル ローゼイ,エベレット,リー シニスタジ,メリー ハッセ,デトレフ パーソンズ,ジム アンケンバウアー,ロバート,ジェラルド		
IPC分类号	G01N33/53 A61K38/00 A61K39/00 A61K39/02 A61P1/00 A61P29/00 A61P35/00 C07K14/195 C07K14/205 C07K16/12 C12N15/09 C12P21/08 C12Q1/68 C12Q1/689 G01N33/566 G01N33/569 G01N33/577		
CPC分类号	A61K39/00 A61P1/00 A61P29/00 C07K14/195 C07K14/205 C12Q1/689		
FI分类号	A61K39/02 A61P1/00.171 A61P29/00 A61P35/00 C07K14/195 C07K16/12 C12Q1/68.A G01N33/53.D G01N33/53.M G01N33/566 G01N33/569.F G01N33/577.B C12P21/08 C12N15/00.ZNA.A A61K37/02		
F-TERM分类号	4B024/AA01 4B024/AA10 4B024/AA13 4B024/BA31 4B024/CA04 4B024/CA09 4B024/HA14 4B024/HA17 4B063/QA19 4B063/QQ02 4B063/QQ58 4B063/QR55 4B063/QR62 4B063/QS24 4B063/QS34 4B064/AG27 4B064/DA01 4B064/DA11 4B064/DA15 4C084/AA02 4C084/AA07 4C084/BA01 4C084/CA53 4C084/DC50 4C084/NA14 4C084/ZB112 4C084/ZB262 4C084/ZC612 4C085/AA03 4C085/BA07 4C085/CC07 4C085/DD03 4C085/DD07 4C085/DD08 4C085/EE01 4C085/GG01 4H045/AA10 4H045/AA11 4H045/AA30 4H045/BA72 4H045/CA11 4H045/DA76 4H045/DA86 4H045/EA05 4H045/EA31 4H045/EA52		
代理人(译)	高桥 健		
优先权	60/133973 1999-05-13 US		
外部链接	Espacenet		

摘要(译)

本发明总体上涉及用于治疗 and/或预防由细胞内劳森菌或类似或其他相关微生物引起或复发的动物和鸟类的肠道疾病状态的治疗组合。特别地，本发明涉及编码免疫原性的FlgE肽，多肽或蛋白质的劳森菌属，其特别用作疫苗制剂中的抗原以赋予动物宿主抗细胞内劳森菌属和相关病原体的体液免疫性。提供源自细胞内的新基因。本发明还涉及治疗 and/或预防这种肠道疾病状态的方法，以及用于检测胞内劳森菌或类似或其他相关微生物的诊断剂和方法。

